

Package ‘inesss’

July 16, 2021

Title Institut National Excellence Sante Services Sociaux

Version 1.0.0.9002

Description Cette librairie fournit des fonctionnalités pour une variété de tâches propices au domaine de la santé et des outils pour visualiser les résultats.

License GPL-3

Encoding UTF-8

LazyData true

Roxygen list(markdown = TRUE)

RoxygenNote 7.1.1

Imports askpass,
data.table,
DBI,
fs,
kableExtra,
knitr,
lubridate,
miniUI,
parallel,
odbc,
Rd2md,
readxl,
rmarkdown,
rstudioapi,
shiny,
shinydashboard,
shinyFiles,
stringr,
testthat,
writexl

VignetteBuilder knitr

Depends R (>= 4.0.3)

R topics documented:

Charlson_Dx_CCI_INSPQ18	2
Charlson_Dx_UManitoba16	3

chunk_vec	4
CIM10	5
CIM9	5
CIM_correspond	6
Combine_Dx_CCI_INSPQ18	6
comorbidity	7
ComorbidityWeights	9
confirm_nDx	10
date_ymd	11
Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18	12
file_directory	13
install_RDCOMClient	14
I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM	14
Obstetrics_Dx	15
outlook_mail	15
Pop_QC	16
replace_NA_in_dt	17
RLS_convert	17
RLS_list	18
RLS_tab_convert	18
rmNA	19
SQL_comorbidity	20
SQL_comorbidity_diagn	22
SQL_connexion	24
SQL_diagn	25
SQL_naif_switch1	27
SQL_obstetric	30
SQL_reperage_cond_med	32
SQL_stats_SMED_NBR_JR_DUREE_TRAIT	33
SQL_stat_gen1	34
sunique	37
V_DEM_PAINT_MED_CM	37
V_DENOM_COMNE_MED	39
V_DES_COD	39
V_PRODU_MED	40
Index	41

Charlson_Dx_CCI_INSPQ18

Table ou Liste

Description

Codes SQL à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Charlson_Dx_CCI_INSPQ18')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids : AIDS/HIV
 canc : Any tumor without metastasis
 cevd : Cerebrovascular disease
 chf : Congestive heart failure
 copd : Chronic pulmonary disease
 dementia : Dementia
 diab : Diabetes, complicated
 diabwc : Diabetes, uncomplicated
 ld : Liver disease
 metacanc : Metastatic cancer
 mi : Myocardial infarction
 para : Paralysis
 rend : Renal disease
 rheumd : Rheumatoid arth./collagen vascular disease
 ud : Ulcer disease
 valv : Valvular disease

Source

Validation of the Combined Comorbidity Index of Charlson and Elixhauser to Predict 30-Day Mortality Across ICD-9 and ICD-10. Voir PDF.

Charlson_Dx_UManitoba16

Table ou Liste

Description

Codes SQL à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Charlson_Dx_UManitoba16')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9, CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids : HIV/AIDS
 canc : Cancer
 chf : Congestive Heart Failure
 cpd : Chronic Pulmonary Disease
 ctdrd : Connective Tissue Disease - Rheumatic Disease
 cvd : Cerebrovascular Disease

dementia : Dementia
 diab : Diabetes with Chronic Complications
 diabwc : Diabetes without Chronic Complications
 ld1 : Mild Liver Disease
 ld2 : Moderate or Severe Liver Disease
 mc : Metastatic Carcinoma
 mi : Myocardial Infarction
 ph : Paraplegia and Hemiplegia
 pud : Peptic Ulcer Disease
 pvd : Peripheral Vascular Disease
 rd : Renal Disease

Source

CANCER DATA LINKAGE IN MANITOBA: EXPANDING THE INFRASTRUCTURE FOR RE-SEARCH page 72 du document.

chunk_vec	<i>Astuce</i>
-----------	---------------

Description

En utilisant `n_chunks` : divise le vecteur `x` en `n_chunks` parties.
 En utilisant `n_vals` : divise le vecteur `x` pour avoir au maximum `n_vals` valeurs dans chaque partie.
 Utiliser l'argument `n_chunks` ou `n_vals`, pas les deux.

Usage

```
chunk_vec(x, n_chunks = NULL, n_vals = NULL)
```

Arguments

<code>x</code>	Vecteur à tronquer en plusieurs parties.
<code>n_chunks</code>	Diviser le vecteur en <code>n_chunks</code> parties.
<code>n_vals</code>	Chaque partie aura au maximum <code>n_vals</code> valeurs.

Value

list ayant `n_chunks` éléments (ou `as.integer(length(x) / n_vals + 1L)`).

Examples

```

chunk_vec(x = 1:10, n_chunks = 3)
chunk_vec(x = 1:10, n_vals = 3)

```

CIM10

*Table ou Liste***Description**

Version légèrement modifiée par la RAMQ pour la facturation.

Usage

```
data('CIM10')
```

Format

Tableau de 2 variables et 15487 observations :

CODE Code de diagnostic CIM-10. character.

DIAGNOSTIC Description du code de diagnostic. character.

Source

[Répertoire des diagnostics.](#)

CIM9

*Table ou Liste***Description**

Version légèrement modifiée par la RAMQ pour la facturation.

Usage

```
data('CIM9')
```

Format

Tableau de 2 variables et 7184 observations :

CODE Code de diagnostic CIM-9. character.

DIAGNOSTIC Description du code de diagnostic. character.

Source

[Répertoire des diagnostics.](#)

CIM_correspond

Table ou Liste

Description

Tableau de correspondance entre la CIM-9 et la CIM-10

Usage

```
data('CIM_correspond')
```

Format

Tableau de 4 variables et 25866 observations :

CIM9 Code de diagnostic CIM-9. character.

CIM9_DESC Description du code de diagnostic. character.

CIM10 Code de diagnostic CIM-10. character.

CIM10_DESC Description du code de diagnostic. character.

Source

[Répertoire des diagnostics.](#)

Combine_Dx_CCI_INSPQ18

Table ou Liste

Description

Codes SQL à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Combine_Dx_CCI_INSPQ18')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

Contient les codes des datas Charlson_Dx_CCI_INSPQ18 et Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18.

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids : AIDS/HIV
alcohol : Alcohol abuse
blane : Blood loss anemia
canc : Any tumor without metastasis
carit : Cardiac arrhythmias
cevd : Cerebrovascular disease
chf : Congestive heart failure
coag : Coagulopathy
copd : Chronic pulmonary disease
dane : Deficiency anemia
dementia : Dementia
depre : Depression
diab : Diabetes, complicated
diabwc : Diabetes, uncomplicated
drug : Drug abuse
fed : Fluid and electrolyte disorders
hyp : Hypertension
hypothy : Hypothyroidism
ld : Liver disease
metacanc : Metastatic cancer
mi : Myocardial infarction
nd : Neurological disorders
obes : Obesity
para : Paralysis
pvd : Peripheral vascular disorders
psycho : Psychoses
pcd : Pulmonary circulation disorders
rend : Renal disease
rheumd : Rheumatoid arth./collagen vascular disease
ud : Ulcer disease
valv : Valvular disease
wloss : Weight loss

Source

Validation of the Combined Comorbidity Index of Charlson and Elixhauser to Predict 30-Day Mortality Across ICD-9 and ICD-10. Voir PDF.

comorbidity

Astuce

Description

Calcul des indicateurs de *Charlson*, *Elixhauser* et la combinaison des deux.

Usage

```
comorbidity(
  dt,
  ID,
  DIAGN,
  DATE_DX,
  SOURCE,
  n1 = 30,
  n2 = 730,
  Dx_table = "Comorbidity_Dx_CCI_INSPQ18",
  scores = "CCI_INSPQ_2018_CIM10",
  confirm_sourc = list(MEDECHO = 1, BDCU = 2, SMOD = 2),
  exclu_diagn = NULL,
  keep_confirm_data = FALSE
)
```

Arguments

dt	Dataset ayant au moins les quatre (4) colonnes ID, DIAGN, DATE_DX et SOURCE.
ID	Nom de la colonne indiquant le numéro de l'utilisateur, de l'individu.
DIAGN	Nom de la colonne indiquant le code d'un diagnostic. Voir <code>names(inesss::Comorbidity_diagn_codes)</code> .
DATE_DX	Nom de la colonne indiquant la date du diagnostic.
SOURCE	Nom de la colonne indiquant la provenance du diagnostic.
n1, n2	Nombre de jours dans le but de construire l'intervalle [n1,n2]. Pour qu'un code de diagnostic soit confirmé, il faut que <i>DIAGNi</i> soit suivi de <i>DIAGNj</i> (où $i < j$) et que le nombre de jours entre les deux soit dans l'intervalle [n1,n2].
Dx_table	list personnelle contenant les codes de diagnostics ou nom du dataset (de la librairie <i>inesss</i>) contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude. <ul style="list-style-type: none"> 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18' 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18' 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18' 'Charlson_Dx_UManitoba16'
scores	Nom de la table à utiliser pour le calcul des indicateurs. Voir les éléments de la liste <code>ComorbidityWeights</code> . <ul style="list-style-type: none"> 'CCI_INSPQ_2018_CIM9' 'CCI_INSPQ_2018_CIM10' 'UManitoba_2016'
confirm_sourc	list indiquant la <i>confiance</i> des SOURCE. Si une SOURCE doit être confirmée par une autre dans l'intervalle [n1,n2], inscrire 2, sinon 1. Inscrire les sources sous le format : <code>confirm_sourc = list(source1 = 1, source2 = 2, source3 = 2, ...)</code> . <code>confirm_sourc</code> doit contenir toutes les valeurs uniques de la colonne SOURCE.
exclu_diagn	Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la liste de <code>Dx_table</code> pour connaître les valeurs permises.
keep_confirm_data	TRUE ou FALSE. Place en attribut (voir fonction <code>base::attributes</code>) le data <code>confirm_data</code> qui indique la date de repérage et la date de confirmation d'un diagnostic.

Details

`confirm_sourc` : Dans l'exemple `confirm_sourc = list(source1=1, source2=2, source3=2, ...)`, la source3 pourrait confirmer la source2 et vice-versa.

`Dx_table` : Il n'est pas nécessaire d'inclure un pourcentage à la fin de chaque code. Le programme le fait automatiquement s'il n'y en a pas. Par exemple inscrire le code I25 et I25% revient au même.

Value

`data.table`

ComorbidityWeights	<i>Table ou Liste</i>
--------------------	-----------------------

Description

Liste contenant plusieurs tables. Chaque table indique les poids des codes de diagnostics à utiliser dans l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('ComorbidityWeights')
```

Format

list contenant des `data.table` :

CCI_INSPQ_2018_CIM9

CCI_INSPQ_2018_CIM10

UManitoba_2016

Details

L'attribut `MaJ` indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Voir la source des datas [Combine_Dx_CCI_INSPQ18](#), [Charlson_Dx_CCI_INSPQ18](#), [Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18](#) et [Charlson_Dx_UManitoba16](#)

confirm_nDx

*Astuce***Description**

Confirmation d'un diagnostic par d'autres diagnostics lorsque ceux-ci se retrouvent dans un intervalle précis.

Usage

```
confirm_2Dx(
  dt,
  ID,
  DATE,
  DIAGN = NULL,
  study_start = NULL,
  study_end = NULL,
  n1 = 30,
  n2 = 730,
  keep_first = FALSE,
  reverse = FALSE
)
```

```
confirm_3Dx(
  dt,
  ID,
  DATE,
  DIAGN = NULL,
  study_start = NULL,
  study_end = NULL,
  n1 = 30,
  n2 = 730,
  keep_first = FALSE,
  reverse = FALSE
)
```

Arguments

dt	Table contenant les dates de diagnostics des individus.
ID	Nom de la colonne contenant le numéro d'identification unique des individus.
DATE	Nom de la colonne contenant la date du diagnostic.
DIAGN	Facultatif. Nom de la colonne indiquant les codes de diagnostics.
study_start	Date de début de la période d'étude contenant les dates de repérage . Si NULL, aura pour valeur la première date de dt, la plus ancienne.
study_end	Date de fin de la période d'étude contenant les dates de repérage . Si NULL, aura pour valeur la dernière date de dt, la plus récente.
n1, n2	Nombre de jours permettant de construire l'intervalle [n1; n2] où un code de diagnostic peut en confirmer un autre.

keep_first	TRUE ou FALSE. Permet d'arrêter le processus si on veut conserver la première date qui est confirmée par une autre dans l'intervalle [n1; n2]. Accélère le processus en évitant de confirmer d'autres dates inutilement.
reverse	TRUE ou FALSE. Si on doit faire la vérification en prenant la date la plus récente et en reculant dans le temps.

Exemples

```
dt_ex <- data.frame(
  id = 1L,
  dates = c('2020-01-01', '2020-01-09', '2020-01-10', '2020-01-15', '2020-01-16',
            '2020-01-20', '2020-01-26', '2020-01-31')
)
ex_2dx <- confirm_2Dx(dt = dt_ex, ID = 'id', DATE = 'dates', DIAGN = NULL,
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = FALSE)
ex_2dx_reverse <- confirm_2Dx(dt = dt_ex, ID = 'id', DATE = 'dates', DIAGN = NULL,
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = TRUE)
ex_3dx <- confirm_3Dx(dt = dt_ex, ID = 'id', DATE = 'dates',
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = FALSE)
ex_3dx_reverse <- confirm_3Dx(dt = dt_ex, ID = 'id', DATE = 'dates', DIAGN = NULL,
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = TRUE)

### Avec argument DIAGN
dt_ex_dx <- data.frame(
  id = 1L,
  dates = c('2020-01-01', '2020-01-09', '2020-01-10', '2020-01-15', '2020-01-16',
            '2020-01-20', '2020-01-26', '2020-01-31'),
  dx = c(rep('diab', 4), rep('canc', 4))
)
ex_2dx_diagn <- confirm_2Dx(dt = dt_ex_dx, ID = 'id', DATE = 'dates', DIAGN = 'dx',
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = FALSE)

### study_start & study_end
ex_studydates <- confirm_2Dx(dt = dt_ex, ID = 'id', DATE = 'dates', DIAGN = NULL,
  study_start = '2020-01-10', study_end = '2020-01-20',
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = FALSE)
ex_studydates_rev <- confirm_2Dx(dt = dt_ex, ID = 'id', DATE = 'dates', DIAGN = NULL,
  study_start = '2020-01-10', study_end = '2020-01-20',
  n1 = 10, n2 = 20, reverse = TRUE)
```

date_ymd

Astuce

Description

Retourne une date au format AAAA-MM-JJ. Utile dans des for loop, car dd peut prendre la valeur 'last' (au lieu d'un nombre), donc pas besoin de savoir si le dernier jour du mois est le 28 ou le 29 en février, ou un 30 ou un 31 pour les autres mois.

Usage

```
date_ymd(yyyy, mm, dd)
```

Arguments

yyyy	Nombre entier indiquant l'année.
mm	Nombre entier compris entre 1 et 12, où 1 indique janvier et 12 décembre.
dd	Nombre compris entre 1 et 31 selon les mois. Pour remplacer le dernier jour du mois (28, 29, 30, 31), il est possible d'inscrire dd = 'last'.

Value

lubridate::as_date

Examples

```
date_ymd(2020, 1, 15)
date_ymd(2020, 10, 31)
date_ymd(2020, 6, 'last')
for (yr in 1996:2004) {
  print(date_ymd(yyyy = yr, mm = 2, dd = 'last'))
}
```

Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18

Table ou Liste

Description

Codes SQL regex (se terminent par un '%') à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
data('Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9, CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

aids : AIDS/HIV
 alcohol : Alcohol abuse
 blane : Blood loss anemia
 canc : Any tumor without metastasis
 carit : Cardiac arrhythmias
 chf : Congestive heart failure
 coag : Coagulopathy
 copd : Chronic pulmonary disease
 dane : Deficiency anemia
 depre : Depression
 diab : Diabetes, complicated

diabwc : Diabetes, uncomplicated
drug : Drug abuse
fed : Fluid and electrolyte disorders
hyp : Hypertension
hypothy : Hypothyroidism
ld : Liver disease
metacanc : Metastatic cancer
nd : Neurological disorders
obes : Obesity
para : Paralysis
pcd : Pulmonary circulation disorders
psycho : Psychoses
pvd : Peripheral vascular disorders
rend : Renal disease
rheumd : Rheumatoid arth./collagen vascular disease
ud : Ulcer disease
valv : Valvular disease
wloss : Weight loss

Source

Validation of the Combined Comorbidity Index of Charlson and Elixhauser to Predict 30-Day Mortality Across ICD-9 and ICD-10. Voir PDF.

file_directory	<i>Astuce</i>
----------------	---------------

Description

Emplacement sur le disque dur où le script est sauvegardé.

Usage

```
file_directory()
```

Details

Si le script n'est pas sauvegardé, retourne NULL.

Value

CHR. Emplacement du dossier qui contient le script R.

install_RDCOMClient	<i>Astuce</i>
---------------------	---------------

Description

Installation de la librairie **RDCOMCLIENT**. Si elle est déjà installée, le programme demande si on veut la mettre à jour.

Usage

```
install_RDCOMClient(msg = TRUE)
```

I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM	<i>Domaine de valeur</i>
--------------------------------	--------------------------

Description

Domaine de valeur

Usage

```
data('I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM')
```

Format

list

DES_COURT_INDCN_RECNU Valeurs uniques de la description courte complète de l'indication reconnue de PME.

- DES_COURT_INDCN_RECNU : Description courte complète de l'indication reconnue. character.
- DEBUT : Première année (**APME_DAT_STA_DEM_PME**) où la description courte complète a été inscrite. integer.
- FIN : Dernière année (**APME_DAT_STA_DEM_PME**) où la description courte complète a été inscrite. integer.

NO_SEQ_INDCN_RECNU_PME Indique la première et la dernière année d'utilisation.

- NO_SEQ_INDCN_RECNU : Numéro de séquence d'indication reconnue - PME. integer.
- DD_TRAIT_DEM : Date de début de traitement demandée. character.
- DF_TRAIT_DEM : Date de fin de traitement demandée. character.
- DD_AUTOR : Date de début de l'autorisation PME. character.
- DF_AUTOR : Date de fin de l'autorisation PME. character.
- DD_APLIC_AUTOR : Date de début de l'applicabilité de l'autorisation de PME. character.
- DF_APLIC_AUTOR : Date de fin de l'applicabilité de l'autorisation de PME. character.
- DAT_STA_DEM : Date de création ou de mise à jour du statut d'une demande d'autorisation correspondant à l'attribution du dernier statut de la demande. character.

Source

Dictionnaire EI

Obstetrics_Dx	<i>Table ou Liste</i>
---------------	-----------------------

Description

Codes SQL à utiliser lors de l'extraction des codes de diagnostics gestationnels.

Usage

```
data('Obstetrics_Dx')
```

Format

```
list(Dx = list(CIM9,CIM10))
```

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

outlook_mail	<i>Astuce</i>
--------------	---------------

Description

Envoyer un courriel à partir de Outlook.

ATTENTION Vérifier l'adresse utilisée s'il y a plusieurs comptes.

La librairie **RDCOMClient** doit être installée. Voir la fonction [install_RDCOMClient](#).

Usage

```
outlook_mail(
  to = NULL,
  cc = NULL,
  subject = NULL,
  body = NULL,
  attachments = NULL
)
```

Arguments

to	Destinataire(s). Section From / À.
cc	Destinaire(s). Section Cc.
subject	Objet du courriel.
body	Message du courriel. Utiliser \n pour un retour de ligne.
attachments	Répertoire du ou des fichiers à mettre en pièce jointe.

Examples

```
outlook_mail(to = "Mon.Directeur@inesss.qc.ca",
             cc = "Mon.Colleague@inesss.qc.ca",
             subject = "Projet1 - Finalisation",
             body = "Bonjour,\n Il faudrait se rencontrer pour en discuter.\n
                   Merci\n\n Mon Nom")
```

Pop_QC

Table ou Liste

Description

Tableau de la population québécoise par niveau géographique.

Ce fichier présente une série continue de données populationnelles comparables composée de la série des estimations (1996-2019) et de la série des projections (2020-2041) de population. Ces données tiennent compte de l'évolution de la population selon les plus récentes données observées de naissances, décès et mouvements migratoires.

Il est à noter que ces données de population sont présentées sur la base du découpage territorial du réseau de la santé et des services sociaux, soit pour les territoires suivants : le Québec, les réseaux universitaires intégrés de santé et de services sociaux (RUISSS), les régions sociosanitaires (RSS), les réseaux territoriaux de services (RTS), les réseaux locaux de services (RLS) et les centres locaux de services communautaires (CLSC).

Usage

```
data('Pop_QC')
```

Format

Tableau de 8 variables et 2 595 320 observations :

GEO Niveau géographique : Québec, RUISSS, RSS, RTS, RLS, CLSC. character.

CODE Code du territoire. integer.

AN Année. integer.

TYPE Type de données : Estimations ou Projections. character.

STATUT Donnée révisée ou provisoire. NA indique que la donnée n'a pas été changée depuis la dernière publication. character.

SEXE character.

AGE integer.

POP Population. integer.

Details

Attention AGE = 90 équivaut à *90 ans et plus*.

La classe des colonnes est character lorsque c'est du texte ou integer lorsque c'est un nombre.

Mise en ligne : 25 février 2016.

Dernière modification : 24 avril 2020.

Publication no : EstimProjComp-ISQ.

La fiche d'information et technique de cette base de données est disponible avec le fichier Excel (voir *Source*).

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

MSSS Données de population.

Fichier Excel utilisé.

replace_NA_in_dt	<i>Astuce</i>
------------------	---------------

Description

Remplace les NAs dans un tableau par by.

Usage

```
replace_NA_in_dt(dt, by)
```

Arguments

dt	Tableau contenant des NAs.
by	Valeur de remplacement.

RLS_convert	<i>Conversion RLS</i>
-------------	-----------------------

Description

Le projet de loi n°10 a modifié la plupart des codes RLS (voir la table RLS_tab_convert). Cette fonction permet de convertir les RLS d'une table si elle contient des codes qui existaient avant la loi 10.

Usage

```
RLS_convert(dt, rls_colname)
```

Arguments

- dt Table pouvant contenir des RLS à convertir.
- rls_colname Nom de la colonne contenant les codes de RLS.

Value

data.table

Examples

```
dt = data.frame(id = 1:5,
                age = c(45, 65, 78, 15, 35),
                sexe = c("F", "M", "F", "F", "M"),
                rls = c(1204, 215, 1611, 1503, 1610))
rls_colname = "rls"
dt_convert <- RLS_convert(dt, rls_colname = "rls")
```

RLS_list	Table ou Liste
----------	----------------

Description

Vecteur contenant la liste des 93 RLS plus 3 valeurs utiles lors d’analyse : 1001, 1701, 1801.

Usage

```
data('RLS_list')
```

Format

Vecteur integer de 96 nombres.

Details

L’attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

RLS_tab_convert	Table ou Liste
-----------------	----------------

Description

Établir la correspondance des RLS avant et après l’adoption de la loi 10.

Usage

```
data('RLS_tab_convert')
```

Format

Tableau de 2 variables et 84 observations :

RLS14 Code de RLS **avant** l'adoption de la loi 10. integer.

RLS15 Code de RLS **après** l'adoption de la loi 10. integer.

Details

Certains RLS ne peuvent être convertis, car leur valeur se retrouve avant et après l'adoption de la loi 10.

`attr(RLS_tab_convert, "RLS_exclus")` indique les quatre (4) RLS exclus : 611, 612, 1611, 1612.

`attr(RLS_tab_convert, "RLS_exclus_value")` renvoie un tableau indiquant les valeurs avant et après l'adoption de la loi 10 pour ces quatre (4) RLS.

L'attribut `MaJ` indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Correspondance Etablissement Public Loi 10.

Fichier Excel utilisé.

rmNA	<i>Astuce</i>
------	---------------

Description

Supprime les NAs du vecteur. Renvoie NULL si aucune valeur.

Usage

`rmNA(x)`

Arguments

`x` Vecteur.

Examples

```
rmNA(c(4, 6, 8, NA, 78, 4, NaN))
```

Description

Extraction des codes de diagnostics CIM pour ensuite calculer les indicateurs de Charlson et Elixhauser.

Usage

```
SQL_comorbidity(
  conn = SQL_connexion(),
  dt,
  ID,
  DATE_INDEX,
  Dx_table = "Combine_Dx_CCI_INSPQ18",
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  scores = "CCI_INSPQ_2018_CIM10",
  lookup = 2,
  n1 = 30,
  n2 = 730,
  dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
    "I_SMOD_SERV_MD_CM"),
  dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MEDECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MEDECHO",
    V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
  confirm_sourc = list(MEDECHO = 1, BDCU = 2, SMOD = 2),
  date_dx_var = "depar",
  obstetric_exclu = TRUE,
  exclu_diagn = NULL,
  verbose = TRUE,
  keep_confirm_data = FALSE
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
dt	Tableau ayant au moins deux colonnes : ID et DATE_INDEX.
ID	Nom de la colonne contenant l'identifiant unique de l'utilisateur.
DATE_INDEX	Nom de la colonne contenant la date index de chaque usager.
Dx_table	list personnelle contenant les codes de diagnostics ou nom du dataset (de la librairie <i>insss</i>) contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude. <ul style="list-style-type: none"> 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18' 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18' 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18' 'Charlson_Dx_UManitoba16'
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).

scores	Nom de la table à utiliser pour le calcul des indicateurs. Voir les éléments de la liste ComorbidityWeights. <ul style="list-style-type: none"> 'CCI_INSPQ_2018_CIM9' 'CCI_INSPQ_2018_CIM10' 'UManitoba_2016'
lookup	Nombre entier. Années à analyser avant la date indexe de chaque individu.
n1	Nombre de jours dans le but de construire l'intervalle [n1,n2]. Pour qu'un code de diagnostic soit confirmé, il faut que <i>DIAGNi</i> soit suivi de <i>DIAGNj</i> (où $i < j$) et que le nombre de jours entre les deux soit dans l'intervalle [n1,n2].
n2	Nombre de jours dans le but de construire l'intervalle [n1,n2]. Pour qu'un code de diagnostic soit confirmé, il faut que <i>DIAGNi</i> soit suivi de <i>DIAGNj</i> (où $i < j$) et que le nombre de jours entre les deux soit dans l'intervalle [n1,n2].
dt_source	Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information. Voir <i>Details</i> .
dt_desc	list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format list(BD = 'MaDescription'). Voir <i>Details</i> .
confirm_sourc	list indiquant la <i>confiance</i> des SOURCE. Si une SOURCE doit être confirmée par une autre dans l'intervalle [n1,n2], inscrire 2, sinon 1. Inscrire les sources sous le format : confirm_sourc = list(source1 = 1, source2 = 2, source3 = 2, ...). confirm_sourc doit contenir toutes les valeurs uniques de la colonne SOURCE.
date_dx_var	'admis ou 'depar'. Indique si on utilise la date d'admission ou la date de départ comme date de diagnostic pour l'étude dans les vues V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM, V_SEJ_SERV_HOSP_CM et V_EPISO_SOIN_DURG_CM.
obstetric_exclu	TRUE ou FALSE. Si l'on doit exclure (TRUE) les diabètes et les hypertensions de type gestationnel. Voir <i>Détails</i> .
exclu_diagn	Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la liste de Dx_table pour connaître les valeurs permises.
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.
keep_confirm_data	TRUE ou FALSE. Place en attribut (voir fonction base::attributes) le data confirm_data qui indique la date de repérage et la date de confirmation d'un diagnostic.

Details

dt : Si un ID a plus d'une date index, seule la première, la plus ancienne, sera conservée.

obstetric_exclu : Lorsqu'un cas de diabète ou d'hypertension a lieu 120 jours avant ou 180 jours après un évènement obstétrique, on les considère de type gestationnel. Ces cas sont alors exclus de l'analyse.

dt_source :

- V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM** : Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.
- V_SEJ_SERV_HOSP_CM** : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.

- **V_EPISO_SOIN_DURG_CM** : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- **I_SMOD_SERV_MD_CM** : Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins.

Value

data.table :

- ID : Colonne contenant l'identifiant unique de l'utilisateur.
- nDx : Nombre de diagnostics associé à l'individu.
- Charlson : Indicateur, seulement si method contient 'Charlson'.
- Elixhauser : Indicateur, seulement si method contient 'Elixhauser'.
- Combined : Indicateur, seulement si method contient 'Charlson' et 'Elixhauser'.
- Tous les diagnostics ainsi que leur poids (score).

SQL_comorbidity_diagn *Astuce*

Description

Extraction SQL des diagnostics pour l'étude de la comorbidité.

Usage

```
SQL_comorbidity_diagn(
  conn = SQL_connexion(),
  cohort,
  debut,
  fin,
  Dx_table = "Combine_Dx_CCI_INSPQ18",
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
    "I_SMOD_SERV_MD_CM"),
  dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MEDECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MEDECHO",
    V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
  date_dx_var = "depar",
  typ_diagn = c("A", "P", "S"),
  exclu_diagn = NULL,
  verbose = TRUE
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
cohort	Cohorte d'étude. Vecteur comprenant les numéros d'identification des individus à conserver.
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.

Dx_table	list personnelle contenant les codes de diagnostics ou nom du dataset (de la librairie <i>insss</i>) contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude. <ul style="list-style-type: none"> 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18' 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18' 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18' 'Charlson_Dx_UManitoba16'
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).
dt_source	Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information. Voir <i>Details</i> .
dt_desc	list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format list(BD = 'MaDescription'). Voir <i>Details</i> .
date_dx_var	'admis ou 'depar'. Indique si on utilise la date d'admission ou la date de départ comme date de diagnostic pour l'étude dans les vues V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM, V_SEJ_SERV_HOSP_CM et V_EPISO_SOIN_DURG_CM.
typ_diagn	Type de diagnostic permettant de préciser le genre de diagnostic posé pendant le séjour hospitalier. A = Admission, D = Décès, P = Principal et S = Secondaire. Voir la variable SHOP_TYP_DIAGN_SEJ_HOSP de la vue V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM.
exclu_diagn	Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la liste de Dx_table pour connaître les valeurs permises.
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

Details

dt_source :

- V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM** : Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.
- V_SEJ_SERV_HOSP_CM** : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.
- V_EPISO_SOIN_DURG_CM** : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- I_SMOD_SERV_MD_CM** : Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins. Dx_table : Il n'est pas nécessaire d'inclure un pourcentage à la fin de chaque code. Le programme le fait automatiquement s'il n'y en a pas. Par exemple inscrire le code I25 et I25% revient au même.

Value

data.table de 4 variables :

- ID : Numéro d'identification de l'utilisateur.
- DATE_DX : Date de diagnostic.
- DIAGN : Code descriptif des diagnostics provenant de diagn_codes.
- SOURCE : Indique d'où provient l'information. Une valeur parmi dt_source.

Examples

```
### Inscription des codes de diagnostics dans Dx_table
# 1 code CIM9 ou CIM10
liste1 = list(CIM9 = "413")
liste2 = list(CIM10 = "I20")
# 1 code de chaque
liste3 = list(CIM9 = "413", CIM10 = "I20")
# Plusieurs codes qui se suivent
liste4 = list(CIM9 = 410:414, CIM10 = paste0("I", 21:25))
# Codes qui ne se suivent pas
liste5 = list(CIM9 = c(410, 412, 414), CIM10 = paste0("I", 21, 23, 25))
# Codes qui se suivent et qui ne se suivent pas
liste6 = list(CIM9 = c(405:410, 412:414),
              CIM10 = c(paste0("I", c(18:21, 23:25)),
                        paste0("K0", c(5:9)), paste0("K", 10:15)))
```

SQL_connexion	<i>Astuce</i>
---------------	---------------

Description

Connexion entre R et SQL Teradata.

Usage

```
SQL_connexion(uid = NULL, pwd = NULL, dsn = "PEI_PRD", encoding = "latin1")
```

Arguments

uid	Identifiant. Si NULL, le <i>user</i> est demandé lors de l'exécution.
pwd	Mot de passe. Si NULL, le mot de passe est demandé lors de l'exécution.
dsn	Data Source Name. Par défaut 'PEI_PRD'.
encoding	'latin1' ou 'UTF-8'. Encodage de la base de données. Par défaut 'latin1'.

Value

Connexion Teradata, sinon NULL.

Examples

```
## Not run:
conn <- SQL_connexion('abc007')
conn <- SQL_connexion(uid = 'abc007', pwd = 'MonMotDePasse', dsn = 'PEI_PRD')

## End(Not run)
```


SQL_diagn

Requête Complexe

Description

Extraction SQL des codes de diagnostics..

Usage

```
SQL_diagn(
  conn = SQL_connexion(),
  cohort = NULL,
  debut,
  fin,
  Dx_table,
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
    "I_SMOD_SERV_MD_CM"),
  dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MEDECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MEDECHO",
    V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
  date_dx_var = "admis",
  typ_diagn = c("A", "P", "S", "D"),
  exclu_diagn = NULL,
  verbose = TRUE
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
cohort	Cohorte d'étude. Vecteur comprenant les numéros d'identification des individus à conserver.
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
Dx_table	list personnelle contenant les codes de diagnostics ou nom du dataset (de la librairie <i>inesss</i>) contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude. <ul style="list-style-type: none"> • 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18' • 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18' • 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18' • 'Charlson_Dx_UManitoba16'
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).
dt_source	Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information. Voir <i>Details</i> .
dt_desc	list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format list(BD = 'MaDescription'). Voir <i>Details</i> .
date_dx_var	'admis' ou 'depar'. Indique si on utilise la date d'admission ou la date de départ comme date de diagnostic pour l'étude dans les vues V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM, V_SEJ_SERV_HOSP_CM et V_EPISO_SOIN_DURG_CM.

typ_diagn	Type de diagnostic permettant de préciser le genre de diagnostic posé pendant le séjour hospitalier. A = Admission, D = Décès, P = Principal et S = Secondaire. Voir la variable SHOP_TYP_DIAGN_SEJ_HOSP de la vue V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM.
exclu_diagn	Vecteur contenant le nom du ou des diagnostics à exclure de l'analyse. Voir la liste de Dx_table pour connaître les valeurs permises.
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

Details

dt_source :

- **V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM** : Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.
- **V_SEJ_SERV_HOSP_CM** : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.
- **V_EPISO_SOIN_DURG_CM** : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- **I_SMOD_SERV_MD_CM** : Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins. Dx_table : Il n'est pas nécessaire d'inclure un pourcentage à la fin de chaque code. Le programme le fait automatiquement s'il n'y en a pas. Par exemple inscrire le code I25 et I25% revient au même.

Value

data.table de 4 variables :

- ID : Numéro d'identification de l'utilisateur.
- DATE_DX : Date de diagnostic.
- DIAGN : Code descriptif des diagnostics provenant de diagn_codes.
- SOURCE : Indique d'où provient l'information. Une valeur parmi dt_source.

Examples

```
### Inscription des codes de diagnostics dans Dx_table
# 1 code CIM9 ou CIM10
liste1 = list(CIM9 = "413")
liste2 = list(CIM10 = "I20")
# 1 code de chaque
liste3 = list(CIM9 = "413", CIM10 = "I20")
# Plusieurs codes qui se suivent
liste4 = list(CIM9 = 410:414, CIM10 = paste0("I", 21:25))
# Codes qui ne se suivent pas
liste5 = list(CIM9 = c(410, 412, 414), CIM10 = paste0("I", 21, 23, 25))
# Codes qui se suivent et qui ne se suivent pas
liste6 = list(CIM9 = c(405:410, 412:414),
              CIM10 = c(paste0("I", c(18:21, 23:25)),
                        paste0("K0", c(5:9)), paste0("K", 10:15)))
```

SQL_naif_switch1

Astuce

Description

Statistiques générales pour un ou des médicaments à partir d'une cohorte consommant ce(s) médicament(s) pour la première fois.

Un individu est considéré *naïf* lorsqu'il a un traitement pour la première fois et qu'il n'a jamais eu d'autres traitements *de la même famille*.

Un individu est considéré *switch* lorsqu'il a un traitement pour la première fois, mais qu'il a eu un autre traitement dans le passé appartenant à *la même famille*.

Vue utilisée : [V_DEM_PAINT_MED_CM](#).

Usage

```
SQL_naif_switch1(
  conn = SQL_connexion(),
  debut,
  fin,
  type_Rx = "DENOM",
  codes,
  group_by = "DENOM",
  type_Rx_retro = NULL,
  rx_retrospect_a_exclure = NULL,
  njours_sans_conso = 365,
  code_serv = c("1", "AD"),
  code_serv_filtre = "Exclusion",
  code_list = NULL,
  code_list_filtre = "Inclusion",
  age_date = NULL,
  ...
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ (une seule valeur).
type_Rx	Type de code à analyser. Une valeur parmi : <ul style="list-style-type: none"> 'DENOM' : Code de dénomination commune (SMED_COD_DENOM_COMNE). 'DIN' : Code d'identification du médicament (SMED_COD_DIN).
codes	Le ou les codes à analyser. Voir <i>Details</i> .
group_by	Regrouper (aggréger) les résultats par : <ul style="list-style-type: none"> 'AHFS' : Résultats par code de classe AHFS. 'DENOM' : Résultats par code de dénomination commune. 'DIN' : Résultats par code d'identification du médicament. 'CodeList' : Résultats par code de catégories de liste de médicaments. 'CodeServ' : Résultats par code de service.

	<ul style="list-style-type: none"> • 'Teneur' : Résultats par teneur du médicament. • 'Format' : Résultats par format d'acquisition du médicament. • 'Age' : Résultats par âge à une date précise. Voir argument <code>age_date</code>. L'âge est calculé à partir de la date de naissance disponible dans la vue <code>V_FICH_ID_BEN_CM</code>.
<code>type_Rx_retro</code>	Type de code à exclure. Si NULL, prend la valeur de <code>type_Rx</code> . Une valeur parmi : <ul style="list-style-type: none"> • 'AHFS' : Code identifiant la classe de médicaments telle que déterminée par l'<i>American Hospital Formulary Service</i>. • 'DENOM' : Code de dénomination commune (<code>SMED_COD_DENOM_COMNE</code>). • 'DIN' : Code d'identification du médicament (<code>SMED_COD_DIN</code>).
<code>rx_retrospect_a_exclure</code>	Traitement(s) à inclure dans la période rétrospective. Voir <i>Details</i> . Un individu qui a au moins un traitement durant la période rétrospective ne sera pas considéré comme <i>naïf</i> ou <i>switch</i> .
<code>njours_sans_conso</code>	Nombre de jours qu'un individu ne doit pas avoir reçu de traitements avant sa date de référence (date index) pour être considéré <i>naïf</i> ou <i>switch</i> .
<code>code_serv</code>	Vecteur de type character comprenant le ou les codes de service (<code>SMED_COD_SERV_1</code>) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.
<code>code_serv_filtre</code>	'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de service <code>code_serv</code> . Inscrive <code>code_serv</code> = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.
<code>code_list</code>	Vecteur de type character comprenant le ou les codes de catégories de listes de médicaments (<code>SMED_COD_CATG_LISTE_MED</code>) à exclure ou à inclure, sinon inscrire NULL.
<code>code_list_filtre</code>	'Inclusion' ou 'Exclusion' des codes de catégories de liste de médicaments <code>code_list</code> . Inscrive <code>code_list</code> = NULL s'il n'y a pas de filtre à appliquer.
<code>age_date</code>	Date à laquelle on calcule l'âge si <code>group_by</code> contient 'Age'. Si NULL, aura pour valeur debut.

Details

rx_retrospect_a_exclure :

La période rétrospective est construite à partir des dates de références (index) et de l'argument `njours_sans_conso` : `[INDEX -njours_sans_conso; INDEX -1]`.

code_serv_filtre, code_list_filtre :

'Exclusion' inclus les NULL
 'Inclusion' exclus les NULL.

Value

`data.table`

- `DATE_DEBUT` : Indique la ou les dates de début de la période d'étude.
- `DATE_FIN` : Indique la ou les dates de fin de la période d'étude.
- `AHFS_CLA` : Seulement si `group_by` contient 'AHFS'. Code de la classe AHFS.
- `AHFS_SCLA` : Seulement si `group_by` contient 'AHFS'. Code de la sous-classe AHFS.

- AHFS_SSCLA : Seulement si group_by contient 'AHFS'. Code de la sous-sous-classe AHFS.
- NOM_AHFS : Seulement si group_by contient 'AHFS'. Nom de la classe AHFS.
- DENOM : Seulement si group_by contient 'DENOM'. Code de dénomination commune.
- NOM_DENOM : Seulement si group_by contient 'DENOM'. Nom de la dénomination commune.
- DIN : Seulement si group_by contient 'DIN'. Code d'identification du médicament.
- NOM_MARQ_COMRC : Seulement si group_by contient 'DIN'. Nom de la marque commerciale.
- CODE_SERV : Seulement si group_by contient 'CodeServ'. Code de service,
- **CODE_LIST : ** Seulement si group_by contient 'CodeList'. Code de catégorie de listes de médicaments.
- TENEUR : Seulement si group_by contient 'Teneur'. Teneur du médicament.
- FORMAT_ACQ : Seulement si group_by contient 'Format'. Format d'acquisition du médicament.
- AGE : Seulement si group_by contient 'Age'. Age de l'individu à la date age_date.
- MNT_MED : Montant autorisé par la RAMQ pour le médicament ou le produit. Il comprend la part du grossiste (s'il y a lieu) et la part du fabricant. Voir la variable SMED_MNT_AUTOR_MED.
- MNT_SERV : Montant de frais de service autorisé par la RAMQ à la date du service. Voir la variable SMED_MNT_AUTOR_FRAIS_SERV.
- MNT_TOT : Somme des variables MNT_MED et MNT_SERV.
- COHORTE : Nombre d'individus unique.
- NBRE_RX : Nombre de demandes de paiement.
- QTE_MED : Quantité totale des médicaments ou des fournitures dispensés. Voir la variable SMED_QTE_MED.
- DUREE_TX : Durée de traitement totale des prescriptions en jours. Voir la variable SMED_NBR_JR_DUREE_TRAIT.

Examples

```
## Not run:
conn <- SQL_connexion(askpass::askpass('Utilisateur :'), askpass::askpass('Mot de passe :'))

### group_by
# Aucun
ex01 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135), group_by = NULL
)
# Tous les group_by
ex02 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135),
  group_by = c('AHFS', 'DENOM', 'DIN', 'CodeList', 'CodeServ', 'Teneur', 'Format', 'Age')
)

### DENOM
ex03 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135), group_by = 'DENOM'
)

### DIN
```

```

ex04 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DIN', codes = c(30848, 585092), group_by = 'DIN'
)

### Exclusions Rx retrospectif
# AHFS
ex05 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135), group_by = 'DENOM',
  type_Rx_retro = 'AHFS', rx_retrospect_a_exclure = c('04----', '08--16', '122436')
)

# DENOM
ex06 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(47092, 47135), group_by = 'DENOM',
  type_Rx_retro = 'DENOM', rx_retrospect_a_exclure = c(47092, 47135, 47136)
)

# DIN
ex07 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = 47092, group_by = c('DENOM', 'DIN'),
  type_Rx_retro = 'DIN', rx_retrospect_a_exclure = c(2083523, 2084082, 2240331, 2453312)
)

### Age
ex08 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DIN', codes = c(30848, 585092), group_by = c('DIN', 'Age'), age_date = '2018-06-05'
)

### Exclusion VS Inclusion
ex09 <- SQL_naif_switch1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135), group_by = 'DENOM',
  code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = c('40', '41'), code_list_filtre = 'Inclusion'
)

## End(Not run)

```

SQL_obstetric

Extraction - Codes diagn obstetriques

Description

Extraction des événements obstétriques.

Usage

```

SQL_obstetric(
  conn = SQL_connexion(),
  cohort,

```

```

debut,
fin,
CIM = c("CIM9", "CIM10"),
dt_source = c("V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM", "V_SEJ_SERV_HOSP_CM", "V_EPISO_SOIN_DURG_CM",
"I_SMOD_SERV_MD_CM"),
dt_desc = list(V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM = "MED-ECHO", V_SEJ_SERV_HOSP_CM = "MED-ECHO",
V_EPISO_SOIN_DURG_CM = "BDCU", I_SMOD_SERV_MD_CM = "SMOD"),
date_dx_var = "depar",
verbose = TRUE
)

```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
cohort	Cohorte d'étude. Vecteur comprenant les numéros d'identification des individus à conserver.
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).
dt_source	Vecteur comprenant la ou les bases de données où aller chercher l'information. Voir <i>Details</i> .
dt_desc	list décrivant les bases de données demandées dans dt_source au format list(BD = 'MaDescription'). Voir <i>Details</i> .
date_dx_var	'admis ou 'depar'. Indique si on utilise la date d'admission ou la date de départ comme date de diagnostic pour l'étude dans les vues V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM, V_SEJ_SERV_HOSP_CM et V_EPISO_SOIN_DURG_CM.
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

Details

dt_source :

- **V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM** : Cette structure contient tous les diagnostics associés à un séjour hospitalier.
- **V_SEJ_SERV_HOSP_CM** : Cette structure contient les séjours dans un service effectués par l'individu hospitalisé.
- **V_EPISO_SOIN_DURG_CM** : Cette structure contient les épisodes de soins des départements d'urgence de la province.
- **I_SMOD_SERV_MD_CM** : Cette vue retourne différentes informations se rapportant aux Services rendus à l'acte par des médecins.

SQL_reperage_cond_med *Requête complexe*

Description

Repérage d'une condition médicale.

Usage

```
SQL_reperage_cond_med(
  conn = SQL_connexion(),
  debut,
  fin,
  Dx_table,
  CIM = c("CIM9", "CIM10"),
  by_Dx = FALSE,
  date_dx_var = "admis",
  n1 = 30,
  n2 = 730,
  keep_all = FALSE,
  verbose = TRUE
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
Dx_table	list personnelle contenant les codes de diagnostics ou nom du dataset (de la librairie <i>inesss</i>) contenant la liste des codes de diagnostics à l'étude. <ul style="list-style-type: none"> • 'Combine_Dx_CCI_INSPQ18' • 'Charlson_Dx_CCI_INSPQ18' • 'Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18' • 'Charlson_Dx_UManitoba16'
CIM	'CIM9', 'CIM10' ou les deux. Permet de filtrer les codes de diagnostics selon le numéro de révision de la <i>Classification statistique internationale des maladies et des problèmes de santé connexes</i> (CIM).
by_Dx	TRUE ou FALSE. Distinction entre les diagnostics (TRUE) ou pas (FALSE). La distinction des diagnostics implique une cohorte d'étude pour chaque élément de l'argument Dx_table, alors que FALSE tous les éléments sont réunis comme si c'était la même maladie.
date_dx_var	'admis ou 'depar'. Indique si on utilise la date d'admission ou la date de départ comme date de diagnostic pour l'étude dans les vues V_DIAGN_SEJ_HOSP_CM, V_SEJ_SERV_HOSP_CM et V_EPISO_SOIN_DURG_CM.
n1	Nombre de jours permettant de construire l'intervalle [n1; n2] où un code de diagnostic peut en confirmer un autre.
n2	Nombre de jours permettant de construire l'intervalle [n1; n2] où un code de diagnostic peut en confirmer un autre.

keep_all	TRUE ou FALSE. Par défaut FALSE. FALSE supprime toutes les observations où DI_Finale = NA. TRUE est utile si on cherche la date la plus récente pour chaque individu.
verbose	TRUE ou FALSE. Affiche le temps qui a été nécessaire pour extraire les diagnostics d'une source (dt_source). Utile pour suivre le déroulement de l'extraction.

Details

Détails à venir.

Value

data.table :

- ID : Identifiant de l'individu.
- DIAGN : Nom du diagnostic. Seulement si by_Dx=TRUE.
- DI_Finale : Date d'incidence retenue.
- DI_Hospit : Date d'incidence d'hospitalisation.
- DI_Acte : Date d'incidence acte.
- DC_Acte : Date de confirmation de DI_Acte.
- D_Recent : Date du diagnostic la plus récente **sans tenir compte de l'algorithme**.

Examples

```
### Inscription des codes de diagnostics dans Dx_table
# 1 code CIM9 ou CIM10
liste1 = list(CIM9 = "413")
liste2 = list(CIM10 = "I20")
# 1 code de chaque
liste3 = list(CIM9 = "413", CIM10 = "I20")
# Plusieurs codes qui se suivent
liste4 = list(CIM9 = 410:414, CIM10 = paste0("I", 21:25))
# Codes qui ne se suivent pas
liste5 = list(CIM9 = c(410, 412, 414), CIM10 = paste0("I", 21, 23, 25))
# Codes qui se suivent et qui ne se suivent pas
liste6 = list(CIM9 = c(405:410, 412:414),
              CIM10 = c(paste0("I", c(18:21, 23:25)),
                        paste0("K0", c(5:9)), paste0("K", 10:15)))
```

SQL_stats_SMED_NBR_JR_DUREE_TRAIT

Astuces

Description

Statistiques descriptives de la variable SMED_NBR_JR_DUREE_TRAIT de la vue V_DEM_PAINT_MED_CM.

Usage

```
SQL_stats_SMED_NBR_JR_DUREE_TRAIT(
  conn = SQL_connexion(),
  debut,
  fin,
  by_code_serv = TRUE,
  include_dureeTx_0 = FALSE
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
debut	Date de début de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Date de fin de la période d'étude au format AAAA-MM-JJ.
by_code_serv	TRUE ou FALSE. Grouper les résultats par code de services. Par défaut TRUE.
include_dureeTx_0	TRUE ou FALSE. Inclure les durées de traitements égale à zéro. Par défaut FALSE.

Value

list

SQL_stat_gen1	<i>Astuce</i>
---------------	---------------

Description

inesss v.1.0.0.9002

Statistiques d'un ou de plusieurs codes de médicaments selon certains critères.
 Vue utilisée : [V_DEM_PAINT_MED_CM](#).

Usage

```
SQL_stat_gen1(
  conn = NULL,
  debut,
  fin,
  type_Rx = "DENOM",
  codes,
  group_by = "DENOM",
  code_serv = c("1", "AD"),
  code_serv_filtre = "Exclusion",
  code_list = NULL,
  code_list_filtre = "Inclusion",
  age_date = NULL
)
```

Arguments

conn	Variable contenant la connexion entre R et Teradata. Voir SQL_connexion .
debut	Vecteur contenant la ou les dates de début des périodes d'étude au format AAAA-MM-JJ.
fin	Vecteur contenant la ou les dates de fin des périodes d'étude au format AAAA-MM-JJ.
type_Rx	Type de code à analyser. Une valeur parmi : <ul style="list-style-type: none"> 'AHFS' : Code identifiant la classe de médicaments telle que déterminée par l'<i>American Hospital Formulary Service</i>. 'DENOM' : Code de dénomination commune. 'DIN' : Code d'identification du médicament.
codes	Le ou les codes à analyser. Voir <i>Details</i> .
group_by	Équivalent du <i>group by</i> SQL. Regrouper (aggréger) les résultats par : <ul style="list-style-type: none"> 'AHFS' : Code identifiant la classe de médicaments telle que déterminée par l'<i>American Hospital Formulary Service</i>. 'DENOM' : Code de dénomination commune. 'DIN' : Code d'identification du médicament. 'CodeList' : Code de catégorie de liste de médicament. 'CodeServ' : Code de service. 'Teneur' : Teneur du médicament. 'Format' : Format d'acquisition du médicament. 'Age' : Âge à une date précise. Combiner avec l'argument <i>age_date</i>.
code_serv	Le ou les codes de services à exclure ou inclure, sinon inscrire NULL. character.
code_serv_filtre	'Exclusion' ou 'Inclusion' des codes de services.
code_list	Le ou les codes de catégorie de listes de médicaments à exclure ou inclure, sinon inscrire NULL. character.
code_list_filtre	'Exclusion' ou 'Inclusion' des codes de catégories de listes de médicaments.
age_date	Date à laquelle on calcul l'âge des individus. À utiliser seulement si <i>group_by</i> contient 'Age'.

Details**debut, fin :**

debut et fin doivent contenir le même nombre de valeurs.

codes :

Si *type_Rx*='AHFS' : codes sous la forme de 6 caractères où les deux premiers caractères représente la classe AHFS, les deux du milieu la sous-classe AHFS et les deux derniers la sous-sous-classe AHFS. Il est possible de remplacer une paire de caractères ({1, 2}, {3, 4} ou {5, 6}) par '--' pour rechercher toutes les types de classes. Par exemple, '04--12' indique qu'on recherche la classe AHFS 04, toutes les sous-classes AHFS et la sous-sous-classe 12.

Sinon : inscrire les codes sous la forme d'un nombre entier.

code_serv_filtre, code_list_filtre :

'Exclusion' inclus les NULL

'Inclusion' exclus les NULL.

Nom des médicaments :

Que ce soit pour les codes AHFS (NOM_AHFS), les DENOM (NOM_DENOM) ou les DIN (NOM_MARQ_COMRC),
le nom inscrit est toujours celui le plus récent.

Value

data.table

Examples

```
conn <- SQL_connexion()

### group_by
# Aucun
ex01 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135), group_by = NULL
)
# Tous les group_by
ex02 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135),
  group_by = c('AHFS', 'DENOM', 'DIN', 'CodeList', 'CodeServ', 'Teneur', 'Format', 'Age')
)

### AHFS
ex03 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'AHFS', codes = c('04----', '08--12', '122426'), group_by = 'AHFS'
)

### DENOM
ex04 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135), group_by = c('DENOM', 'DIN')
)

### DIN
ex05 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DIN', codes = c(30848, 585092), group_by = 'DIN'
)

### Age
ex06 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DIN', codes = c(30848, 585092), group_by = c('DIN', 'Age'), age_date = '2018-01-01'
)

### Exclusion et Inclusion code_serv et code_list
ex07 <- SQL_stat_gen1(
  conn, debut = c('2018-01-01', '2019-01-01'), fin = c('2018-12-31', '2019-12-31'),
  type_Rx = 'DENOM', codes = c(39, 47092, 47135), group_by = 'DENOM',
  code_serv = c('1', 'AD'), code_serv_filtre = 'Exclusion',
  code_list = c('40', '41'), code_list_filtre = 'Inclusion'
)
```

sunique

*Astuce***Description**

Combinaison de `sort()` et `unique()`.

Usage

```
sunique(x, decreasing = FALSE, na.last = FALSE)
```

Arguments

`x` Vecteur à trier et supprimer doublons.
`decreasing` Ordre décroissant = TRUE, sinon FALSE.
`na.last` Afficher les NA à la fin = TRUE, sinon FALSE. NA n'affiche pas les valeurs NA.

Examples

```
x <- sample(c(1:10, NA, NaN))
x

sunique(x)
sunique(x, na.last = TRUE)
sunique(x, decreasing = TRUE, na.last = NA)
```

V_DEM_PAIMT_MED_CM

*Domaine de valeur***Description**

Base de données sur les demandes de paiement de médicaments.

Usage

```
data('V_DEM_PAIMT_MED_CM')
```

Format

list :

DENOM_DIN_AHFS Valeurs uniques des combinaisons 1) codes de dénomination communes, 2) codes DIN et 3) codes de classe AHFS.

- DENOM : Code de dénomination commune. character.
- DIN : Code d'identification du médicament. integer.
- AHFS_CLA : Classe AHFS. character.
- AHFS_SCLA : Sous-classe AHFS. character.
- AHFS_SSCLA : Sous-sous-classe AHFS. character.

- NOM_DENOM : Description du code DENOM. character.
- MARQ_COMRC : Nom de la marque commerciale. character.
- AHFS_NOM_CLA : Nom de la classe AHFS. character.
- DEBUT : Première année où la combinaison a été inscrite. integer.
- FIN : Dernière année où la combinaison a été inscrite. integer.

COD_AHFS Codes de classe AHFS.

- AHFS_CLA : Classe AHFS. character.
- AHFS_SCLA : Sous-classe AHFS. character.
- AHFS_SSCLA : Sous-sous-classe AHFS. character. - AHFS_NOM_CLA : Nom de la classe AHFS. character.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit. integer.
- FIN : Dernière année où le code a été inscrit. integer.

COD_DENOM_COMNE Codes de dénominations communes qui existent dans la base de données **V_DEM_PAINT_MED_CM**.

- DENOM : Code de dénomination commune. character.
- NOM_DENOM : Description du code DENOM.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
- FIN : Dernière année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.

COD_DIN Description des codes d'identification du médicament :

- DIN : Code d'identification du médicament. integer.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
- FIN : Dernière année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.

COD_SERV Description et années d'utilisation des codes de service. NA indique que le code n'a pas été utilisé.

- COD_SERV : Code de service. character.
- SERV_1 : Première et dernière année que le code de service a été inscrit dans la colonne **SMED_COD_SERV_1**. character.
- SERV_2 : Première et dernière année que le code de service a été inscrit dans la colonne **SMED_COD_SERV_2**. character.
- SERV_3 : Première et dernière année que le code de service a été inscrit dans la colonne **SMED_COD_SERV_3**. character.
- COD_SERV_DESC : Description du code de service. character.

COD_STA_DECIS Codes de statut de décision qui existent dans la base de données **V_DEM_PAINT_MED_CM**.

- COD_STA_DECIS: Code de statut de décision. character.
- COD_STA_DESC : Description du code de statut de décision. character.
- DEBUT : Première année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.
- FIN : Dernière année où le code a été inscrit dans la base de données. integer.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création

Source

Dictionnaire EI

V_DENOM_COMNE_MED	<i>Domaine de valeur</i>
-------------------	--------------------------

Description

Description des codes de dénomination commune.

Usage

```
data('V_DENOM_COMNE_MED')
```

Format

Tableau de 7 variables :

DENOM Code de dénomination commune (NMED_COD_DENOM_COMNE). character.

DATE_DEBUT Date à laquelle cette dénomination commune est apparue pour la première fois (NMED_DD_DENOM_COMNE). Date.

DATE_FIN Date à laquelle la dénomination commune a cessé d'être utilisée (NMED_DF_DENOM_COMNE). Date.

NOM_DENOM Nom de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_DENOM_COMNE). character.

NOM_DENOM_SYNON Synonyme du nom de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_DENOM_COMNE_SYNON). character.

NOM_DENOM_ANGLAIS Nom anglais de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_ANGL_DENOM_COMNE). character.

NOM_DENOM_SYNON_ANGLAIS Synonyme du nom anglais de la dénomination commune du médicament (NMED_NOM_ANGL_DENOM_SYNON). character.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Dictionnaire EI.

V_DES_COD	<i>Domaine de valeur</i>
-----------	--------------------------

Description

Domaine de valeurs pour les différents codes de l'environnement informationnel.

Usage

```
data('V_DES_COD')
```

Format

Tableau de 5 variables :

CODE Valeurs codifiées que peut prendre un élément (CODE_VAL_COD). character.

TYPE_CODE Nom identifiant un élément de données (CODE_NOM_COD). character.

CODE_DESC Description du code (CODE_DES). character.

DATE_DEBUT Date de début de la période d'application (CODE_DD_DES_COD). Date.

DATE_FIN Date de fin de la période d'application (CODE_DF_DES_COD). Date.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Dictionnaire EI.

V_PRODU_MED	<i>Domaine de valeur</i>
-------------	--------------------------

Description

Produit qui peut faire l'objet d'une facturation. Règle générale, c'est un médicament conçu par un fabricant.

Usage

```
data('V_PRODU_MED')
```

Format

Tableau de 5 variables :

NOM_MARQ_COMRC Nom sous lequel est commercialisé un produit pharmaceutique.

- DENOM : Code de dénomination commune (NMED_COD_DENOM_COMNE). character.

- DIN : Code d'identification du médicament (NMED_COD_DIN). integer.

- NOM_MARQ_COMRC : Nom sous lequel est commercialisé un produit pharmaceutique (NMED_NOM_MARQ_COMRC). character.

- DATE_DEBUT : Date d'entrée en vigueur de la mise à jour à laquelle est relié l'ajout ou la modification de cette occurrence (NMED_DD_PRODU_MED). Date.

- DATE_FIN : Date d'entrée en vigueur de la mise à jour **moins un jour** de l'occurrence suivante (NMED_DF_PRODU_MED). Date.

Details

L'attribut MaJ indique la dernière mise à jour ou la date de création du tableau.

Source

Dictionnaire EI.

Index

* datasets

- Charlson_Dx_CCI_INSPQ18, [2](#)
- Charlson_Dx_UManitoba16, [3](#)
- CIM10, [5](#)
- CIM9, [5](#)
- CIM_correspond, [6](#)
- Combine_Dx_CCI_INSPQ18, [6](#)
- ComorbidityWeights, [9](#)
- Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18, [12](#)
- I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM, [14](#)
- Obstetrics_Dx, [15](#)
- Pop_QC, [16](#)
- RLS_list, [18](#)
- RLS_tab_convert, [18](#)
- V_DEM_PAIMT_MED_CM, [37](#)
- V_DENOM_COMNE_MED, [39](#)
- V_DES_COD, [39](#)
- V_PRODU_MED, [40](#)
- replace_NA_in_dt, [17](#)
- RLS_convert, [17](#)
- RLS_list, [18](#)
- RLS_tab_convert, [18](#)
- rmNA, [19](#)
- SQL_comorbidity, [20](#)
- SQL_comorbidity_diagn, [22](#)
- SQL_connexion, [20](#), [22](#), [24](#), [25](#), [27](#), [31](#), [32](#), [34](#), [35](#)
- SQL_diagn, [25](#)
- SQL_naif_switch1, [27](#)
- SQL_obstetric, [30](#)
- SQL_reperage_cond_med, [32](#)
- SQL_stat_gen1, [34](#)
- SQL_stats_SMED_NBR_JR_DUREE_TRAIT, [33](#)
- sunique, [37](#)
- V_DEM_PAIMT_MED_CM, [37](#)
- V_DENOM_COMNE_MED, [39](#)
- V_DES_COD, [39](#)
- V_PRODU_MED, [40](#)
- Charlson_Dx_CCI_INSPQ18, [2](#), [9](#)
- Charlson_Dx_UManitoba16, [3](#), [9](#)
- chunk_vec, [4](#)
- CIM10, [5](#)
- CIM9, [5](#)
- CIM_correspond, [6](#)
- Combine_Dx_CCI_INSPQ18, [6](#), [9](#)
- comorbidity, [7](#)
- ComorbidityWeights, [9](#)
- confirm_2Dx (confirm_nDx), [10](#)
- confirm_3Dx (confirm_nDx), [10](#)
- confirm_nDx, [10](#)
- date_ymd, [11](#)
- Elixhauser_Dx_CCI_INSPQ18, [9](#), [12](#)
- file_directory, [13](#)
- I_APME_DEM_AUTOR_CRITR_ETEN_CM, [14](#)
- install_RDCOMClient, [14](#), [15](#)
- Obstetrics_Dx, [15](#)
- outlook_mail, [15](#)
- Pop_QC, [16](#)