Package 'inesss'

April 12, 2021

Title Institut National Excellence Sante Services Sociaux Version 0.7.3 Description Cette librairie fournit des fonctionnalités pour une variétés de tâches propices au domaine de la santé et des outils pour visualiser les résultats. License GPL-3 Encoding UTF-8 LazyData true Roxygen list(markdown = TRUE) RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass,
Description Cette librairie fournit des fonctionnalités pour une variétés de tâches propices au domaine de la santé et des outils pour visualiser les résultats. License GPL-3 Encoding UTF-8 LazyData true Roxygen list(markdown = TRUE) RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass,
maine de la santé et des outils pour visualiser les résultats. License GPL-3 Encoding UTF-8 LazyData true Roxygen list(markdown = TRUE) RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass,
Encoding UTF-8 LazyData true Roxygen list(markdown = TRUE) RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass, data.table, DBI, fs, knitr, lubridate, miniUI, parallel, odbc, readxl, rmarkdown, rstudioapi, shiny, shinyFiles, stringr, testthat, writexl VignetteBuilder knitr Depends R (>= 4.0.3) R topics documented:
LazyData true Roxygen list(markdown = TRUE) RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass,
Roxygen list(markdown = TRUE) RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass,
RoxygenNote 7.1.1 Imports askpass, data.table, DBI, fs, knitr, lubridate, miniUI, parallel, odbc, readxl, rmarkdown, rstudioapi, shiny, shinydashboard, shinyFiles, stringr, testthat, writexl VignetteBuilder knitr Depends R (>= 4.0.3) R topics documented:
Imports askpass, data.table, DBI, fs, knitr, lubridate, miniUI, parallel, odbe, readxl, rmarkdown, rstudioapi, shiny, shinydashboard, shinyFiles, stringr, testthat, writexl VignetteBuilder knitr Depends R (>= 4.0.3)
data.table, DBI, fs, knitr, lubridate, miniUI, parallel, odbc, readxl, rmarkdown, rstudioapi, shiny, shinydashboard, shinyFiles, stringr, testthat, writexl VignetteBuilder knitr Depends R (>= 4.0.3) R topics documented:
Depends R (>= 4.0.3) R topics documented:
R topics documented:
•
Charlson Dx CCI INSPQ18
Charlson_Dx_UManitoba16

datas_inesss
date_ymd
Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18
formulaire
I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM9
Obstetrics_Dx
Pop_QC
query_naif_switch1
query_stat_gen1
RLS_convert
RLS_list
SQL_comorbidity
SQL_comorbidity_diagn
SQL_connexion
SQL_naif_switch1
SQL_obstetric
SQL_stat_gen1
V_DEM_PAIMT_MED_CM
V_DENOM_COMNE_MED
V_DES_COD
V_PRODU_MED
dex 32

Charlson_Dx_CCI_INSPQ18

Data - Codes diagnostics

Description

Codes SQL regex (se terminent par un '%') à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Charlson_Dx_CCI_INSPQ18')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

 $\verb"aids:AIDS/HIV"$

canc: Any tumor without metastasis cevd: Cerebrovascular disease chf: Congestive heart failure copd: Chronic pulmonary disease

dementia: Dementia

diab: Diabetes, complicated diabwc: Diabetes, uncomplicated

1d: Liver disease

metacanc : Metastatic cancer mi : Myocardial infarction

para: Paralysis rend: Renal disease

rheumd: Rheumatoid arth./collagen vascular disease

ud : Ulcer disease valv : Valvular disease

Source

Validation of the Combined Comorbidity Index of Charlson and Elixhauser to Predict 30-Day Mortality Across ICD-9 and ICD-10. Voir PDF.

Charlson_Dx_UManitoba16

Data - Codes diagnostics

Description

Codes SQL regex (se terminent par un '%') à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Charlson_Dx_UManitoba16')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids: HIV/AIDS canc: Cancer

chf : Congestive Heart Failure cpd : Chronic Pulmonary Disease

ctdrd: Connective Tissue Disease - Rheumatic Disease

cvd: Cerebrovascular Disease

dementia: Dementia

diab : Diabetes with Chronic Complications diabwc : Diabetes without Chronic Complications

1d1: Mild Liver Disease

1d2: Moderate or Severe Liver Disease

mc : Metastatic Carcinoma mi : Myocardial Infarction ph : Paraplegia and Hemiplegia pud : Peptic Ulcer Diseasepvd : Peripheral Vascular Disease

rd: Renal Disease

Source

CANCER DATA LINKAGE IN MANITOBA: EXPANDING THE INFRASTRUCTURE FOR RESEARCH page 72 du document.

```
Combine_Dx_CCI_INSPQ18
```

Data - Codes diagnostics

Description

Codes SQL regex (se terminent par un '%') à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Combine_Dx_CCI_INSPQ18')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

Contient les codes des datas Charlson_Dx_CCI_INSPQ18 et Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18.

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids: AIDS/HIV alcohol: Alcohol abuse blane: Blood loss anemia

canc: Any tumor without metastasis

carit : Cardiac arrhythmias cevd : Cerebrovascular disease chf : Congestive heart failure

coag: Coagulopathy

copd : Chronic pulmonary disease

dane : Deficiency anemia dementia : Dementia depre : Depression

diab: Diabetes, complicated diabwc: Diabetes, uncomplicated

drug : Drug abuse

fed: Fluid and electrolyte disorders

hyp: Hypertension

hypothy: Hypothyroidism

ld: Liver disease

comorbidity 5

metacanc : Metastatic cancer mi : Myocardial infarction nd : Neurological disorders

obes : Obesity para : Paralysis

pvd: Peripheral vascular disorders

psycho: Psychoses

pcd: Pulmonary circulation disorders

rend: Renal disease

rheumd: Rheumatoid arth./collagen vascular disease

ud: Ulcer disease valv: Valvular disease wloss: Weight loss

Source

Validation of the Combined Comorbidity Index of Charlson and Elixhauser to Predict 30-Day Mortality Across ICD-9 and ICD-10. Voir PDF.

comorbidity

Comorbidity

Description

Calcul des indicateurs de Charlson, Elixhauser et la combinaison des deux.

Usage

```
comorbidity(
  dt,
  ID,
  DIAGN,
  DATE_DX,
  SOURCE,
  n1 = 30,
  n2 = 730,
  Dx_table = "Comorbidity_Dx_CCI_INSPQ18",
  scores = "CCI_INSPQ_2018_CIM10",
  confirm_sourc = list(MEDECHO = 1, BDCU = 2, SMOD = 2),
  exclu_diagn = NULL,
  keep_confirm_data = FALSE
)
```

Arguments

dt Dataset ayant au moins les quatre (4) colonnes ID, DIAGN, DATE_DX et SOURCE.

ID Nom de la colonne indiquant le numéro de l'usager, de l'individu.

DIAGN Nom de la colonne indiquant le code d'un diagnostic.

Voir names(inesss::Comorbidity_diagn_codes).

DATE_DX Nom de la colonne indiquant la date du diagnostic.

6 ComorbidityWeights

SOURCE Nom de la colonne indiquant la provenance du diagnostic.

n1, n2 Nombre de jours dans le but de construire l'intervalle [n1,n2]. Pour qu'un code

de diagnostic soit confirmé, il faut que *DIAGNi* soit suivi de *DIAGNj* (où i < j) et que la numbra de jours entre les dans l'intervalle [n.1, n.2].

et que le nombre de jours entre les deux soit dans l'intervalle [n1,n2].

Dx_table Nom du dataset contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude.

• 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18'

- 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18'
- 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18'
- 'Charlson_Dx_UManitoba16'

scores Nom de la table à utiliser pour le calcul des indicateurs. Voir les éléments de la liste ComorbidityWeights.

- 'CCI_INSPQ_2018_CIM9'
- 'CCI_INSPQ_2018_CIM10'
- 'UManitoba_2016'

confirm_sourc

list indiquant la *confiance* des SOURCE. Si une SOURCE doit être confirmée par une autre dans l'intervalle [n1,n2], inscrire 2, sinon 1. Inscrire les sources sous le format : confirm_sourc = list(source1 = 1, source2 = 2, source3 = 2,...). confirm_sourc doit contenir toutes les valeurs uniques de la colonne SOURCE.

exclu_diagn

Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la liste de Dx_table pour connaître les valeurs permises.

keep_confirm_data

TRUE ou FALSE. Place en attribut le data confirm_data qui indique la date de repérage et la date de confirmation d'un diagnostic.

Details

confirm_sourc: Dans l'exemple confirm_sourc = list(source1=1, source2=2, source3=2,...), la source3 pourrait confirmer la source2 et vice-versa.

Value

data.table

ComorbidityWeights

Data - Poids des codes de diagnostics

Description

Data - Poids des codes de diagnostics

Usage

```
data('ComorbidityWeights')
```

datas_inesss 7

Format

list contenant trois (3) tables indiquant la description, le code et le poids :

```
CCI_INSPQ_2018_CIM9
CCI_INSPQ_2018_CIM10
UManitoba_2016
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Voir la source des datas Combine_Dx_CCI_INSPQ18, Charlson_Dx_CCI_INSPQ18, Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18 et Charlson_Dx_UManitoba16

datas_inesss

Datasets - Visualisation

Description

Exploration interactive des datasets du package inesss.

Usage

```
datas_inesss()
```

date_ymd

Date

Description

Retourne une date au format AAAA-MM-JJ. Utile dans des for loop, car dd peut prendre la valeur 'last' (au lieu d'un nombre), donc pas besoin de savoir si le dernier jour du mois est le 28 ou le 29 en février, ou un 30 ou un 31 pour les autres mois.

Usage

```
date_ymd(yyyy, mm, dd)
```

Arguments

yyyy Nombre entier indiquant l'année.

mm Nombre entier compris entre 1 et 12, où 1 indique janvier et 12 décembre.

dd Nombre compris entre 1 et 31 selon les mois. Pour remplacer le dernier jour du

mois (28, 29, 30, 31), il est possible d'inscrire dd = 'last'.

Value

lubridate::as_date

Examples

```
date_ymd(2020, 1, 15)
date_ymd(2020, 10, 31)
date_ymd()
for (yr in 1996:2004) {
   print(date_ymd(yyyy = yr, mm = 2, dd = 'last'))
}
```

Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18

Data - Codes diagnostics

Description

Codes SQL regex (se terminent par un '%') à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids: AIDS/HIV alcohol: Alcohol abuse blane: Blood loss anemia

canc: Any tumor without metastasis

carit : Cardiac arrhythmias chf : Congestive heart failure

coag: Coagulopathy

copd: Chronic pulmonary disease

dane : Deficiency anemia depre : Depression

diab : Diabetes, complicated diabwc : Diabetes, uncomplicated

drug: Drug abuse

fed: Fluid and electrolyte disorders

hyp : Hypertension hypothy : Hypothyroidism

ld: Liver disease

metacanc: Metastatic cancer nd: Neurological disorders

obes : Obesity para : Paralysis

pcd: Pulmonary circulation disorders

formulaire 9

psycho: Psychoses

pvd: Peripheral vascular disorders

rend: Renal disease

rheumd: Rheumatoid arth./collagen vascular disease

ud: Ulcer disease valv: Valvular disease wloss: Weight loss

Source

Validation of the Combined Comorbidity Index of Charlson and Elixhauser to Predict 30-Day Mortality Across ICD-9 and ICD-10. Voir PDF.

formulaire

Formulaire Interactif

Description

Permets d'exécuter des requêtes Excel à partir d'un formulaire interactif. La documentation complète du formulaire, *AIDE_FORMULAIRE_DATE.pdf*, est disponible ici.

Usage

formulaire()

Details

Requêtes via Excel:

Il est conseillé d'utiliser les gabarits Excel pour éviter des erreurs de structures dans les tableaux d'arguments. Les fichiers Excel sont disponibles ici.

I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM

Data - Demandes d'autorisation de Patient-Médicament d'exceptions.

Description

Data - Demandes d'autorisation de Patient-Médicament d'exceptions.

Usage

```
data('I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM')
```

10 Obstetrics_Dx

Format

list

DES_COURT_INDCN_RECNU Valeurs uniques de la description courte complète de l'indication reconnue de PME.

- DES_COURT_INDCN_RECNU: Description courte complète de l'indication reconnue. character.
- DEBUT : Première année (APME_DAT_STA_DEM_PME) où la description courte complète a été inscrite. integer.
- FIN : Dernière année (APME_DAT_STA_DEM_PME) où la description courte complète a été inscrite. integer.

NO_SEQ_INDCN_RECNU_PME Indique la première et la dernière année d'utilisation.

- NO_SEQ_INDCN_RECNU: Numéro de séquence d'indication reconnue PME. integer.
- DD_TRAIT_DEM : Date de début de traitement demandée. character.
- DF_TRAIT_DEM : Date de fin de traitement demandée. character.
- DD_AUTOR : Date de début de l'autorisation PME. character.
- DF_AUTOR : Date de fin de l'autorisation PME. character.
- DD_APLIC_AUTOR: Date de début de l'applicabilité de l'autorisation de PME. character.
- DF_APLIC_AUTOR : Date de fin de l'applicabilité de l'autorisation de PME. character.
- DAT_STA_DEM : Date de création ou de mise à jour du statut d'une demande d'autorisation correspondant à l'attribution du dernier statut de la demande. character.

Source

Dictionnaire EI

Obstetrics_Dx

Data - Codes diagnostics gestationnels

Description

Codes SQL regex (se terminent par un '%') à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics gestationnels pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Obstetrics_Dx')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

 Pop_QC

Pop_QC Data - Estimations et projections de population comparables (1996-2041)

Description

Tableau de la population québécoise par niveau géographique.

Ce fichier présente une série continue de données populationnelles comparables composée de la série des estimations (1996-2019) et de la série des projections (2020-2041) de population. Ces données tiennent compte de l'évolution de la population selon les plus récentes données observées de naissances, décès et mouvements migratoires.

Il est à noter que ces données de population sont présentées sur la base du découpage territorial du réseau de la santé et des services sociaux, soit pour les territoires suivants : le Québec, les réseaux universitaires intégrés de santé et de services sociaux (RUISSS), les régions sociosanitaires (RSS), les réseaux territoriaux de services (RTS), les réseaux locaux de services (RLS) et les centres locaux de services communautaires (CLSC).

Usage

data('Pop_QC')

Format

Tableau de 8 variables et 2 595 320 observations :

GEO Niveau géographique : Québec, RUISSS, RSS, RTS, RLS, CLSC. character.

CODE Code du territoire. integer.

AN Année. integer.

TYPE Type de données : Estimations ou Projections. character.

STATUT Donnée révisée ou provisoire. NA indique que la donnée n'a pas été changée depuis la dernière publication. character.

SEXE character.

AGE integer.

POP Population. integer.

Details

Attention AGE = 90 équivaut à 90 ans et plus.

La classe des colonnes est character lorsque c'est du texte ou integer lorsque c'est un nombre.

Mise en ligne : 25 février 2016.

Dernière modification: 24 avril 2020. **Publication no**: EstimProjComp-ISQ.

La fiche d'information et technique de cette base de données est disponible avec le fichier Excel

12 query_naif_switch1

```
(voir Source).
```

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

MSSS Données de population. Fichier Excel utilisé.

```
query_naif_switch1 Code\ SQL
```

Description

Générateur de code SQL pour la méthode naif_switch1.

Usage

```
query_naif_switch1(
  debut,
  fin,
  type_rx = "DENOM",
  codes,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL,
  njours_sans_conso = 365,
  code_serv = c("1", "AD"),
  code_serv_filtre = "Exclusion",
  code_list = NULL,
  code_list_filtre = "Inclusion",
  ...
)
```

Arguments

debut Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).

fin Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).

codes Traitement(s) d'intérêt(s). Vecteur comprenant le ou les codes d'analyse au format numérique, sans zéros.

rx_retrospect_a_exclure

Traitement(s) à inclure dans la période rétrospective. Voir *Details*. Un individu

Traitement(s) à inclure dans la période rétrospective. Voir *Details*. Un individu qui a au moins un traitement durant la période rétrospective ne sera pas considéré comme *naïf* ou *switch*.

njours_sans_conso

Nombre de jours qu'un individu ne doit pas avoir reçu de traitements avant sa date de référence (index) pour être considéré *naïf* ou *switch*.

Vecteur de type character comprenant le ou les codes de service (SMED_COD_SERV_1) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.

code_serv_filtre

code_serv

'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de service code_serv. Inscrire code_serv = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

query_naif_switch1 13

code_list

Vecteur de type character comprenant le ou les codes de catégories de liste de médicaments (SMED_COD_CATG_LISTE_MED) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.

code_list_filtre

'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de catégories de liste de médicaments code_list. Inscrire code_list = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

type_Rx Indique le type de code analysé :

- 'DENOM' : Code de dénomination commune (SMED_COD_DENOM_COMNE).
- 'DIN' : Code d'identification du médicament (SMED_COD_DIN).

Details

```
rx_retrospect_a_exclure:
La période rétrospective est construite à partir des dates de références (index) et de l'argument
njours_sans_conso: [INDEX -njours_sans_conso; INDEX -1].

code_serv_filtre, code_list_filtre:
'Exclusion' inclus les NULL
```

Value

Chaîne de caractères à utiliser dans une requête SQL.

'Inclusion' exclus les NULL.

Examples

```
### DENOM
cat(query_naif_switch1(
  debut = '2019-01-01', fin = '2019-12-31',
  type_rx = 'DENOM', codes = 47946,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
))
### DIN
cat(query_naif_switch1(
  debut = '2019-01-01', fin = '2019-12-31',
  type_rx = 'DIN', codes = 2257238,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
### Plusieurs codes
cat(query_naif_switch1(
  debut = '2019-01-01', fin = '2019-12-31',
  type_rx = 'DENOM', codes = c(39, 47135, 48222),
  rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
))
### rx_retrospect_a_exclure
# Plusieurs, dont celui inclus dans 'codes'
```

14 query_stat_gen1

```
cat(query_naif_switch1(
  debut = '2019-01-01', fin = '2019-12-31',
  type_rx = 'DENOM', codes = 47946,
  rx_retrospect_a_exclure = c(47946, 48222, 48259), njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion'
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
))
# Plusieurs, sans celui inclus dans 'codes'
cat(query_naif_switch1(
  debut = '2019-01-01', fin = '2019-12-31',
  type_rx = 'DENOM', codes = 47946,
  rx_retrospect_a_exclure = c(48222, 48259, 43012), njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
))
### Exclusion vs Inclusion
cat(query_naif_switch1(
  debut = '2019-01-01', fin = '2019-12-31',
  type_rx = 'DENOM', codes = 47946,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
  code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion',
code_list = c('40', '41'), code_list_filtre = 'Inclusion'
))
```

query_stat_gen1

Code SQL

Description

Générateur de code SQL pour la méthode stat_gen1.

Usage

```
query_stat_gen1(
  debut,
  fin,
  type_Rx = "DENOM",
  codes,
  group_by = "Codes",
  code_serv = c("1", "AD"),
  code_serv_filtre = "Exclusion",
  code_list = NULL,
  code_list_filtre = "Inclusion",
  ...
)
```

Arguments

debut Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).

fin Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).

type_Rx Indique le type de code analysé :

query_stat_gen1 15

- 'DENOM' : Code de dénomination commune (SMED_COD_DENOM_COMNE).
- 'DIN' : Code d'identification du médicament (SMED_COD_DIN).

codes

Vecteur comprenant le ou les codes d'analyse au format numérique, sans zéros.

group_by

Regrouper (aggréger) les résultats par :

- 'Codes': Résultats par code analysé.
- 'Teneur' : Résultats par teneur du médicament (SMED_COD_TENR_MED) incluant les valeurs absentes.
- 'Format': Résultats par format d'acquisition du médicament (SMED_COD_FORMA_ACQ_MED) incluant les valeurs absentes.

code_serv

Vecteur de type character comprenant le ou les codes de service (SMED_COD_SERV_1) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.

code_serv_filtre

'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de service code_serv. Inscrire code_serv = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

code_list

Vecteur de type character comprenant le ou les codes de catégories de liste de médicaments (SMED_COD_CATG_LISTE_MED) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.

code_list_filtre

'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de catégories de liste de médicaments code_list. Inscrire code_list = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

Details

Méthode stat_gen1:

Statistiques descriptives tirées de la vue V_DEM_PAIMT_MED_CM.

group_by: Revient à utiliser la commande group by dans le code SQL.

```
code_serv_filtre, code_list_filtre:
'Exclusion' inclus les NULL
'Inclusion' exclus les NULL.
```

Value

Chaîne de caractères à utiliser dans une requête SQL.

Examples

```
### Avantages d'utiliser cat() si c'est pour afficher du code dans la console.
# Avec cat()
cat(query_stat_gen1(
  debut = '2020-01-01', fin = '2020-12-31',
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135, 48222), group_by = 'Codes',
  code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion'
))
# Sans cat()
query_stat_gen1(
  debut = '2020-01-01', fin = '2020-12-31',
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135, 48222), group_by = 'Codes',
  code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion'
)
```

16 RLS_convert

```
### GROUP_BY
# group_by = NULL : resultats par periode d'etude.
cat(query_stat_gen1(
  debut = '2020-01-01', fin = '2020-12-31',
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135, 48222),
  group_by = NULL,
 code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion'
))
# group_by = 'Codes' : resultats par code d'analyse.
cat(query_stat_gen1(
  debut = '2020-01-01', fin = '2020-12-31',
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135, 48222),
  group_by = 'Codes',
 code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion'
))
# group_by = c('Teneur', 'Format') : resultats par teneur et format.
cat(query_stat_gen1(
  debut = '2020-01-01', fin = '2020-12-31',
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135, 48222),
  group_by = c('Teneur', 'Format'),
 code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion'
))
### Exclusion VS Inclusion
cat(query_stat_gen1(
  debut = '2020-01-01', fin = '2020-12-31',
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135, 48222),
  group_by = NULL,
 code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion',
 code_list = c('40', '41'), code_list_filtre = 'Inclusion'
))
```

RLS_convert

Data - Correspondance RLS Loi 10

Description

Établir la correspondance des RLS avant et après l'adoption de la loi 10.

Usage

```
data('RLS_convert')
```

Format

Tableau de 2 variables et 84 observations :

RLS14 Code de RLS avant l'adoption de la loi 10. integer.

RLS15 Code de RLS après l'adoption de la loi 10. integer.

RLS_list 17

Details

Certains RLS ne peuvent être convertis, car leur valeur se retrouve avant et après l'adoption de la loi 10.

attr(RLS_convert, "RLS_exclus") indique les quatre (4) RLS exclus: 611, 612, 1611, 1612. attr(RLS_convert, "RLS_exclus_value") renvoie un tableau indiquant les valeurs avant et après l'adoption de la loi 10 pour ces quatre (4) RLS.

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Correspondance Etablissement Public Loi 10. Fichier Excel utilisé.

RLS_list

Data - Liste des RLS

Description

Vecteur contenant la liste des 93 RLS plus 3 valeurs utiles lors d'analyse : 1001, 1701, 1801.

Usage

```
data('RLS_list')
```

Format

Vecteur integer de 96 nombres.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

SQL_comorbidity

Comorbidity

Description

Extraction des codes de diagnostics CIM pour ensuite calculer les indicateurs de Charlson et Elixhauser.

18 SQL_comorbidity

Usage

```
SQL_comorbidity(
  conn,
  dt,
  ID,
 DATE_INDEX,
 Dx_table = "Combine_Dx_CCI_INSPQ18",
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  scores = "CCI_INSPQ_2018_CIM10",
  lookup = 2,
 n1 = 30,
 n2 = 730,
 dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
    "I_SMOD_SERV_MD_CM"),
 dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MEDECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MEDECHO",
    V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
  confirm_sourc = list(MEDECHO = 1, BDCU = 2, SMOD = 2),
  obstetric_exclu = TRUE,
  exclu_diagn = NULL,
  verbose = TRUE,
  keep_confirm_data = FALSE
)
```

Arguments

Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion. conn dt Tableau ayant au moins deux colonnes: ID et DATE_INDEX.

Nom de la colonne contenant l'identifiant unique de l'usager. ID

DATE_INDEX Nom de la colonne contenant la date index de chaque usager.

Dx_table Nom du dataset contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude.

• 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18'

• 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18'

• 'Elixhauser_Dx_CCI_INSP018'

• 'Charlson_Dx_UManitoba16'

'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le CIM numéro de révision de la Classification statistique internationale des maladies

et des problèmes de santé connexes (CIM).

Nom de la table à utiliser pour le calcul des indicateurs. Voir les éléments de la scores liste ComorbidityWeights.

'CCI_INSPQ_2018_CIM9'

• 'CCI_INSPQ_2018_CIM10'

• 'UManitoba_2016'

lookup Nombre entier. Années à analyser avant la date indexe de chaque individu.

> Nombre de jours dans le but de construire l'intervalle [n1,n2]. Pour qu'un code de diagnostic soit confirmé, il faut que *DIAGNi* soit suivi de *DIAGNj* (où i < j)

et que le nombre de jours entre les deux soit dans l'intervalle [n1,n2].

Nombre de jours dans le but de construire l'intervalle [n1,n2]. Pour qu'un code

de diagnostic soit confirmé, il faut que DIAGNi soit suivi de DIAGNj (où i < j)

et que le nombre de jours entre les deux soit dans l'intervalle [n1,n2].

n2

n1

SQL_comorbidity 19

dt_source Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information.

Voir Details.

dt_desc list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format

list(BD = 'MaDescription'). Voir Details.

confirm_sourc list indiquant la confiance des SOURCE. Si une SOURCE doit être confirmée

par une autre dans l'intervalle [n1,n2], inscrire 2, sinon 1. Inscrire les sources sous le format : confirm_sourc = list(source1 = 1, source2 = 2, source3 = 2,...). confirm_sourc doit contenir toutes les valeurs uniques de la colonne

SOURCE.

obstetric_exclu

TRUE ou FALSE. Si l'on doit exclure (TRUE) les diabètes et les hypertensions de

type gestationnel. Voir Détails.

exclu_diagn Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la

liste de Dx_table pour connaître les valeurs permises.

verbose TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics

d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

keep_confirm_data

TRUE ou FALSE. Place en attribut le data confirm_data qui indique la date de repérage et la date de confirmation d'un diagnostic.

Details

dt: Si un ID a plus d'une date index, seule la première, la plus ancienne, sera conservée.

obstetric_exclu : Lorsqu'un cas de diabète ou d'hypertension a lieu 120 jours avant ou 180 jours après un évènement obstétrique, on les considère de type gestationnel. Ces cas sont alors exclus de l'analyse.

dt_source:

- V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM: Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.
- V_SEJ_SERV_HOSP_CM : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.
- V_EPISO_SOIN_DURG_CM : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- I_SMOD_SERV_MD_CM : Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins.

Value

data.table:

- ID : Colonne contenant l'identifiant unique de l'usager.
- Charlson: Indicateur, seulement si method contient 'Charlson'.
- Elixhauser: Indicateur, seulement si method contient 'Elixhauser'.
- Combined: Indicateur, seulement si method contient 'Charlson' et 'Elixhauser'.
- Tous les diagnostics ainsi que leur poids (score).

SQL_comorbidity_diagn Extraction - Codes diagn comorbidity

Description

Extraction SQL des diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
SQL_comorbidity_diagn(
  conn,
  cohort,
  debut,
  fin,
  Dx_table = "Combine_Dx_CCI_INSPQ18",
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
        "I_SMOD_SERV_MD_CM"),
  dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MEDECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MEDECHO",
        V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
    exclu_diagn = NULL,
    verbose = TRUE
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion.
cohort	Cohorte d'étude. Vecteur comprenant les numéros d'identification des individus à conserver.
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
Dx_table	Nom du dataset contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude.
	• 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18'
	• 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18'
	• 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18'
	• 'Charlson_Dx_UManitoba16'
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).
dt_source	Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information. Voir <i>Details</i> .
dt_desc	list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format list(BD = 'MaDescription'). Voir <i>Details</i> .
exclu_diagn	Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la liste de Dx_table pour connaître les valeurs permises.
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

SQL_connexion 21

Details

dt_source:

 V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM: Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.

- V_SEJ_SERV_HOSP_CM : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.
- V_EPISO_SOIN_DURG_CM : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- I_SMOD_SERV_MD_CM: Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins.

Value

data.table de 4 variables:

- ID : Numéro d'identification de l'usager.
- DATE_DX : Date de diagnostic.
- DIAGN: Code descriptif des diagnostics provenant de diagn_codes.
- SOURCE : Indique d'où provient l'information. Une valeur parmi dt_source.

SQL_connexion

Connexion Teradata

Description

Connexion entre R et SQL Teradata.

Usage

```
SQL_connexion(uid, pwd = NULL, dsn = "PEI_PRD", encoding = "latin1")
```

Arguments

uid Identifiant.

pwd Mot de passe. Si NULL, le mot de passe est demandé lors de l'exécution.

dsn Data Source Name. Par défaut 'PEI_PRD'.

encoding 'latin1' ou 'UTF-8'. Encodage de la base de données. Par défaut 'latin1'.

Value

Connexion Teradata, sinon NULL.

Examples

```
## Not run:
conn <- SQL_connexion('abc007')
conn <- SQL_connexion(uid = 'abc007', pwd = 'MonMotDePasse', dsn = 'PEI_PRD')
## End(Not run)</pre>
```

22 SQL_naif_switch1

QL_naif_switch1 Naïfs et Switchs

Description

Statistiques générales pour un ou des médicaments à partir d'une cohorte consommant ce(s) médicament(s) pour la première fois.

Un individu est considéré naïf lorsqu'il a un traitement pour la première fois et qu'il n'a jamais eu d'autres traitements de la même famille.

Un individu est considéré switch lorsqu'il a un traitement pour la première fois, mais qu'il a eu un autre traitement dans le passé appartenant à la même famille.

Vue utilisée : V_DEM_PAIMT_MED_CM.

Usage

```
SQL_naif_switch1(
  conn,
  debut,
  fin,
  type_rx = "DENOM",
  codes,
  grouper_par = NULL,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL,
  njours_sans_conso = 365,
  code_serv = c("1", "AD"),
  code_serv_filtre = "Exclusion",
  code_list = NULL,
  code_list_filtre = "Inclusion",
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion.	
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).	
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).	
codes	Traitement(s) d'intérêt(s). Vecteur comprenant le ou les codes d'analyse au format numérique, sans zéros.	
grouper_par	Regrouper (aggréger) les résultats par :	
	• 'Codes' : Résultats par code analysé.	
rx_retrospect_a_exclure		
	Traitement(s) à inclure dans la période rétrospective. Voir <i>Details</i> . Un individu	

Traitement(s) à inclure dans la période rétrospective. Voir *Details*. Un individu qui a au moins un traitement durant la période rétrospective ne sera pas considéré comme naïf ou switch.

njours_sans_conso

Nombre de jours qu'un individu ne doit pas avoir reçu de traitements avant sa date de référence (index) pour être considéré naïf ou switch.

Vecteur de type character comprenant le ou les codes de service (SMED_COD_SERV_1) code_serv

à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.

SQL_naif_switch1 23

```
code_serv_filtre
```

'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de service code_serv. Inscrire code_serv = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

code_list

Vecteur de type character comprenant le ou les codes de catégories de liste de médicaments (SMED_COD_CATG_LISTE_MED) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.

code_list_filtre

'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de catégories de liste de médicaments code_list. Inscrire code_list = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

Details

```
rx_retrospect_a_exclure:
```

La période rétrospective est construite à partir des dates de références (index) et de l'argument njours_sans_conso : [INDEX -njours_sans_conso ; INDEX -1].

```
code_serv_filtre, code_list_filtre:
'Exclusion' inclus les NULL
'Inclusion' exclus les NULL.
```

Value

data. table contenant certaines de ces colonnes selon les cas :

- DATE_DEBUT : Date(s) de début de la période d'étude.
- DATE_FIN : Date(s) de fin de la période d'étude.
- MNT_MED : Montant autorisé par la RAMQ pour le médicament ou le produit. Il comprend la part du grossiste (s'il y a lieu) et la part du manufacturier.
- MNT_SERV : Montant de frais de service autorisé par la RAMQ à la date du service.
- MNT_TOT: Somme des variables MNT_MED et MNT_SERV.
- COHORTE: Nombre d'individus unique.
- NBRE_RX : Nombre de prescriptions/paiements.
- QTE_MED : Quantité totale des médicaments ou des fournitures dispensés.
- DUREE_TX : Durée de traitement totale des prescriptions en jours.
- DENOM ou DIN : Code(s) analysé(s) à l'intérieur de la période d'étude.
- RX_RETROSPECT_A_EXCLURE : Code(s) de médicament(s) qui n'ont *jamais* été consommé(s) durant la période rétrospective.
- NJOURS_SANS_CONSO : Nombre de jours qu'un individu ne doit pas avoir reçu de traitements avant sa date de référence (index) pour être considéré comme *naïf* ou *switch*.

Examples

```
## Not run:
### DENOM
dt1 <- SQL_naif_switch1(
    conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
    type_rx = 'DENOM', codes = c(47873, 47958, 48213), grouper_par = 'Codes',
    rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
    code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
    code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
)</pre>
```

24 SQL_obstetric

```
### GROUPER_PAR = NULL - Plusieurs codes pour un meme type de traitement
dt2 <- SQL_naif_switch1(</pre>
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_rx = 'DENOM', codes = c(47873, 47958, 48213), grouper_par = NULL,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
)
### DIN
dt3 <- SQL_naif_switch1(</pre>
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_rx = 'DIN', codes = 2241927, grouper_par = NULL,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL, njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
### RX_RETROSPECT_A_EXCLURE conteant plus de valeurs que CODES (avec ou sans les memes valeurs)
dt4 <- SQL_naif_switch1(</pre>
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_rx = 'DIN', codes = c(2257238, 2272903), grouper_par = NULL,
  rx_retrospect_a_exclure = c(2042479, 2042487, 2257238, 2272903, 2317192, 2317206),
  njours_sans_conso = 365,
  code_serv = '1', code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = NULL, code_list_filtre = 'Inclusion'
## End(Not run)
```

SQL_obstetric

Extraction - Codes diagn obstetriques

Description

Extraction des événements obstétriques.

Usage

```
SQL_obstetric(
  conn,
  cohort,
  debut,
  fin,
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
    "I_SMOD_SERV_MD_CM"),
  dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MED-ECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MED-ECHO",
    V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
  verbose = TRUE
)
```

Arguments

conn

Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion.

SQL_stat_gen1 25

cohort	Cohorte d'étude. Vecteur comprenant les numéros d'identification des individus à conserver.
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).
dt_source	Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information. Voir <i>Details</i> .
dt_desc	list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format list(BD = 'MaDescription'). Voir <i>Details</i> .
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

Details

dt_source:

- V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM: Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.
- V_SEJ_SERV_HOSP_CM : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.
- V_EPISO_SOIN_DURG_CM : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- I_SMOD_SERV_MD_CM: Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins.

SQL_stat_gen1

Statistiques générales

Description

Statistiques d'un ou de plusieurs codes de médicaments selon certains critères.

Vue utilisée : V_DEM_PAIMT_MED_CM.

Usage

```
SQL_stat_gen1(
  conn,
  debut,
  fin,
  type_Rx = "DENOM",
  codes,
  group_by = "Codes",
  code_serv = c("1", "AD"),
  code_serv_filtre = "Exclusion",
  code_list = NULL,
  code_list_filtre = "Inclusion"
```

26 SQL_stat_gen1

Arguments

Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion. conn debut Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur). fin Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur). type_Rx Indique le type de code analysé: • 'DENOM' : Code de dénomination commune (SMED_COD_DENOM_COMNE). • 'DIN' : Code d'identification du médicament (SMED_COD_DIN). codes Vecteur comprenant le ou les codes d'analyse au format numérique, sans zéros. Regrouper (aggréger) les résultats par : group_by • 'Codes' : Résultats par code analysé. • 'Teneur': Résultats par teneur du médicament (SMED_COD_TENR_MED) incluant les valeurs absentes. 'Format': Résultats par format d'acquisition du médicament (SMED_COD_FORMA_ACQ_MED) incluant les valeurs absentes. Vecteur de type character comprenant le ou les codes de service (SMED_COD_SERV_1) code_serv à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL. code_serv_filtre 'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de service code_serv. Inscrire code_serv = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer. code_list Vecteur de type character comprenant le ou les codes de catégories de liste de médicaments (SMED_COD_CATG_LISTE_MED) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL. code_list_filtre 'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de catégories de liste de médicaments

code_list. Inscrire code_list = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.

Details

code_serv_filtre, code_list_filtre:
'Exclusion' inclus les NULL
'Inclusion' exclus les NULL.

Value

data. table contenant certaines de ces colonnes selon les cas :

- DATE_DEBUT : Date(s) de début de la période d'étude.
- DATE_FIN : Date(s) de fin de la période d'étude.
- DENOM ou DIN : Code(s) analysé(s) à l'intérieur de la période d'étude.
- NOM_DENOM ou NOM_MARQ_COMRC : Nom de la dénomination commune ou le nom de la marque de commerce.
- TENEUR : Teneur du médicament.
- FORMAT_ACQ : Format d'acquisition du médicament.
- MNT_MED : Montant autorisé par la RAMQ pour le médicament ou le produit. Il comprend la part du grossiste (s'il y a lieu) et la part du manufacturier.
- MNT_SERV : Montant de frais de service autorisé par la RAMQ à la date du service.
- MNT_TOT : Somme des variables MNT_MED et MNT_SERV.

- COHORTE : Nombre d'individus unique.
- NBRE_RX : Nombre de prescriptions/paiements.
- QTE_MED : Quantité totale des médicaments ou des fournitures dispensés.
- DUREE_TX : Durée de traitement totale des prescriptions en jours.

Examples

```
## Not run:
### GROUP_BY
# Aucun group by
dt1 <- SQL_stat_gen1(</pre>
  conn = conn,
  debut = c('2017-01-01', '2018-01-01'), fin = c('2017-12-31', '2018-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 48222), group_by = NULL
)
# Codes - DENOM
dt2 <- SQL_stat_gen1(</pre>
  conn = conn,
  debut = c('2017-01-01', '2018-01-01'), fin = c('2017-12-31', '2018-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 48222), group_by = 'Codes'
# Codes - DIN
dt3 <- SQL_stat_gen1(
  conn = conn,
  debut = c('2017-01-01', '2018-01-01'), fin = c('2017-12-31', '2018-12-31'),
  type_Rx = 'DIN', codes = c(30848, 585092), group_by = 'Codes'
)
# Codes et Format
dt4 <- SQL_stat_gen1(
  conn = conn,
  debut = c('2017-01-01', '2018-01-01'), fin = c('2017-12-31', '2018-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 48222), group_by = c('Codes', 'Format')
)
# Teneur
dt5 <- SQL_stat_gen1(</pre>
 conn = conn,
 debut = c('2017-01-01', '2018-01-01'), fin = c('2017-12-31', '2018-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 48222), group_by = 'Teneur'
### Exclusion & Inclusion
dt6 <- SQL_stat_gen1(</pre>
  conn = conn,
  debut = c('2017-01-01', '2018-01-01'), fin = c('2017-12-31', '2018-12-31'),
  type_Rx = DENOM', codes = c(39, 47092, 48222), group_by = 'Codes',
 code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = c('03', '40', '41'), code_list_filtre = 'Inclusion'
## End(Not run)
```

Description

Base de données sur les demandes de paiement de médicaments.

Usage

```
data('V_DEM_PAIMT_MED_CM')
```

Format

list:

DENOM_DIN_AHFS Valeurs uniques des combinaisons 1) codes de dénomination communes, 2) codes DIN et 3) codes de classe AHFS.

- DENOM : Code de dénomination commune. character.
- DIN : Code d'identification du médicament. integer.
- AHFS_CLA: Classe AHFS. character.
- AHFS_SCLA: Sous-classe AHFS. character.
- AHFS_SSCLA: Sous-sous-classe AHFS. character.
- NOM_DENOM: Description du code DENOM. character.
- MARQ_COMRC : Nom de la marque commerciale. character.
- AHFS_NOM_CLA: Nom de la classe AHFS. character.
- DEBUT : Première année où la combinaison a été inscrite. integer.
- FIN: Dernière année où la combinaison a été inscrite. integer.

COD_AHFS Codes de classe AHFS.

- AHFS_CLA: Classe AHFS. character.
- AHFS_SCLA : Sous-classe AHFS. character.
- AHFS_SSCLA : Sous-sous-classe AHFS. character. AHFS_NOM_CLA : Nom de la classe AHFS. character.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit. integer.
- FIN : Dernière année où le code a été inscrit. integer.
- COD_DENOM_COMNE Codes de dénominations communes qui existent dans la base de données V DEM PAIMT MED CM.
 - DENOM : Code de dénomination commune. character.
 - NOM_DENOM: Description du code DENOM.
 - DEBUT : Première année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
 - FIN : Dernière année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.

COD_DIN Description des codes d'identification du médicament :

- DIN : Code d'identification du médicament. integer.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
- FIN : Dernière année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
- **COD_SERV** Description et années d'utilisation des codes de service. NA indique que le code n'a pas été utilisé.
 - COD_SERV : Code de service. character.
 - SERV_1 : Première et dernière année que le code de service a été inscrit dans la colonne SMED_COD_SERV_1. character.
 - SERV_2 : Première et dernière année que le code de service a été inscrit dans la colonne SMED_COD_SERV_2. character.
 - SERV_3 : Première et dernière année que le code de service a été inscrit dans la colonne SMED_COD_SERV_3. character.
 - COD_SERV_DESC : Description du code de service. character.

COD STA DECIS Codes de statut de décision qui existent dans la base de données V DEM PAIMT MED CM.

- COD_STA_DECIS: Code de statut de décision. character.
- COD_STA_DESC : Description du code de statut de décision. character.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
- FIN: Dernière année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création

Source

Dictionnaire EI

V_DENOM_COMNE_MED

Data

Description

Description des codes de dénomination commune.

Usage

data('V_DENOM_COMNE_MED')

Format

Tableau de 7 variables :

DENOM Code de dénomination commune (NMED_COD_DENOM_COMNE). character.

DATE_DEBUT Date à laquelle cette dénomination commune est apparue pour la première fois (NMED_DD_DENOM_COMNE). Date.

DATE_FIN Date à laquelle la dénomination commune a cessé d'être utilisée (NMED_DF_DENOM_COMNE). Date.

NOM_DENOM Nom de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_DENOM_COMNE). character.

NOM_DENOM_SYNON Synonyme du nom de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_DENOM_COMNE_SYNON). character.

NOM_DENOM_ANGLAIS Nom anglais de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_ANGL_DENOM_COMNE). character.

NOM_DENOM_SYNON_ANGLAIS Synonyme du nom anglais de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_ANGL_DENOM_SYNON). character.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Dictionnaire EI.

30 V_PRODU_MED

V_DES_COD

Data

Description

Domaine de valeurs pour les différents codes de l'environnement informationnel.

Usage

```
data('V_DES_COD')
```

Format

Tableau de 5 variables :

CODE Valeurs codifiées que peut prendre un élément (CODE_VAL_COD). character.

TYPE_CODE Nom identifiant un élément de données (CODE_NOM_COD). character.

 ${f CODE_DESC}$ Description du code (CODE_DES). character.

DATE_DEBUT Date de début de la période d'application (CODE_DD_DES_COD). Date.

DATE_FIN Date de fin de la période d'application (CODE_DF_DES_COD). Date.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Dictionnaire EI.

V_PRODU_MED

Data

Description

Produit qui peut faire l'objet d'une facturation. Règle générale, c'est un médicament conçu par un fabricant.

Usage

```
data('V_PRODU_MED')
```

 V_{PRODU_MED} 31

Format

Tableau de 5 variables :

NOM_MARQ_COMRC Nom sous lequel est commercialisé un produit pharmaceutique.

- DENOM : Code de dénomination commune (NMED_COD_DENOM_COMNE). character.
- DIN : Code d'identification du médicament (NMED_COD_DIN). integer.
- NOM_MARQ_COMRC : Nom sous lequel est commercialisé un produit pharmaceutique ($NMED_NOM_MARQ_COMRC$). character.
- DATE_DEBUT : Date d'entrée en vigueur de la mise à jour à laquelle est relié l'ajout ou la modification de cette occurrence (NMED_DD_PRODU_MED). Date.
- DATE_FIN : Date d'entrée en vigueur de la mise à jour **moins un jour** de l'occurrence suivante (NMED_DF_PRODU_MED). Date.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Dictionnaire EI.

Index

```
* datasets
                                                 SQL_obstetric, 24
    Charlson_Dx_CCI_INSPQ18, 2
                                                 SQL_stat_gen1, 25
    {\tt Charlson\_Dx\_UManitoba16,3}
    Combine_Dx_CCI_INSPQ18, 4
    ComorbidityWeights, 6
                                                 V_DES_COD, 30
    Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18,8
    I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM, 9
    Obstetrics_Dx, 10
    Pop_QC, 11
    RLS_convert, 16
    RLS_list, 17
    V_DEM_PAIMT_MED_CM, 27
    V_DENOM_COMNE_MED, 29
    V_DES_COD, 30
    V_PRODU_MED, 30
Charlson_Dx_CCI_INSPQ18, 2, 7
Charlson_Dx_UManitoba16, 3, 7
Combine_Dx_CCI_INSPQ18, 4, 7
comorbidity, 5
ComorbidityWeights, 6
datas_inesss, 7
date_ymd, 7
Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18, 7, 8
formulaire, 9
I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM, 9
Obstetrics_Dx, 10
Pop_QC, 11
query_naif_switch1, 12
query_stat_gen1, 14
RLS_convert, 16
RLS_list, 17
SQL_comorbidity, 17
SQL_comorbidity_diagn, 20
SQL_connexion, 18, 20, 21, 22, 24, 26
SQL_naif_switch1, 22
```

32