

#### **Avant toutes choses**

Nous aurons besoin du package pheatmap:

- Vérifier que le package pheatmap est bien installé
- · Si non, l'installer, puis le charger

library(pheatmap)

Nous allons également avoir besoin des données fruits :

```
fruits <- readxl::read_excel("fruits.xlsx")</pre>
```

#### Premier essai

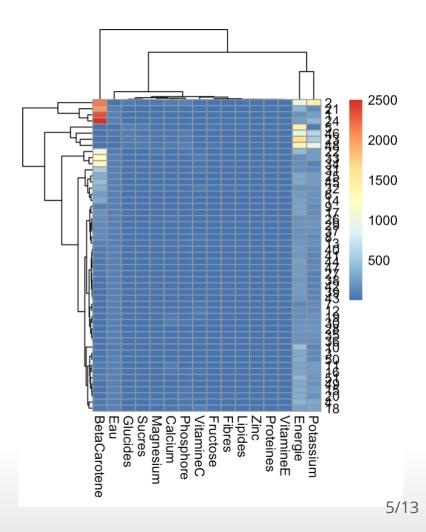
pheatmap(fruits)

```
Error in hclust(d, method = method) :
   NA/NaN/Inf dans un appel à une fonction externe (argument 10)
De plus : Warning messages:
1: In dist(mat, method = distance) :
   NAs introduits lors de la conversion automatique
2: In dist(mat, method = distance) :
   NAs introduits lors de la conversion automatique
```

# Pourquoi ça ne fonctionne pas

#### Deuxième essai

pheatmap(fruits[, -(1:2)])



## C'est déjà mieux?

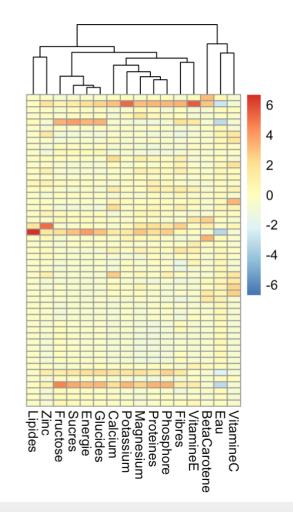
### Les arguments

- cluster\_rows = FALSE: enlever le dendrogramme sur les lignes
- scale = "column": pour standardiser les variables
- show\_rownames = FALSE: pour cacher les noms des lignes
- cellwidth = 10: pour avoir des plus petites cellules

Pour avoir une liste complète des arguments : ?pheatmap

#### Troisième essai

```
pheatmap(
  fruits[, -(1:2)],
  cluster_rows = FALSE,
  scale = "column",
  show_rownames = FALSE,
  cellwidth = 10
)
```

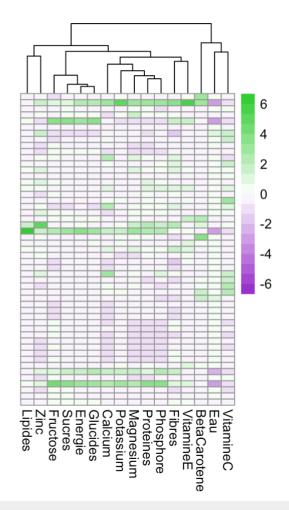


# Comment changer les couleurs?

## Quatrième essai

```
colfun <- colorRampPalette(
   c("darkorchid",
        "white",
        "limegreen"))

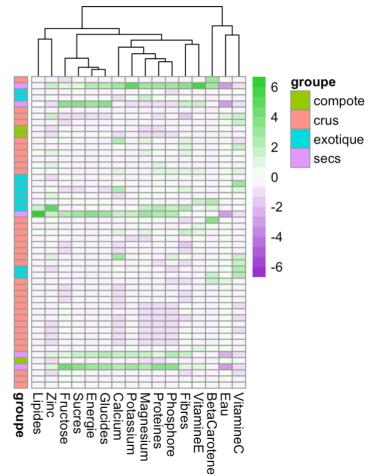
pheatmap(
   fruits[, -(1:2)],
   cluster_rows = FALSE,
   scale = "column",
   show_rownames = FALSE,
   cellwidth = 10,
   color = colfun(20)
)</pre>
```



# Comment ajouter des informations "qualitatives"?

## Cinquième essai

```
colfun <- colorRampPalette(</pre>
  c("darkorchid",
    "white",
    "limegreen"))
fruitsDF <- data.frame(</pre>
  fruits [,-1],
  row.names = make.unique(fruits$nom))
annotLignes <- fruitsDF[, "groupe",</pre>
                          drop = FALSE
pheatmap(
 fruitsDF[, -1],
  cluster_rows = FALSE,
  scale = "column",
  show_rownames = FALSE,
  cellwidth = 10,
  color = colfun(20),
  annotation_row = annotLignes
```



#### A vous!

Changez la commande suivante pour obtenir un joli graphe.

```
pheatmap(
   t(fruits),
   scale = "row",
   color = c("black", "black"),
   legend_breaks = c(-6, 0, +6),
   border_color = "pink",
   cellheight = 100,
   cellwidth = 0.1,
   show_colnames = "FALSE"
)
```