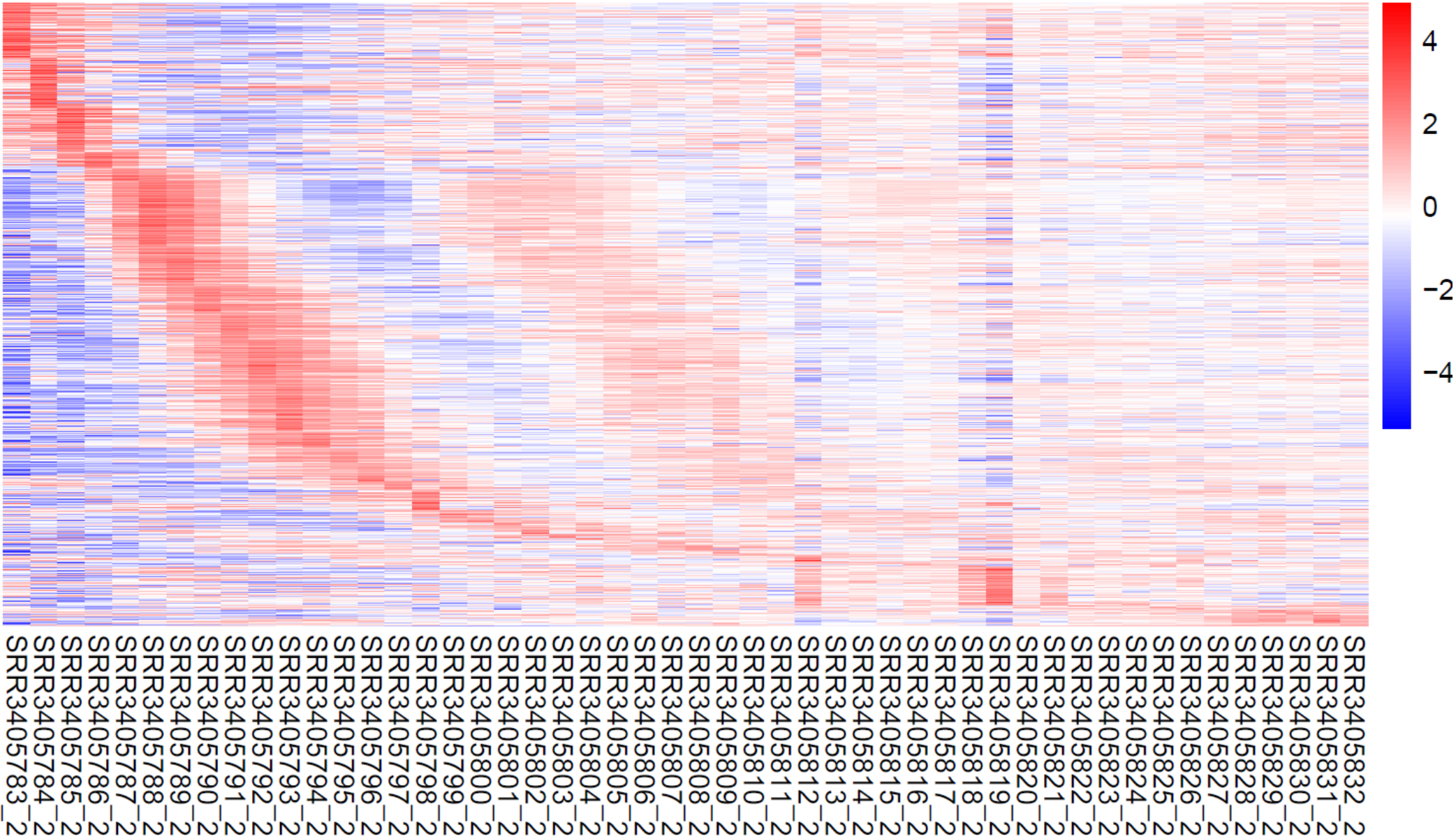


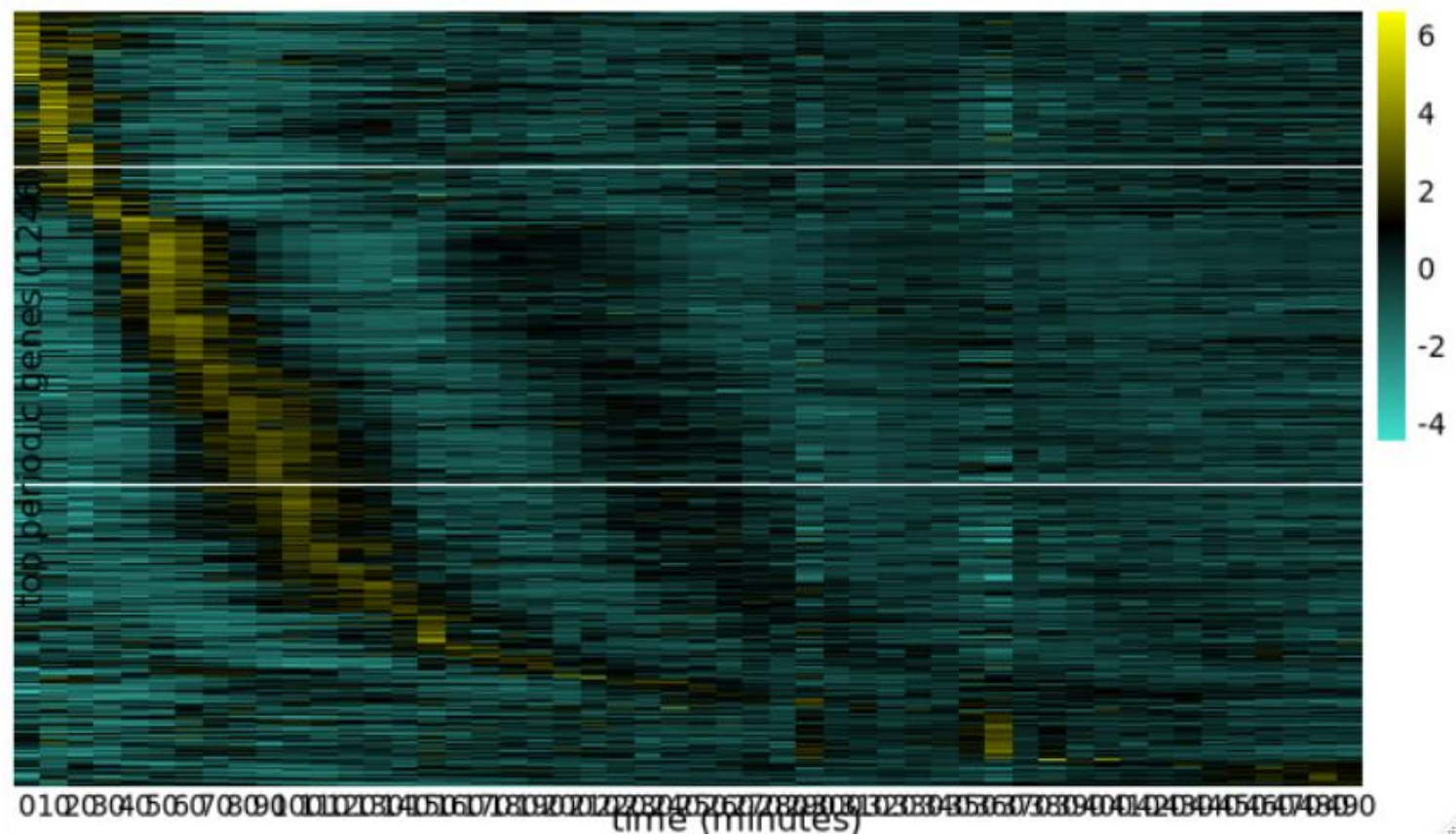
Voici un des prompts utilisés, et dans les diapositives suivantes le résultat de différents binômes qui ont utilisé différentes stratégies :

Bonjour à toi, je dispose d'une table d'expression de gènes, qui comporte les données d'expression de gènes de la levure *S. cerevisiae*. Ce tableau contient en ligne le gènes et en colonne les résultats RNAseq de 50 points de mesures qui ont été réalisés. Je travaille avec le logiciel R et je souhaiterais représenter une heatmap qui me permette de révéler les vagues transcriptionnelles des gènes. Les données sont issues de cet article "Investigating Conservation of the Cell-Cycle-Regulated Transcriptional Program in the Fungal Pathogen, *Cryptococcus neoformans*". Peux tu m'aider à analyser ce jeu de données ?

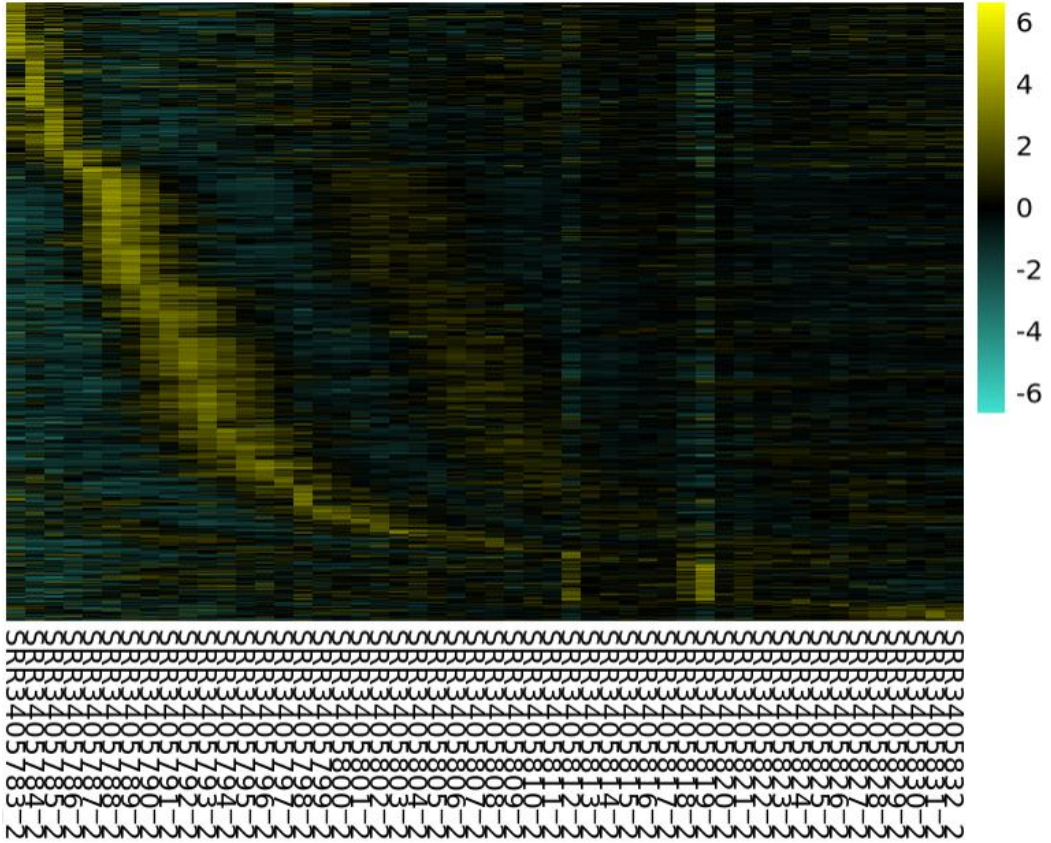
Vagues transcriptionnelles dans *S. cerevisiae*



saccharomyces cerevisiae



Expression des gènes (log2) par point temporel



Heatmap des profils d'expression

