

HOEI HOEI

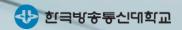
통계·데이터과학과 박서영 교수



통계학개론

목차

- **1** 변수
- 2 질적 데이터의 요약 막대그래프
- ③ 양적 데이터의 요약 히스토그램
- 4 양적 데이터의 요약 점도표, 평균, 분산
- 5 R 패키지 설치



통계학개론

01

변수

변수

- > 변수: 각 단위에 대해 관측되는 특성
- > 데이터: 하나 이상의 변수에 대한 관찰값의 모음

ID	성별	나이	학력	몸무게
1	여	42	고졸	65.0kg
2	남	38	대졸	72.3kg
3	남	25	대학원졸	81.1kg
4	여	51	고졸	58.9kg



변수의 종류

- > 질적 변수(qualitative variable, 범주형 변수): 유한개의 범주 중 하나의 값을 취하는 변수
- > 양적 변수(quantitative variable): 양적인 수치로 측 정되는 변수

ID	성별	나이	학력	몸무게
1	여	42	고졸	65.0kg
2	남	38	대졸	72.3kg
3	남	25	대학원졸	81.1kg
4	여	51	고졸	58.9kg



변수의 종류

- > 질적 변수의 종류
 - 명목형 변수(nominal variable): 범주들에 의미 있는 순서 를 정할 수 없는 질적 변수
 - 순서형 변수(ordinal variable): 범주 간의 의미 있는 순서
 를 정할 수 있는 질적 변수

ID	성별	나이	학력	몸무게
1	여	42	고졸	65.0kg
2	남	38	대졸	72.3kg
3	남	25	대학원졸	81.1kg
4	여	51	고졸	58.9kg

변수의 종류

> 양적 변수의 종류

- 연속형 변수(continuous variable): 어떤 실수 구간 안의 모든 값을 가질 수 있는 변수
- 이산형 변수(discrete variable): 취할 수 있는 값을 셀 수 있는 양적 변수

ID	성별	나이	학력	몸무게
1	여	42	고졸	65.0kg
2	남	38	대졸	72.3kg
3	남	25	대학원졸	81.1kg
4	여	51	고졸	58.9kg

변수의 분포

- > 변수의 데이터에는 변동(variability)이 있다
- 변수의 분포: 변수가 취할 수 있는 모든 값에 대해 각 값이 발생하는 빈도를 나열한 것
- > 도수분포표(frequency table): 데이터에서 각 값의 출 현빈도나 비슷한 값끼리 묶은 구간별로 관측된 데이터 의 개수를 정리한 표



도수분포표예제

> 한 학급의 학생들의 혈액형 분포

혈액형	학생 수
A형	10
B형	8
AB형	3
0형	9

> 한 학급의 학생들의 키 분포

₹ (cm)	학생 수
150 이상 160 미만	4
160 이상 170 미만	11
170 이상 180 미만	13
180 이상 190 미만	2

도수분포표 만드는 법

- > 질적변수의 경우: 각 범주에 속하는 단위의 개수를 제시
- 양적변수의 경우: 계급을 정한 후 각 계급에 속하는 단위의 개수를 제시
 - 계급은 임의로 정할 수 있으나, 각 계급의 폭을 일정하게 하는 것이 좋다
 - 계급의 폭이 너무 좁으면: 계급의 개수가 너무 많아지거나
 각 계급의 도수가 너무 작아진다
 - 계급의 폭이 너무 넓으면: 전체적인 분포가 잘 드러나지 않을 수도 있다
 - 각 계급의 경계점에 놓이는 관찰값의 개수가 적어지도록 계급을 정하는 것이 좋다



도수분포표의 계급

> 한 학급의 학생들의 키 분포

₹ (cm)	학생 수
150 이상 160 미만	4
160 이상 170 미만	11
170 이상 180 미만	13
180 이상 190 미만	2

₹ (cm)	학생 수
150 이상 170 미만	15
170 이상 190 미만	15

키(cm)	학생 수
150 이상 153 미만	1
153 이상 156 미만	0
156 이상 159 미만	3
159 이상 162 미만	0
162 이상 165 미만	4
165 이상 168 미만	3
168 이상 171 미만	4
171 이상 174 미만	5
174 이상 177 미만	5
177 이상 180 미만	3
180 이상 183 미만	1
183 이상 186 미만	1

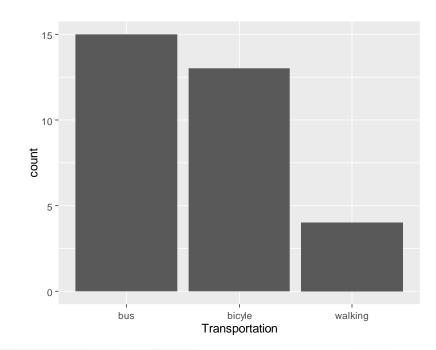
02

질적 데이터의 요약



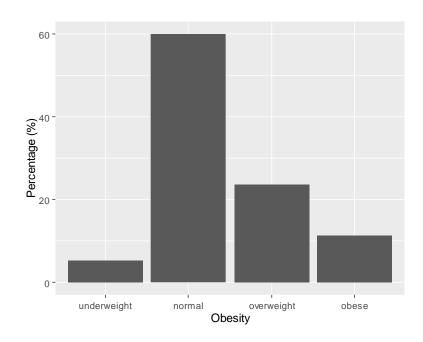
막대그래프

- > 각 범주에 속한 관찰값의 개수 또는 비율을 막대의 길이로 나타낸 그래프
 - 명목형 변수일 때: 큰 빈도부터 작은 빈도, 또는 작은 빈도부터 큰 빈도 순서로 정렬하면 좋다
 - 예제 2-3: 어느 학급 학생들의 등하교 교통수단



막대그래프

- 가 범주에 속한 관찰값의 개수 또는 비율을 막대의 길이로 나타낸 그래프
 - 순서형 변수일 때: 범주의 순서를 지켜서 그리는 것이 좋다
 - 예제 2-4: 어느 의원 환자들의 비만도 분포



원그래프

- > 각 범주에 속한 관찰값의 비율의 원의 면적으로 표현한 그래프
- 막대그래프에 비해서 정보 파악이 어렵기 때문에, 최근에는 선호 되지 않는다
 - 예제 2-5: 어느 학급 학생들의 등하교 교통수단



03

양적데이터의 요약 히스토그램



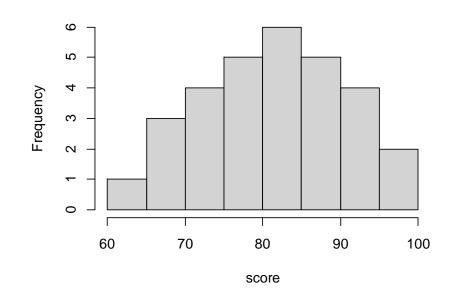
양적 데이터의 요약

양적 데이터의 요약 - 히스토그램

- > 히스토그램, 점도표, 상자그림
- > 평균, 표준편차, 분산
- ▶ 중앙값, 사분위수 범위

히스토그램(histogram)

- > 도수분포표를 그래프로 나타낸 것
- 계급을 수평축에 표시
- > 각 계급의 도수에 비례하는 넓이의 직사각형
 - 예제 2-6: 어느 학급의 영어점수 분포를 나타낸 히스토그램

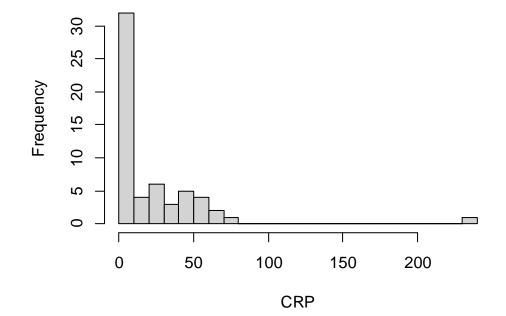


히스토그램과 특이점

- > 히스토그램을 이용하면 특이점을 쉽게 찾을 수 있다
- > 특이점(outlier): 대부분의 데이터로부터 멀리 떨어져 있는 관찰값

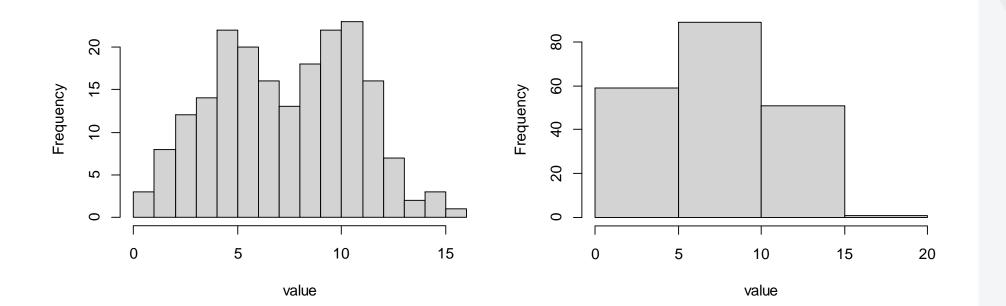
- 예제 2-7: 어느 의원 환자의 C-반응 단백질의 분포를 나타

낸 히스토그램

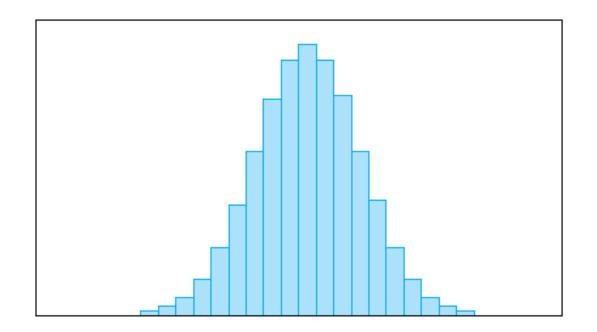


히스토그램과 분포

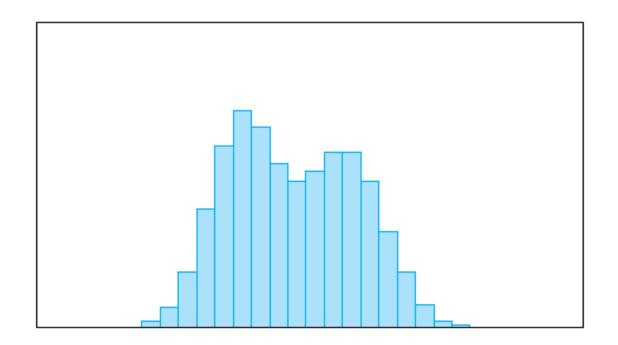
- 히스토그램을 이용하면 전체적인 분포를 한눈에 파악할 수 있다
- 주의점: 같은 데이터라도 계급의 폭에 따라 분포의 특성이 달라보 일 수 있다
 - 예제 2-8: 같은 데이터, 다른 계급 폭



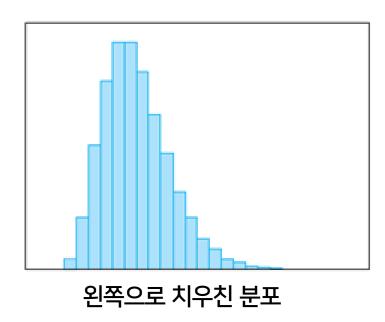
> 종 모양 분포(bell-shaped distribution): 좌우 대칭이고 데이터가 가운데에 모여있다

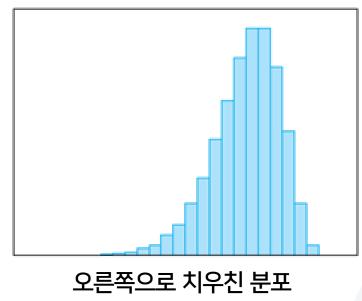


> 쌍봉우리형 분포(bimodal distribution): 2개의 봉우리 주변으로 데이터가 모여있는 분포

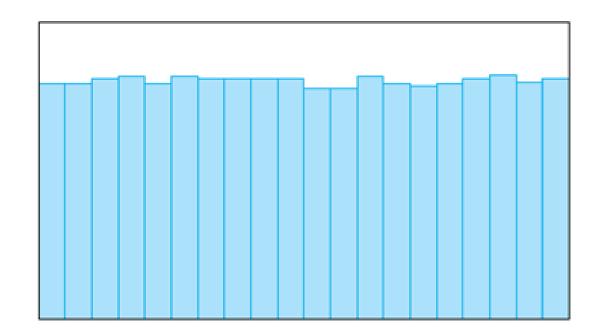


- > 치우친 분포(skewed distribution): 비대칭으로 한쪽 꼬리가 다른 쪽 꼬리보다 긴 분포.
 - 왼쪽으로 치우친 (right-skewed) 분포: 오른쪽 꼬리가 더 길다
 - 오른쪽으로 치우친 (left-skewed) 분포: 왼쪽 꼬리가 더 길다





> 균등분포(uniform distribution): 어떤 범위 내의 값이 고르게 나타나는 분포



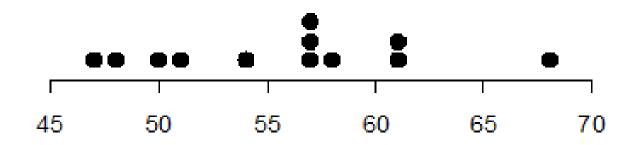
04

양적데이터의요약 점도표, 평균, 분산

점도표

- > 수평선 위에 데이터 값에 해당하는 위치에 점을 찍는 그래프
- > 데이터가 작을 때 유용하다
- > 관찰값의 개수가 20~30개를 넘어가면 너무 복잡해진다
 - 예제: 어느 봉사단체 회원들의 연령을 나타낸 점도표

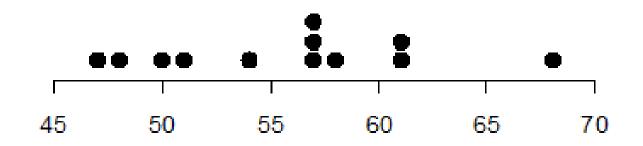
데이터: 57, 61, 45, 57, 48, 58, 57, 61, 54, 50, 68, 51



양적 데이터의 수치 요약

- > 양적 데이터의 관찰값들을 대표하는 수치는 무엇일까?
- > 데이터의 퍼진 정도를 나타내는 수치는 무엇일까?

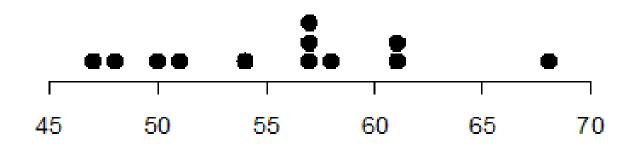
데이터: 57, 61, 45, 57, 48, 58, 57, 61, 54, 50, 68, 51



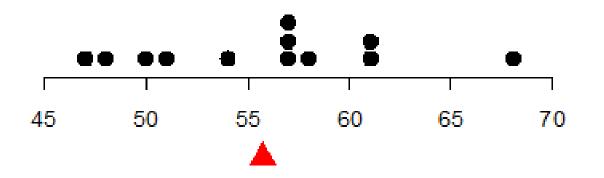
최빈값(mode)

- > 관찰값 중에서 발생빈도가 가장 높은 값
- > 여러개일 수도 있고, 하나도 없을 수도 있다

데이터: 57, 61, 45, 57, 48, 58, 57, 61, 54, 50, 68, 51



무게중심과 평균



- 점도표를 시소 위에 물체가 놓여있는 것으로 생각하면, 시소가 평형을 이루는 무게 중심의 위치가 데이터를 대표한다고 생각할 수 있다
- > 평균(mean): 양적 변수의 분포의 균형을 이루는 무게중심 의 위치에 해당하는 값

평균

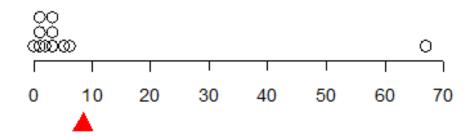
- > 양적 변수의 분포의 균형을 이루는 무게중심의 위치에 해당하는 값
- > 어떤 변수의 관찰값의 총합을 관찰값의 개수로 나눈 값
- > 표본 크기가 n인 표본 데이터의 관찰값을 x_1, x_2, \cdots, x_n 이라고 할 때, 표본 평균은 $\bar{x} = \frac{\sum_{i=1}^n x_i}{n}$ 이다

평균의 특징

- 표본데이터가 기울어진 분포를 가졌거나 특이점이 있는 경우, 평균이 데이터 전체를 잘 대표하지 못한다
- 특이점의 영향을 크게 받는다
 - 예제: 어떤 학급의 각 학생이 한달 동안 읽은 책 수

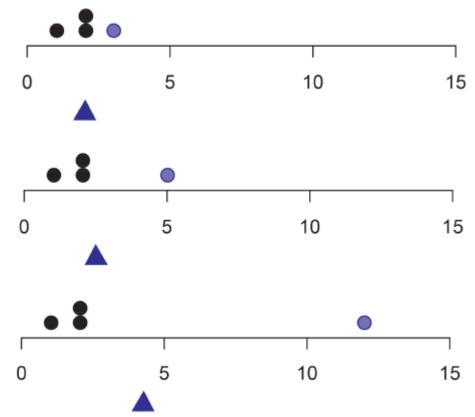
데이터: 6, 0, 1, 3, 1, 5, 2, 3, 1, 3, 67

평균 =
$$\frac{6+0+1+3+1+5+2+3+1+3+67}{11}$$
 = 8.36



평균의 특징

- > 데이터의 분포가 좌우 대칭인 경우 평균은 분포의 가운데에 위치한다
- 데이터 중 하나라도 한쪽으로 치우치면 평균은 특이점 쪽으로 움직이게 된다

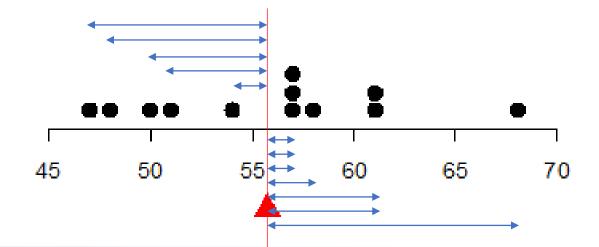


분산과 표준편차

- > 편차: 관찰값 평균
- > 분산(variance): 편차의 제곱의 평균

- 표본분산
$$s^2 = \frac{\sum_{i=1}^{n} (x_i - \bar{x})^2}{n-1}$$

- > 표준편차(standard deviatoin): 분산의 제곱근
 - 표본표준편차 $s = \sqrt{s^2} = \sqrt{\frac{\sum_{i=1}^{n}(x_i \bar{x})^2}{n-1}}$



분산과 표준편차 예제 2-11

학생 10명이 1분당 할 수 있는 윗몸일으키기 개수가 다음과 같다. 표본분산과 표본표준편차를 구하시오. 25, 41, 35, 8, 52, 23, 32, 37, 42, 28

> 명균
$$\bar{x} = \frac{25+41+35+8+52+23+32+37+42+28}{10} = 32.3$$

> 편차와 편차의 제곱

관찰값 (x _i)	편차 $(x_i - \overline{x})$	편차제곱 $(x_i - \overline{x})^2$
25	-7.3	53.29
41	8.7	75.69
28	-4.3	18.49
계	0.0	1336.1

> 표본분산 $s^2 = \frac{1336.1}{10-1} = 148.5$, 표본표준편차 $s = \sqrt{148.5} = 12.2$

분산과 표준편차

- > 분산, 표준편차가 크면 데이터가 평균을 중심으로 광범 위하게 분포되어 있다는 뜻
- > 분산, 표준편차가 작으면 데이터가 평균을 중심으로 조 밀하게 모여 있다는 뜻
- > 분산, 표준편차는 특이점의 영향을 많이 받는다
- > 분산의 단위 = 데이터 측정단위의 제곱
- > 표준편차의 단위 = 데이터 측정단위

변이계수(coefficient of variation)

- 변수 2개 이상의 변동을 비교할 때 분산이나 표준편차를 비교하면 공평한 비교일까?
- >예) 두부 가격의 표준편차 ≪ 아파트 가격의 표준편차
- 변동을 비교할 때는 측정 단위나 데이터 중심위치의 차이를 고려해야한다
- > 변이계수: 표준편차를 평균으로 나눈 값

변이계수 예제

나음은 만 21세 남자 그룹과 만 9세 남아 그룹의 체중의 평균과 표준편차이다. 어느 그룹의 체중의 변동이 더 크다고 할 수 있는가?

	평균	표준편차
만 21세 남자	72kg	11kg
만 9세 남자	32kg	7kg

- 만 21세 남자 변이계수 = 11/72 = 0.153
- 만 9세 남자 변이계수 = 7/32 = 0.219

05

R패키지설치

R패키지

- > R 자체에 내장되지 않은, 사용자들이 개별적으로 만들 어낸 함수들의 모음
- > 누구나 새로운 패키지를 만들어서 공유할 수 있다
- > CRAN((https://cran.r-project.org)에서 Packages>Table of available packages, sorted by name 선택하면 공개된 모든 패키지를 볼 수 있다

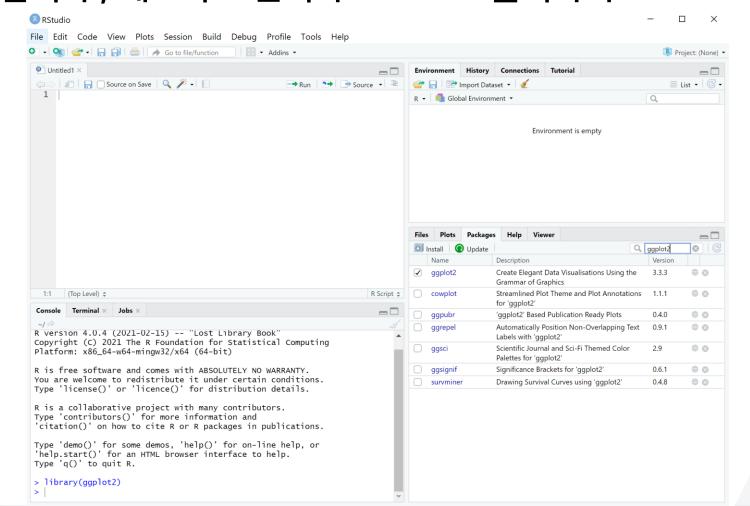
ggplot2 패키지

- > Wilkinson의 The grammar of graphics의 원칙에 따라 그래프를 만들 수 있는 함수들의 모음
- 기본 구조에 레이어를 추가하는 방식으로 원하는 그래 프의 형태를 지정한다
- > 디테일을 상세하게 지정하지 않아도 자동으로 예쁜 그 래프를 그려준다



R 패키지 설치하는 법 1

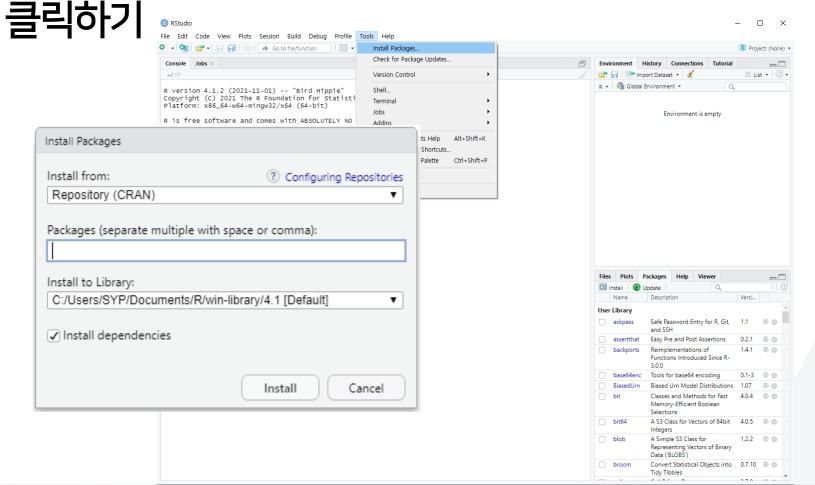
> RStudio의 오른쪽 아래 Packages 창에서 원하는 패키지 이름 검색 후, 체크박스 선택하고 Install 클릭하기





R 패키지 설치하는 법 2

> RStudio의 위쪽 메뉴에서 Tools>Install Packages 메뉴를 선택하고 대화창에 원하는 패키지 이름 입력, Install





R 패키지 설치하는 법 3

> 콘솔에 install.packages("원하는 패키지이름") 입력

```
RStudio
File Edit Code View Plots Session Build Debug Profile Tools Help
◆ Go to file/function
                                            ⊞ ▼ Addins ▼
 Console
       Jobs
  ~/@
 R version 4.1.2 (2021-11-01) -- "Bird Hippie"
 Copyright (C) 2021 The R Foundation for Statistical Computing
 Platform: x86_64-w64-mingw32/x64 (64-bit)
 R is free software and comes with ABSOLUTELY NO WARRANTY.
 You are welcome to redistribute it under certain conditions.
 Type 'license()' or 'licence()' for distribution details.
 R is a collaborative project with many contributors.
 Type 'contributors()' for more information and
 'citation()' on how to cite R or R packages in publications.
 Type 'demo()' for some demos, 'help()' for on-line help, or
 'help.start()' for an HTML browser interface to help.
 Type 'q()' to quit R.
 > install.packages("ggplot2")
 WARNING: Rtools is required to build R packages but is not currently installed. Please download and instal
 I the appropriate version of Rtools before proceeding:
 https://cran.rstudio.com/bin/windows/Rtools/
 Installing package into 'C:/Users/SYP/Documents/R/win-library/4.1'
 (as 'lib' is unspecified)
 trying URL 'https://cran.rstudio.com/bin/windows/contrib/4.1/ggplot2_3.3.5.zip'
 Content type 'application/zip' length 4129599 bytes (3.9 MB)
 downloaded 3.9 MB
 package 'ggplot2' successfully unpacked and MD5 sums checked
 The downloaded binary packages are in
         C:\Users\Public\Documents\ESTsoft\CreatorTemp\RtmpySAZoa\downloaded_packages
```

패키지 로드

- > 패키지를 설치한 후, 반드시 '로드(load)'해야 사용할 수 있다
- > 로드하는 명령어: library(ggplot2)
- > 한번 설치한 패키지는 (일부러 지우거나 R을 업그레이드 하지 않는 한) 없어지지 않으므로 재설치가 필요없다
- > 한번 로드한 패키지는 RStudio를 닫으면 주기억장치에서 사라진다. 따라서 RStudio를 닫았다가 다시 열 경우, 필요 한 패키지를 다시 로드해야한다
 - 따라서 패키지를 로드하는 명령어를 스크립트에 저장하는 것이 좋다

ggplot2 이용하여 그래프 그리기

> 기본 형태

- **>** ggplot()은 먼저 자료의 좌표축을 만든다
- geom function은 mapping = aes() 구문을 통해 x축과
 y축 변수를 지정한다
- > 그래프의 종류에 따라 다른 geom function을 사용한다

> 주의: "+"는 항상 라인의 마지막에 위치해야 한다



교재 예제 2-3의 막대그래프

```
library(ggplot2)
library(forcats)
transp<-c("bicyle", "bus", "bus", "walking", "bus", "bicyle", "bicyle",
          "bus", "bus", "bicyle", "bus", "bicyle", "bicyle", "walking",
          "bus", "bus", "bicyle", "bicyle", "walking", "walking",
          "bicyle", "bus", "bus", "bus", "bicyle",
          "bus", "bus", "bicyle", "bicyle", "bicyle")
dat1<-data.frame(transp)</pre>
ggplot(data=dat1) + geom_bar(mapping=aes(x=transp)) + xlab("Transportation")
ggplot(data=dat1) + geom bar(mapping=aes(x=fct infreq(transp))) +
xlab("Transportation")
```



교재 예제 2-4의 막대그래프



교재 예제 2-5의 원그래프

```
table(transp)
dat3<-data.frame(transportation=c("bus", "bicyle", "walking"), count=c(15, 13, 4))</pre>
ggplot(data=dat3) + geom bar(mapping=aes(x="", y=count, fill=transportation),
stat="identity") +
                        coord polar("y", start=0) + xlab("") + ylab("")
ggplot(data=dat3) + geom_bar(mapping=aes(x="", y=count, fill=transportation),
stat="identity") +
  coord polar("y", start=0) + xlab("") + ylab("") +
  theme(axis.text = element blank(),
        axis.ticks = element blank(),
        panel.grid = element blank())
```

정리하기

- 변수는 질적 변수와 양적 변수로 나뉜다. 질적 변수에는 명목형 변수,
 순서형 변수가 있고, 양적 변수에는 연속형 변수와 이산형 변수가 있다.
- 변수의 분포를 나타내기 위하여 각 값의 출현빈도나 비슷한 값끼리 묶은 구간별로 관측된 데이터의 개수를 정리한 표를 도수분포표라고 한다.
- 막대그래프, 히스토그램, 점도표를 이용하여 데이터를 요약할 수 있다.
- 특이점은 대부분의 데이터로부터 멀리 떨어져있는 관찰값이다.
- 평균은 분포의 무게 중심으로서 관찰값의 총합을 표본크기로 나눈 값이 다. 분산은 편차의 제곱의 평균이고, 표준편차는 분산의 제곱근이다.

3강

다음시간안내

데이터 요약II

