

第 I 部

各機能の説明

1 ライブラリ生成アルゴリズムについて

本プログラムは基本的に「ライブラリ生成プログラム」となる。よって、各種パラメータ設定ファイルに加えて、流体計算の場合は”condition.f90”というファイルで直接初期条件と境界条件を設定しなければならない。これらのファイルは”raw”というサフィックス付きでディレクトリにコピーされる。

GUI インターフェースである GUI.py は、checkout.py を動かすための input ファイル (checkout.inp, checkout_model.inp, checkout_chem.inp) を生成し、checkout.py を実行するプログラムであり、主動作は GUI.py を用いた場合でも多くを checkout.py が受け持つ。

checkout.py は input ファイルに基づき、各種ライブラリを生成するプログラムである。基本的にライブラリの生成は、該当ファイルをディレクトリからコピーすることによって行い、ある特定のファイルを除いては fortran ソースファイル自体を checkout.py が編集することはない。コピーされるファイルは全て”store”のサブディレクトリ内に入っており、checkout.py またはユーザーによって編集が加えられるファイルには”.raw.”というサフィックスがつけられている。なお、checkout.py 内でそのソースファイルの編集が終了する、つまりそれ以上ユーザーによる編集が不要になったファイルからは自動的に”.raw.”サフィックスが取り除かれ、そのままコンパイルにかけられるようになる。

1.1 ディレクトリ構造

基本的に類似する機能を持つファイルがまとめられている。例えばオイラー陽解法と LU-SGS 法は”time_scheme”ディレクトリ内に”euler”, ”lu-sgs”としてそれぞれ格納されている。また化学計算と流体計算は基本的に同一ライブラリを用いることになっている。以下、全てのディレクトリについて説明を行う。

2 流体コード

checkout.inp を記入し、checkout.py を起動すると生成される。実処理は checkout.py から呼び出された”store/checkout/checkout_flow.py”によって生成される。生成されたファイルは”checkout”ディレクトリ内に生成される。

2.1 自動生成ファイル

流体コードで自動生成されるファイルは、checkout.py で選択されたディレクトリ内にある”部分的なファイル”をつなげることで生成される。自動生成されるファイル及びその”部分的なファイル”は以下のとおりである。

- main.f90... 主プログラムがかかれたソースとなる。主ループもここで回される。以下の順にファイルの内容が追記されていく。
 - main.top.f90... ”program main” からモジュールのインポートまで。
 - main.head.f90... 共通して利用する変数の定義。
 - main.variable.f90... それぞれのスキームで特有に利用される変数の定義。
 - main.part_init.f90... 変数の初期化。グリッドの読み込みやそのバイナリファイルの生成や幾何やコピアン生成、熱力学ライブラリが必要とされる場合にはその初期化も行われる。
 - main.body.raw.f90... 初期化。restart.bin がある場合はそれを用い、ない場合は初期化サブルーチンを用いて初期化を行う。また主ループを回す変数も初期化される。part_primitive という文字列がファイル内に記されており、後述する文字列に置き換えられる。主ループの開始まで記述してある。
 - main.main.raw.f90, main.main.point_implicit.f90... 主ループ内部を記述しており、時間スキームのディレクトリ内に格納されている。part_point_implicit, part_primitive, part_main という文字列がファイル内に記されており、それぞれ以下の文字列に置き換えられる part_point_implicit に文字列が存在する場合 main.main.point_implicit.f90、存在しない場合 main.main.raw.f90 が使われる。なお、point_implicit なスキームを受け付けない時間積分法 (ex.Dual Time Step) には main.main.point_implicit.f90 は存在せず、無理やり使おうとする場合コンパイルエラーが起きる。
 - * part_point_implicit...point_implicit に計算される部分がここに入る。現状、化学生成項の時間積分を進めるサブルーチンがここに入りうる。main.part_point_implicit.f90 にかかれた文字列に置き換えられる。
 - * main.part_primitive.f90... 時間刻みの計算やデータアウトプット前にすべき処理、具体的には基本量の計算及び境界条件の設定をするサブルーチンがここに入る。main.part_primitive.f90 にかかれた文字列に置き換えられる。
 - * main.part_main.f90... 高次精度化や対流項及び拡散項の計算、時間積分に必要な場合にはそれらの保存量やコピアンが計算される。main.part_main.f90 にかかれた文字列に置き換えられる。
 - main.footer.f90... 主ループの終了及び MPI 関数の終了処理、”end program main” を記述してある。
- Makefile...Makefile. 以下の順にファイルの内容が追記されていく。

- Makefile.head... コンパイラに何をを使うのか定義する。アーキテクチャ (PC かスーパーコンピュータ) によって変更される。
- Makefile.var ... 各種変数の定義
- Makefile.main... 各オブジェクトファイル作成ルール
- Makefile.footer... プログラムの最終的なコンパイル部分及び clean の定義
- control.raw.inp...cfl の定義やファイル出力間隔の定義など。使用する場合、MUSCL のパラメータもここで入力される。control.part.inp に記された内容が入力される。

2.2 store/core

どのような場合にも使用されるファイルがまとめられてある。上記自動生成ファイルのための各種ファイルの他、以下のファイルが存在する。

- check_convergence.f90... 収束判定及び途中経過ファイル, restart ファイルの生成を行っている。
 - init.vi...vim 用初期化ファイル。これを読み込むと、RUN コマンドで ./main を走らせることができる。
 - inout.f90...restart ファイル読み書きや途中経過ファイル書き込み。
 - n_grid.raw.f90... 重要なパラメータの定義。以下の文字列は checkout.py で置き換えられる。
 - NPLANE...multi-block で block の数。muti-block でない場合 1.
 - NumI... それぞれの面での i 方向セル数
 - NumJ... それぞれの面での j 方向セル数
 - NIMAX...i 方向セル数最大値
 - NJMAX...j 方向セル数最大値
 - NumY...rho の数.ex) 理想気体:1, flame sheet, 完全平衡モデル:2, 素反応モデル:化学種数
 - NV... 拡散で空間微分をとるべき次元数.flame sheet で 3, 完全平衡モデルで化学種数.
 - GridFileName...plot3d で記述されたグリッドファイルの場所.
- また以下の文字列は IC や BC の設定に使える。
- dimq ... q(後述) の次元
 - dimw ... w(後述) の次元
 - indxg ... w に於ける比熱比のインデックス
 - indxht ... w に於ける質量あたり全エンタルピー (J/kg) のインデックス
 - indxR ... w に於ける質量あたり気体定数 (J/kg/K) のインデックス
 - indxMu ... w に於ける粘性係数 (Pa*s) のインデックス
 - prmtr.f90...pi やモルあたりの気体定数”R_uni”の定義.
 - read_control.f90...control.inp の読み込み. 全計算に共通する部分に限る。
 - scheme.f90... 流束項評価サブルーチン。現在は SLAU のみ。
 - variable.f90... 一般的に使われる変数がまとめられてある。
 - q ... 保存量.
 - * インデックス 1 から nY : それぞれの気体グループ (理想気体なら全化学種、flame sheet が完全平衡モデルなら燃料と酸化剤、素反応モデルならそれぞれの化学種) の密度 (kg/m^3)
 - * インデックス nY+1 : x 方向運動量 ($\text{kg}^*\text{m}/\text{s}$)

- * インデックス nY+2 : y 方向運動量 ($\text{kg}\cdot\text{m/s}$)
- * インデックス nY+3 : 全エネルギー (J/m^3)
- qp ... 前ステップの q
- qpp ... 全ステップの qp
- w ... 基本量
 - * インデックス 1 : 全化学種の密度の和 (kg/m^3).
 - * インデックス 2 : x 方向速度 (m/s).
 - * インデックス 3 : y 方向速度 (m/s).
 - * インデックス 4 : 圧力 (Pa)
 - * インデックス 5 ... nY+4 : それぞれの気体グループの質量分率
 - * インデックス nY+5(=indxg @n_grid.f90) : 比熱比
 - * インデックス nY+6(=indxht@n_grid.f90) : 全エンタルピー (J/kg)
 - * インデックス nY+7(=indxR @n_grid.f90) : 気体定数 (J/kg/K)
 - * インデックス nY+8(=indxMu@n_grid.f90) : 粘性係数 ($\text{Pa}\cdot\text{s}$)
- vhi ... それぞれの気体グループの生成熱を含む内部エンタルピー (J/kg)
- wHli, wHri, wHlj, wHrj ... 高次精度化で予測された w (ex. MUSCL). 'l' は 'left', 'r' は 'right', 'i' は i 方向に $+1/2$ を足した位置、'j' は j 方向に $1/2$ を足した位置。例えば、wHli(:,2,3) は $w_{2+\frac{1}{2},3}$ の左側の値を表す。
- TGi, TGj ... それぞれ i 方向 j 方向の流束項 TG. TG の定義については嶋田テキストの Section 9 参照。これらの値も $1/2$ だけセル中心からずれた場所の値であり、ずれ方は wH と同じ。
- TGvi, TGvj ... 粘性項。
- Vol ... 軸対称問題ではそれぞれのセルの体積、二次元問題では面積。
- dsi, dsj ... i 方向 j 方向にそれぞれ垂直なセル辺の長さ。軸対称問題ではさらに半径がかけられる。これもセル中心から $1/2$ だけずれた場所の値。
- vni, vnj ... それぞれ dsi, dsj で示された辺の直交正規ベクトル (絶対値 1). 向きは i, j 正の向き。これもセル中心から $1/2$ だけずれた場所の値。
- xh, rh ... メッシュ格子点の座標。これもセル中心から $1/2$ だけずれた場所の値。
- x, r ... セル中心の座標。
- dt_mat ... local time step のそれぞれのセルでの Δt
- dt_grbl ... global time step の Δt . (スperlミスったので 'r' です。)

また全ての計算において、以下の値を control.inp で設定する必要がある。

- Max Step Number... 計算を再開してからの最大ステップ数。
- convergent RMS... 収束とするエネルギー残渣。
- CFL Number... CourantFriedrichsLewy 数。
- File Output Period... ファイル出力周期。

2.3 store/architecture

アーキテクチャ依存のサブルーチン。サブディレクトリは PC と SC でそれぞれ PC とスーパーコンピュータに関するファイルがある。

SC には mod_mpi.f90、PC には mod_mpi_dummy.f90 が使われる。スーパーコンピュータの場合は grid_separation.inp からそれぞれのプロセッサが受け持つグリッドの範囲を計算し、変数を初期化する。また、自動生成されたグリッドの分割の状態は、スーパーコンピュータを選んだ際に生成される vis_grid.dat を用い、gnuplot で

```
plot "vis_grid.dat" with lines
```

のコマンドを打つことで確認することができる。

PC の場合は MPI 関数のダミー関数を入れている。

どちらの場合も以下のように受け持つブロックの範囲、i 方向の範囲、j 方向の範囲が定義される。

- ブロックの範囲...nps から npe
- ブロック plane の i 方向の範囲...nxs(plane) から nxe(plane)
- ブロック plane の j 方向の範囲...nys(plane) から nye(plane)

パソコンの場合、nps=1, npe=Nplane である。

格子ブロックで境界になっているが、ブロック間で共有されており、ユーザーが直接入力する必要のない境界がある。これを本プログラムでは cut_copro*.inp, MPIcomm*.inp を用いて記録している。*はプロセッサ番号で、パソコンでは 0 である。cut_copro*.inp は同一コア間でのデータ転送で足る場合、MPIcomm*.inp は異なるコア間でのデータ転送が必要な場合に使われる。よってパソコンの場合 MPIcomm*.inp は出力されない。

2.3.1 スーパーコンピュータ用ユーティリティについて

スーパーコンピュータ用にいくつかのユーティリティプログラムが用意されている。

プロセッサへのグリッド割当について

- generate_proc_grid.py... グリッド分割用ライブラリ。基本的には全てのプロセッサが持つグリッドができるだけ均等になるよう分割するが、split_ratio.py が存在するとき、その split_ratio.ratio(plane,cind) を用いて寄せることも可能である。
- trim_balance.py... それぞれのプロセッサの計算負荷を可視化するためのプログラム。

ジョブキューの投入・確認・削除 基本的に large システムで実行すること。

- mpirun.sh...sh mpirun.sh でジョブキュー投入を行える。check_and_throw.pl 及び StepJob.py は内部的に mpirun.sh をよんでいる。
- check.pl...perl check.pl でジョブの動作状況 (QUEUED, RUNNING, EXISTING) と現在出力されている最新のファイル名を一秒おきに出力する。
- check_and_throw.pl...perl check_and_throw.pl で check.pl の動作を行った上、全てのジョブが終

了している場合、新たに `sh mpirun.sh` を実行する。これを用いると、600 秒に限られたデバッグジョブにおいて、ジョブが終わった瞬間に新しいジョブ投げることができるので、半永久的にデバッグジョブを走らせることができる。よって、使いっぱなしになると確実にスーパーコンピュータ利用禁止となり卒業できなくなるので、程度を考えて利用すること。経験上一時間程度なら怒られない。

- `StepJob.py...python StepJob.py` で、ステップジョブを投げられるだけ投げる。つまり、実行時にステップジョブが 19 投げられている場合、50 まで投げられるので、31 回 `sh mpirun.sh` が実行される。これを `cron` と組み合わせ、

```
0 0,6,12,18 * * * cd /large/y/y535/2dcfd/share_code; python StepJob.py
```

のようにしておけば、一々ターミナルを開きスーパーコンピュータにログインすることなしに、自動的に 6 時間おきに最大数までジョブを予約することができる。また、`cron` の実行結果はメールで送られるので、現在のステップ数を 6 時間おきにメールで知ることが可能になる。

`cron` を利用する際の注意点として、`cron` はサーバー毎に設定できるらしく、同じ `maja.jss.jaxa.jp` でも `maja0.jss.jaxa.jp`, `maja1.jss.jaxa.jp` が存在する。よって、`crontab` を編集する際には、`maja0.jss.jaxa.jp` など明示的にどのサーバーを用いるのかを示してログインしなければならない。

- `qdel.pl...perl qdel.pl` で `qdel` コマンドを予約している全てのジョブに投げる、つまり予約している全てのジョブをキャンセルできる。実行中のジョブも強制終了させる。プログラムが落ちた際や、間違った境界条件を使用していたことに気づいた際に用いる。

データファイルの転送コマンド

- `make remove on SC...` スーパーコンピュータ上で打つと、標準入力および標準出力、`result` 内の全ての結果を削除する。`restart.bin` は残す。
- `make tar on SC...` スーパーコンピュータ上で打つと、`RMS.dat`, `geometry.bin`, `result/*.bin` を `result.tar.gz` ファイルに圧縮する。
- `make pull on postprocess...postprocess` ディレクトリにおいて、`Makefile` の変数 `remote` に `result.tar.gz` が存在するディレクトリを指定すると、このコマンドでその `result.tar.gz` をダウンロードし解凍する。

2.4 store/dim

軸対称流か二次元流かを選ぶものである。サブディレクトリは `2d` と `q2d` で、それぞれ以下のファイルが含まれている。

- `store/dim/2d...geometry.f90` と `init_Sq.f90`
- `store/dim/q2d...geometry.f90` と `Sq.f90`

`Sq` は軸対称流のとき式変形の際ソース項に出てくる値を定義しており、二次元流では 0 である。`init_Sq.f90` と `Sq.f90` はそれぞれ `Sq` に関する処理を行っている。`geometry.f90` には `plot3d` で記述されたグリッドファイルの読み込み及び可視化用バイナリファイルの生成、幾何ヤコビアンやセルの面積を計算するルーチンがまとめられている。

2.5 store/high_order

高次精度化を行うルーチンである。サブディレクトリは muscl と upwind であり、それぞれ MUSCL スキームと風上差分が入っている。MUSCL を用いる場合、以下の項目を control.inp で設定する必要がある。

- MUSCL ON(1)/OFF(0)...MUSCL の on/off 切り替え。1 で on, 0 で off. その他の値は受け付けない。
- MUSCL Precision Order...MUSCL のオーダー調整。2 と 3 のみ受けつけ、2 の場合は $\kappa = -1$, 3 の場合は $\kappa = \frac{1}{3}$ に MUSCL のパラメータが設定される。

2.6 store/time_step

global time step または local time step が設定される。ファイルは set_dt.f90。またこのどちらかを選ぶことにより、checkout.py の DT_GLOBAL_LOCAL が dt_mat(i,j,plane) または dt_grbl が設定され、時間積分スキームの該当する部分で置き換えられる。

2.7 store/time_scheme

時間スキームの選択。main.main.raw.f90 や main.main.point_implicit.f90, 時間積分サブルーチン (time_....f90) が入っており、主ループ (時間積分ループ) の中身を定義する。

- euler... オイラー陽解法。
- RK2... ルンゲ=クッタ 2 次精度。
- LU-SGS...LU-SGS で実装したオイラー陰解法。上記の他 sch_lusgs.f90, var_lusgs.f90 で LU-SGS 法を行う。
- NR...Newton-Raphson 法。同様に LU-SGS 法を使う。後述するパラメータを用いる。上記の他 sch_NR.f90, var_NR.f90 で LU-SGS 法を行う。
- precon... 前処理法を用いた Newton-Raphson 法。同様に LU-SGS 法を使う。上記の他 sch_precon.f90, var_precon.f90 で LU-SGS 法を行う。仮時間ステップにも前処理行列をかけている。後述するパラメータを用いる。
- dual...Dual Time Step。同様に LU-SGS 法を使う。後述するパラメータを用いる。上記の他 sch_dual.f90, var_dual.f90 で LU-SGS 法を行う。
- preconLU-SGS... 前処理法をオイラー陰解法 (LU-SGS) で実装している。上記の他 sch_precon.f90, var_precon.f90 で LU-SGS 法を行う。

なお、LU-SGS から preconLU-SGS には”2d”と”q2d”というディレクトリがそれぞれあるが、それぞれ二次元流、軸対称流のコードが収められている。

NR,precon,dual で用いられるパラメータについて これらのスキームでは以下のパラメータを control.inp で定義する。ただし、 ω は内部反復の緩和係数である。

- InternalLoop CFL tau... 疑似時間ステップの cfl 数
- InternalLoop Omega Max... 最大緩和係数。以下 ω_{\max} とする。

- InternalLoop Omega Min... 最小緩和係数. これを割り込む ω が設定されると、計算を中止する。
- InternalLoop Dqrate Max... 各気体グループの密度の内部反復あたり変化割合の最大値. 以下 Dq_{\max} とする。
- InternalLoop ResRateWarn... 内部反復が収束していないことを標準出力に投げる最小エネルギー残渣比
- InternalLoop ResRateErr... 計算を中止する最小エネルギー残渣比
- InternalLoop OutOmega... ファイル internal_res.dat に緩和係数 ω の履歴を出すか。
- InternalLoop Max Number... 内部ループ数 (固定)

これらのスキームの内部ループで、保存量 q は緩和係数 ω をかけられた Δq により更新される。 ω は以下のように定義される。

$$\omega = \min(\omega_{\max}, \frac{Dq_{\max}\rho_i}{\Delta\rho_i}) \quad (1)$$

ただし $i = 1 \dots n_Y$ である。これにより、 ρ_i の一内部反復での変化は Dq_{\max} 以下に抑えられる。この定義であると、 ω が小さくなりすぎることがある。それを補足するのが”最小緩和係数”のパラメータである。

内部ループの発散は’InternalLoop Omega Min’, ’InternalLoop ResRateWarn’, ’InternalLoop ResRateErr’ で補足されることとなる。ここでエネルギー残渣比は (最後の内部反復でのエネルギー残渣)/(最初の内部反復でのエネルギー残渣) と定義している。なお、NR, precon, dual の時間スキームでは、基本コンセプトは”内部反復が収束”することに基づいているので、エネルギー残渣比が十分小さくならない場合はコンセプト自体が崩壊している。よって、その場合これらのスキームは使うべきではない。(これを見落としている研究は大変多く、私は悲しい。)

パラメータ調整方法 パラメータ調整には”internal_res.dat”が使える。これは”InternalLoop OutOmega”を”true”にセットすることで得られる。(このファイル出力は時間がかかるので、本計算のときには効率向上のため”false”にすべき。) このファイルには 1 列目に内部反復数、2 列目に Dqrate により計算された ω (ω_{\max} で修正する前)、3 列目にエネルギー残渣比が記録されている。以下にこれらの出力を使ってパラメータを調節する手段の一つを記す。

- ’InternalLoop Max Number’を増やす... 内部反復数が小さいことが原因で、エネルギー残渣比が指数的に減少しているのに’InternalLoop ResRateErr’に達していないとき。
- ’InternalLoop Max Number’を減らす... ’InternalLoop Max Number’に比べ遥かに少ない内部反復数で’InternalLoop ResRateErr’に達しているとき。
- ’InternalLoop Omega Max’を増やす... 下記の目安に比べ内部反復の収束が遥かに遅く、 ω_{\max} により ω が主に決まっているとき。
- ’InternalLoop Omega Max’を減らす... Dqrate により決定された ω (’internal_res.dat’の第二列目に記録された ω) が指数的に増加せず、一回目の内部反復の ω が ω_{\max} により決定されている場合。この状況は $\omega\Delta q$ があまりにも大きすぎて、一回目の内部反復における q の推測値が悪くなりすぎ、そのためその後のステップで正しい値に修正できなくなった場合に起こる。
- ’InternalLoop Dqrate Max’を増やす... 内部反復の収束が遅く、 ω が Dqrate によって主に決定されている場合。
- ’InternalLoop Dqrate Max’を減らす... ω が指数的に増加せず、一回目の内部反復で Dqrate により ω が決定されている場合。この状況も $\omega\Delta q$ があまりにも大きすぎて、一回目の内部反復における q

の推測値が悪くなりすぎ、そのためその後のステップで正しい値に修正できなくなった場合に起こる。

これらの手段は理論的なものではなく、私の経験によるものである。よって間違っている可能性もある。他の方法も試してください。

パラメータの目安

- **0.1 @ Omega Max...** もしこれで動く場合、0.8 や 0.9 も可能な場合もある。Dual Time Step では 0.01 を使わざるを得なかった場合もある。
- **0.001 @ Omega Min...** この値を下回り正しい解を出した計算に出会ったことはない。このパラメータは固定すべきであると思う。
- **0.01 @ Dqrate Max...** 現実問題このパラメータは多分子流にのみ使われうる。Dual Time Step では 0.001 を使わざるを得なかった場合もある。経験上 0.1 は大きすぎる。
- **1.e-5 @ ResRateWarn, 1.e-3 @ ResRateErr...** 経験上、エネルギー残渣比は 3 オーダーは下げなければ正しい解を出さない。よって 1e-3 は固定すべきだと考える。ResRateWarn は警告メッセージを出すだけであるので、好みの値を用いてよい。
- **60 @ Max Number...** 理想気体では経験上 20 で十分。多分子流を Dual Time Step で解いたとき、100 必要だった場合もあった。

2.8 store/viscosity

non-viscous と viscous というディレクトリがあり、viscous にはその中に with-nV と no-nV、さらにそれぞれに "2d" と "q2d" というディレクトリが収められている。non-viscous が非粘性流、viscous が粘性流である。2d と q2d の違いは time_scheme と同じ。

with-nV と no-nV について、化学モデルには "単純に ρ_i の空間微分でエンタルピー拡散を扱えるもの" とそうでないものがあり、それぞれが with-nV と no-nV に対応している。with-nV の場合、"Yv" という "質量拡散によるエンタルピー拡散を考える際考慮しなければならない気体グループの質量分率" が熱力学ライブラリから生成される。例えば、一段総括反応の場合、化学組成は "反応物としての" 燃料と酸化剤の質量のみを追いかければいいが、質量拡散によるエンタルピー拡散を計算する場合 "生成物としての" 燃料、酸化剤、生成物それぞれの質量分率を計算せねばならず、with-nV が使用される。

ファイルは sch_viscous.f90 である。プラントル数 Pr とシュミット数 Sc はここで名前付き定数として共に 1 に定義してあるので、条件を変えたい場合はここを変更するとよい。

2.9 store/therm_lib

therm_lib 内には必ず thermal_mode.f90 が入っており、set_thermo_prop というサブルーチンにより、前ステップに計算された

圧力、気体定数、保存量

から

温度の推定値、質量あたり内部エネルギー、各気体グループの質量分率

を計算し、そこから現ステップでの

圧力、比熱比、質量あたり全エンタルピー、粘性係数、気体定数、各化学種のエンタルピー v_{hi} 、各化学種の修正生成熱 DH_i

を計算する。また、viscosity の節でも述べたとおり、一部熱力学ライブラリではエンタルピー拡散の計算のために Y_v も計算する。(圧縮性流体ではエネルギー保存であるためエンタルピーは圧力依存となる。圧力は温度で変わり、温度は熱力学ライブラリで変わるため、全エンタルピーも基本量としている。) これら出力結果は基本量 w の配列に格納される。

化学ライブラリには大きくわけて理想気体、NASA データベースを用いるもの、chemkin ファイルを用いるものにわけられ、それぞれディレクトリ ideal, NASA, chemkin に対応する。NASA データベースを用いる計算は凍結流、一段総括反応、完全平衡モデルがつかえ、chemkin ファイルを用いる計算は凍結流、素反応モデルが使える。

v_{hi} と DH_i の定義 それぞれのライブラリ詳細の説明を行う前に、 v_{hi} と DH_i の説明をする。

v_{hi} はエンタルピー拡散の計算に使われ、次元は nV (Y_v の次元と同じ、 Y_v を使わない場合は nY) である。それぞれの気体グループの生成エネルギーを含む単位質量あたりの内部エンタルピーである。拡散の計算に使われるため、 v_{hi} に関しては境界での値が必要となる。よって、適切な境界条件を設定しなければならない。

DH_i は修正生成熱であり、陰解法や前処理法に用いる流束の保存量でのヤコビアンを求めると出てくる。定義としては以下のとおり。

$$DH_{i_i} = \kappa R_i T - (\kappa - 1) v_{hi_i} \quad (2)$$

ただし、 κ は混合ガス全体の平均比熱比、 R_i はその気体グループの質量あたりの気体定数 ($=$ (一般気体定数)/(平均分子量))。

DH_{i_i} は理想気体では 0 であるが、実在気体では有限の値を持つ。また、陰解法を許さない熱力学モデルでは、これは 0 にセットされている。

2.9.1 store/therm_lib/ideal

特有モジュール	nY	nV	with-nV or no-nV
gas	1	1	no-nV

使用可能時間ステップ	global, local
使用可能時間スキーム	euler, RK2, LU-SGS, NR, precon, dual, preconLU-SGS

理想気体。ファイルは thermal_model.f90 のみである。粘性係数は動粘性係数一定の場合にのみ現在対応している。質量あたり気体定数 R_{gas} 、比熱比 κ_{gas} 、動粘性係数 ν_{gas} は”module gas”をインポートすれば使用可能であり、checkout.py でそれぞれ 1.4, 287, 1.6e-5 に定義されるが、thermal_model.f90 の該当部分を直接編集すれば任意の値に変更可能である。境界条件設定時には必ず”module gas”をインポートして上記の名前付き定数を使っていただきたい。

保存量、基本量や v_{hi} は以下のように表される。ただし、 ρ, u, v, p は密度、x,y 方向速度、圧力である。

```
q(1)=rho
q(2)=rho*u
```

```

q(3)=rho*v
q(4)=p/(kappa_gas-1d0)

w(1)=rho
w(2)=u
w(3)=v
w(4)=p
w(5)=1d0
w(indxg )=kappa_gas
w(indxht)=kappa_gas/(kappa_gas-1d0)*p/rho+0.5d0*(u**2+v**2)
w(indxR )=R_gas
w(indxMu)=rho*nu_gas

vhi(1)=kappa_gas/(kappa_gas-1d0)*p/rho
DHi(1)=0d0

```

2.9.2 store/therm_lib/NASA

特有モジュール	nY	nV	with-nV or no-nV
const_chem, chem, chem_var	2	モデルによる	with-nV

このモデルを選択する際には chem.inp が存在しなければならない。

NASA-CEA 用に公開されたデータベースを用いた熱力学モデル集。凍結流と一段総括反応 (flame sheet)、完全平衡モデルを用意している。

気体グループは 2 つであり、ライブラリでは一つ目に燃料、二つ目に酸化剤を当てている。

全てのモデルで使用される熱力学モデルは core 内に格納されており、以下のファイルがある。

- LU.f90...LU 分解で線形連立方程式を解くモジュール. 完全平衡モデルで利用されている。
- thermo.inp...NASA-CEA 内に格納されている熱力学データ。
- trans.inp...NASA-CEA 内に格納されている熱輸送データ。
- func_chem.f90... 熱力学関数多項式の係数を返す関数ライブラリ。
- mod_chem.raw.f90...NASA データベースを用いた計算に必要なモジュール.(上述特有モジュール) 変数後述。
- sub_chem.f90...mod_chem 内の変数初期化や input ファイル読み込み、上述反応モデルの全てのコア部のサブルーチン。

mod_chem.f90 の変数について

const_chem 定数と重要な値 (化学種数) を格納している。

- ne... 原子種数
- max_ns... 最大化学種数
- Ru... 一般気体定数 (prmtr.f90 と同じ値ではあるが、化学ライブラリのみで 0 次元を行うときのために

定義している。)

- `pst=1d5...` 標準状態の圧力
- `omega=0.5d0...` 一段総括反応モデルで用いられる緩和係数
- `eps=1d-9...` 収束計算に用いる微小量. 基準値がこれ以下になればよい.
- `initial_eps=1d-5...` 完全平衡モデルで係数行列の行列式が 0 にならないようにそれぞれの化学種量初期値に加える微小量
- `Y_eps=1d-6...` 完全平衡モデルで使用. 燃料または酸化剤の質量分率がこれ以下の場合、存在しえない原子種に関する拘束条件を計算から排除する.
- `TSIZE=1d-11...` 完全平衡モデルで使用. E と H を計算する際、物質量がこれ以下の場合その分子がもつエネルギーやエンタルピーは計算しない。
- `TTSIZE=1d-14...` 完全平衡モデルで使用. 各原子の量に関する拘束条件を計算するとき、物質量がこれ以下の分子は計算にいけない。
- `ns...` 化学種数.
- `nt...` 粘性係数の計算に使われる化学種数. 化学組成の計算をする際に使われる化学種の内、`trans.inp` に含まれる化学種の数となる。

`chem` 計算のコアとなるデータ.

- `num_sctn...` それぞれの化学種の熱力学関数多項式の区間の数. 最大値 6.
- `MW...` それぞれの化学種の分子量
- `Trange...` それぞれの区間の始めとおわりの温度. 例えば化学種 *i* の *j* 番目の区間は `Trange(1,j,i)K` から `Trange(2,j,i)K` まで.
- `co...` それぞれの区間の熱力学関数の多項式の係数. 例えば化学種 *i* の *j* 番目の区間の多項式の係数は `co(1:9,j,i)`.
- `SYM_ELM...` それぞれの原子種の記号. (HE や H,O など)
- `SYM_SPC...` それぞれの化学種の記号. (CO2 や H2O など)
- `trans...` 輸送係数の多項式の係数. 熱力学関数の `co` に対応。
- `Trange_trans...` 輸送係数の区間の端の値. 熱力学関数の `Trange` に対応。
- `species_name_trans...` 熱力学関数の `SYM_SPC` に対応
- `num_sctn_trans...` 熱力学関数の `num_sctn` に対応
- `tr2th...` 輸送係数のインデックスを熱力学関数のインデックスの変換するもの. 例えば H2O のインデックスが輸送係数では *i*、熱力学係数が *j*(このとき `species_name_trans(i)` と `SYM_SPC(j)` は共に 'H2O' である。)の場合、`tr2th(i)=j` である。
- `Ac...` それぞれの化学種に含まれる原子の数. 例えば原子 H,C,O のインデックスがそれぞれ 1,2,3、分子 H2O のインデックスが 1 の場合、`Ac(1,1)=2,Ac(2,1)=0,Ac(3,1)=1` である。

`chem.var` 境界条件で使うための燃料, 酸化剤のそれぞれの各種値、及びそれぞれのセルの前ステップでの化学組成の記録。

- `n_save...` 完全平衡モデルで使用. 各セルの前ステップでの組成. これを初期値に使うことで、反復回数が減る。
- `qf,wf...` それぞれ燃料の速度が 0 のときの保存量、基本量。

- rhof,pf,Tf,Ef,Hf,MWf,kappaf,muf... それぞれ燃料の密度、圧力、温度、質量あたり内部エネルギー、質量あたり内部エンタルピー、分子量、比熱比、粘性係数
- Yvf,vhif... それぞれ燃料の Y_f, v_{hi}
- b0f... 完全平衡モデルで使用。燃料の単位質量あたりそれぞれの原子物質質量。
- nf... 完全平衡モデルで使用。燃料単体に完全平衡モデルを用いたときの組成
- nfini... 燃料単体の反応前の組成
- nef... 完全平衡モデルで使用。燃料に含まれる原子種数。
- elistf... 完全平衡モデルで使用。燃料に含まれる原子種のインデックス。
- nelistf... 完全平衡モデルで使用。燃料に含まれない原子種のインデックス。
- maskf... 完全平衡モデルで使用。各化学種で、存在しうるものが 1、しえないものに 0 が入っている。
- maskbf... 完全平衡モデルで使用。拘束条件で、使用するものに 1、しないものに 0 が入っている。
- np... 一段総括反応モデルで使用。生成物の組成。
- of... 当量での o/f

また、上記には燃料のみ記してあるが、“f”を“o”に変えれば酸化剤のそれぞれを表すことになる。

境界条件での入力について 境界条件での入力に関して。例えば酸化剤のみのセルで条件を入力する場合、保存量、基本量や v_{hi} は以下のように表される。ただし、 u, v は x, y 方向速度である。DH_i については set_thermo_prop で直接入力されるため、手作業で入力されることはない。

```

q(1)=0d0
q(2)=rhoo
q(3)=rhoo*u
q(4)=rhoo*v
q(5)=rhoo*Eo

w(1)=rhoo
w(2)=u
w(3)=v
w(4)=po
w(5)=0d0
w(6)=1d0
w(indxg )=kappao
w(indxht)=Ho+0.5d0*(u**2+v**2)
w(indxR )=R_uni/MWo
w(indxMu)=muo

vhi=vhio

```

燃料では“o”を“f”に変える他、 $q(1)=rhof; q(2)=0d0; w(5)=1d0; w(6)=0d0$ になる。

以下、凍結流と一段総括反応 (flame sheet)、完全平衡モデルについてそれぞれ説明する。

凍結流モデル

使用可能時間ステップ	global, local
使用可能時間スキーム	euler, RK2, LU-SGS, NR, precon, dual, preconLU-SGS

凍結流モデルでは、酸化剤と燃料の混合は扱うが、その反応は考えない。つまり、酸化剤と燃料は混合されたところで反応しない。よって凍結流となる。凍結流モデルには、GUI.py で一段総括反応モデルを選ぶと得られる chem.inp と control_chem.raw.inp を用いる。control_chem.raw.inp は適切な修正をした後に名前を control_chem.inp とし、chem.inp と共に実行ファイルがあるディレクトリ直下に入れなければならない。control_chem.inp の中身は以下のようにになっている。

```
#Control parameters for chemistry
Oxidizer Pressure(Pa)      : 1.e5
Oxidizer Temperature(K)   : 300.
Oxygen Composition(mole ratio):
N2 4
O2 1
end
Fuel Pressure(Pa)          : 1.e5
Fuel Temperature(K)        : 300.
Fuel Composition(mole ratio):
H2 1
end
Products Composition(mole ratio):
H2O 2
end
```

”Products Composition”以下の行は一段総括反応のときのみ使用するのでここでは説明しない。凍結流モデルにこのインプットファイルを使った場合、これらは無視される。

酸化剤と燃料はそれぞれの圧力と温度、そのモル比での組成を入力する必要がある。圧力と温度はそれぞれ単位 Pa,K で入力する。このインプットファイルではそれぞれ 1.e5、300. となっている。

組成は”化学種名 モル分率”の順で一化学種に一行用いて入力し、最後の行には”end”のみの行を入力する。モル分率の和が 1 である必要はない。このインプットファイルでは、酸化剤に N2:O2=4:1 の混合気体 (空気)、燃料に H2 純粋気体を用いることとなっている。

ファイルは thermal_model.f90 のみである。メインの計算は sub_chem.f90 内の cold_flow が行うこととなる。また、nV=2 である。

一段総括反応モデル

使用可能時間ステップ	global, local
使用可能時間スキーム	euler, RK2

store/therm.lib/NASA/flame_sheet 内に格納されており、flow, mono, plot がある。mono と plot は 0 次元計算用のライブラリであり、流体計算には flow のみが使われる。

flow には自動生成ファイル用のファイル以外には thermal_model.f90 のみが存在する。これは実質的には sub_chem.f90 の flame_sheet を呼び出すためのルーチンとなり、メインの計算は flame_sheet が行うこととなる。

一段総括反応モデルでは組成は自由エネルギーが最小になるように決まる。一段総括反応モデルには、GUI.py で完全平衡モデルを選ぶと得られる chem.inp と control_chem.raw.inp を用いる。control_chem.raw.inp は適切な修正をした後に名前を control_chem.inp とし、chem.inp と共に実行ファイルがあるディレクトリ直下に入れなければならない。control_chem.inp の中身は例えば以下のようになっている。

```
#Control parameters for chemistry
Oxidizer Pressure(Pa)      : 1.e5
Oxidizer Temperature(K)    : 300.
Oxygen Composition(mole ratio):
N2 4
O2 1
end
Fuel Pressure(Pa)          : 1.e5
Fuel Temperature(K)        : 300.
Fuel Composition(mole ratio):
H2 2
end
Products Composition(mole ratio):
N2 4
H2O 2
end
```

酸化剤と燃料はそれぞれの圧力と温度、そのモル比での組成を入力する必要がある。圧力と温度はそれぞれ単位 Pa,K で入力する。このインプットファイルではそれぞれ 1.e5、300. となっている。生成物はそのモル比での組成のみ入力する。

組成は”化学種名 モル分率”の順で一化学種に一行用いて入力し、最後の行には”end”のみの行を入力する。このインプットファイルでは、酸化剤に N2:O2=4:1 の混合気体 (空気)、燃料に H2 純粋気体を用いることとなっている。モル分率の和が 1 である必要はないが、酸化剤、燃料、生成物の量の分母は一致させなければならない。つまり、このファイルで生成物の組成を”N2 2”, ”H2O 1”としてはならない。このような入力を行うと、反応式の右辺と左辺の原子の数が釣り合わないことを感知し、以下のようなエラーメッセージを出す仕様となっている。

```
ERROR: The amount of element: H
ERROR: does not balance between reactants and products.
ERROR: Please modify 'control_chem.inp'.
```


できるだけ化学反応式のそれぞれの化学種の係数をそのまま入力するようにすること。

また境界条件において、燃料だけ、酸化剤だけではなく、その間、または入力した以外の圧力、温度を持つ組成を欲しい場合がある。その際は、thermal_model.f90 にある YPT2w(Yf,p,T,wt,vhit)(入力=Yf:燃料質量分率,p:圧力,T:温度)(出力=wt:速度 0 での基本量 w,vhit:vhi) を使う。これ以外の境界条件が欲しい場合 (ほとんどの研究ではこのような場合に出くわす) は自分で作成すること。

また、nV=3 であり、Yv(1),Yv(2),Yv(3) にはそれぞれ反応後の燃料、酸化剤、生成物の質量分率が入る。

完全平衡モデル

使用可能時間ステップ	global, local
使用可能時間スキーム	euler, RK2

store/therm.lib/NASA/cea 内に格納されており、このディレクトリには flow, mono, plot, reduction がある。mono, plot, reduction は 0 次元計算用のライブラリであり、流体計算には flow のみが使われる。

flow には自動生成ファイル用のファイル以外には thermal_model.f90 のみが存在する。これは実質的には sub_chem.f90 の cea を呼び出すためのルーチンとなり、メインの計算は cea が行うこととなる。

完全平衡モデルでは酸化剤と燃料はどちらかがなくなるまで反応を行う。組成は酸化剤と燃料の相対的な量で決まる。完全平衡モデルには、GUI.py で一段総括反応モデル (flame sheet model) を選ぶと得られる chem.inp と control_chem.raw.inp を用いる。control_chem.raw.inp は適切な修正をした後に名前を control_chem.inp とし、chem.inp と共に実行ファイルがあるディレクトリ直下に入れなければならない。control_chem.inp の中身は例えば以下になっている。

```
#Control parameters for chemistry
Oxidizer Pressure(Pa)      : 1.e5
Oxidizer Temperature(K)   : 300.
Oxygen Composition(mole ratio):
N2 4
O2 1
end
Fuel Pressure(Pa)          : 1.e5
Fuel Temperature(K)       : 300.
Fuel Composition(mole ratio):
H2 2
end
```

酸化剤と燃料はそれぞれの圧力と温度、そのモル比での組成を入力する必要がある。圧力と温度はそれぞれ単位 Pa,K で入力する。このインプットファイルではそれぞれ 1.e5, 300. となっている。一段総括反応モデルとは異なり生成物の組成を入力することはない。これは、生成物の組成は自由エネルギー最小という条件から求まるためである。

組成は”化学種名 モル分率”の順で一化学種に一行用いて入力し、最後の行には”end”のみの行を入力する。このインプットファイルでは、酸化剤に N2:O2=4:1 の混合気体 (空気)、燃料に H2 純粋気体を用いることとなっている。

計算のアルゴリズムには基本的に NASA-CEA と同じものが使われる。特に、緩和係数は一段総括反応モデルのような固定ではなく、様々なパラメータの増減をみた値となっている。また、ほぼ燃料または酸化剤の場合、係数行列に逆行列がなくなる場合がある。これは、存在しない原子の量に関する拘束条件が、収束近くなると係数がすべて 0 になるからである。よって、これらのときにその拘束条件を削除するアルゴリズムを実装しており、その際、nef,elistf,nelistf,maskf,maskbf などの配列が使われる。

また、nV=ns であり、Yv にはそれぞれの化学種の質量分率が入る。

また、chem.inp には使用する原子種と化学種のリストが入る。よって、この化学種のリストを変更すれば、簡略化モデルとなる。この簡略化については 0 次元化学計算の章で言及する。

2.9.3 store/therm_lib/chemkin

特有モジュール	nY	nV	with-nV or no-nV
const_chem, chem, chem_var	化学種数	nY	no-nV

このモデルを選択する際には chem.inp が存在しなければならない。

”thermo all”を用いた thermo.inp を必要としない形式の chemkin.inp の使用を前提とした熱力学ライブラリである。凍結流と素反応モデルを用意している。

気体グループは一つ一つが単一の化学種に対応する。つまり、 ρ_i の次元は化学種数となる。

全てのモデルで使用される熱力学モデルは core 内に格納されており、以下のファイルがある。

- MW.inp... それぞれの原子の名前と原子量の一覧
- trans.inp...NASA-CEA 内に格納されている熱輸送データ。
- dvode.f...odepack のパッケージの一つである dvode.f に修正を加えたもの
- mod_chem.raw.f90...chem.inp を用いた計算に必要なモジュール。(上述特有モジュール) 変数後述。
- sub_chem.f90...mod_chem 内の変数初期化や input ファイル読み込み、上述反応モデルの全てのコア部のサブルーチン。NASA データベースでの func_chem.f90 の内容も統一して格納している。

なお、control_chem.inp について、NASA データベースを用いた場合にはモデル作成時に生成するようにしているが、chemkin.inp の場合、テンプレートを”control_chem.raw.inp”を他のファイルと同じ場所に生成するようにしている。

dvode.f に加えた修正について dvode.f は OpenMP に直接用いるとエラーを起こす。これは、common 文に含まれる変数がプロセッサ間で共有されてしまうからである。そのため、本ライブラリに含む dvode.f には threadprivate 属性を付け加えている。

また、警告メッセージを標準出力に出力すると標準出力がそれで埋め尽くされてしまうので、標準出力への警告出力も抑制してある。

mod_chem.f90 の変数について

const_chem 定数と重要な値 (化学種数) を格納している。

- erg2cal=1d0/4.184e7...erg から cal への単位変換に用いる定数.erg の値にかけると cal になる
- cal2erg=1d0/erg2cal...cal から erg への単位変換に用いる定数。
- b2Pa=0.1d0...barye から Pa への単位変換に用いる定数。
- Pa2b=1d0/b2Pa...Pa から barye への単位変換に用いる定数。

- Ru=8.3144621d7...cgs 単位系での気体定数。
- invRc=1d0/(1.987e0)...cal/(mol*K) で表した気体定数の逆数. 活性化エネルギーに対して用いる。
- pst=1.01325d6... 単位系 dyn/cm² での標準状態圧力
- logPR=-4.407418526701446...=ln(Pst/Ru)
- n_eps = 1d-40...n(mol/cm³) に用いる微小量. 初期値がこれ以下である場合、この値にして計算を回す。
- rtol_user,atol_user... それぞれユーザー定義の相対許容誤差、絶対許容誤差
- isColdFlow... 凍結流の計算で true、それ以外で false が設定される。true が設定されると、温度計算反復で化学種を反応物に含まれるものしか考慮しなくなる。
- max_ne,ne... 最大原子種数及び原子種数
- max_ns,ns... 最大化学種数及び化学種数
- max_nr,nr... 最大素反応数及び素反応数
- num_reac... 反応物で使われている化学種数
- LRW=22+9*(max_ns+1)+2*(max_ns+1)**2...dvoid 用に確保する実数型作業用配列の次元
- LIW=30+ (max_ns+1)...dvoid 用に確保する整数型作業用配列の次元
- max_recalc=50...dvoid でこの回数以上再計算を行う場合、計算を止める。(一回の計算で 500 回の内部反復を dvoid は行うので、500*50=25,000 回の内部反復となる。)

chem 計算のコアとなるデータ。

- nt... 粘性係数の計算に使われる化学種数。化学組成の計算をする際に使われる化学種の内、trans.inp に含まれる化学種の数となる。
- ns_tocalc...isColdFlow=.true. の場合 num_reac, isColdFlow=.false. の場合 ns。
- SYM_ELM... それぞれの原子種の記号。(HE や H,O など)
- SYM_SPC... それぞれの化学種の記号。(CO2 や H2O など)
- SYM_RCT... それぞれの素反応の記号。('CH2CO+H=CH3+CO' など)
- ES... それぞれの化学種に含まれる原子の数。例えば原子 H,C,O のインデックスがそれぞれ 1,2,3、分子 H2O のインデックスが 1 の場合、ES(1,1)=2,ES(2,1)=0,ES(3,1)=1 である。
- Tthre... それぞれの区間の始めとおわりの温度。例えば化学種 i の j 番目の区間は Tthre(1,j,i)K から Tthre(2,j,i)K まで。
- coeff... それぞれの区間の熱力学関数の多項式の係数。例えば化学種 i の j 番目の区間の多項式の係数は coeff(1:7,j,i)。
- MWs... それぞれの化学種の分子量
- invMW...MWs の逆数
- Rstate... 素反応の分類
 - Rstate(1,...) 双方向反応か一方方向反応か
 - * Rstate(1,...)=0:双方向反応 ('=' や '<=>' など)
 - * Rstate(1,...)=1:一方方向反応 ('=>' で表される反応)
 - Rstate(2,...) 反応係数のモデル
 - * Rstate(2,...)=0:逆反応を平衡係数から求める。
 - * Rstate(2,...)=1:双方向の反応係数の係数がそれぞれ存在する (rev)
 - * Rstate(2,...)=2:Lindemann 式 (low)

- * Rstate(2,:)=3:TROE 式 (troe)
- * Rstate(2,:)=4:第三体が必ず存在する反応 (第三体に括弧がつかない反応) で逆反応を平衡係数から求める.
- * Rstate(2,:)=5:第三体が必ず存在する反応 (第三体に括弧がつかない反応) で双方向の反応係数の係数がそれぞれ存在する.
- NumNu... 右辺左辺それぞれの反応体数 (素反応 j が $2\text{H}_2\text{O}_2=2\text{H}_2\text{O}+\text{O}_2$ なら NumNu(1,j)=2, NumNu(1,j)=3)
- IndNu... 右辺左辺それぞれの反応体のインデックス (素反応 j が $2\text{H}_2\text{O}_2=2\text{H}_2\text{O}+\text{O}_2$ で $\text{H}_2\text{O}_2, \text{H}_2\text{O}, \text{O}_2$ のインデックスがそれぞれ 1,2,3 なら、IndNu(1,1,j)=1; IndNu(2,1,j)=1 ;IndNu(1,2,j)=2; IndNu(2,2,j)=2; IndNu(3,2,j)=3)
- snu...snu(j)=NumNu(2,j)-NumNu(1,j)
- duplicate...chem.inp で duplicate 属性がついているなら.true.、ついていないなら.false.。
- exist_M... 第三体を含む反応なら true、含まないなら false
- NumM...enhance factor が設定されている場合、それを持つ化学種数 ($\text{H}_2\text{O}/2/ \text{O}_2/3/$ なら 2)
- IndM...enhance factor をもつ化学種のインデックス (素反応 k の enhance factor が $\text{H}_2\text{O}/2/ \text{O}_2/3/$ かつ $\text{H}_2\text{O}, \text{O}_2$ のインデックスがそれぞれ 2,3 なら、IndM(1,k)=2;IndM(2,k)=3)
- Men...enhance factor から 1 を引いたもの (素反応 k の enhance factor が $\text{H}_2\text{O}/2/ \text{O}_2/3/$ なら、Men(1,k)=1;Men(2,k)=2)
- ABE... 反応係数 $k = AT^\beta \exp(-E/RT)$ のとき、 $\text{ABE}(1)=\ln A$, $\text{ABE}(2)=\beta$, $\text{ABE}(3)=E/R$.
- cABE...rev や low の ABE
- TROE...troe フォームの係数. $\text{TROE}(1)=a$, $\text{TROE}(2)=1/T^{***}$, $\text{TROE}(3)=1/T^*$, $\text{TROE}(4)=T^{**}$
- species_name_trans... 熱力学関数の SYM.SPC に対応
- Trange_trans... 輸送係数の区間の端の値。熱力学関数の Tthre に対応。
- trans... 輸送係数の多項式の係数。熱力学関数の coeff に対応。
- num_sctn_trans... それぞれの化学種の輸送係数関数多項式の区間の数。
- tr2th... 輸送係数のインデックスを熱力学関数のインデックスの変換するもの。例えば H_2O のインデックスが輸送係数では i、熱力学係数が j(このとき species_name_trans(i) と SYM.SPC(j) は共に 'H2O' である。) の場合、tr2th(i)=j である。

chem_var 境界条件で使うための燃料, 酸化剤のそれぞれの各種値。

- qf,wf... それぞれ燃料の速度が 0 のときの保存量、基本量。
- rhof,pf,Tf,Ef,Hf,MWf,kappaf,muf... それぞれ燃料の密度、圧力、温度、質量あたり内部エネルギー、質量あたり内部エンタルピー、分子量、比熱比、粘性係数
- vrhof...qf(1:ns)
- vwf...wf(5:ns+4)
- vhif... 燃料の vhi
- of... 当量での o/f.0 次元計算のときのみ使用。

また、上記には燃料のみ記してあるが、"f"を"o"に変えれば酸化剤のそれぞれを表すことになる。

uvhp について store/therm.lib/chemkin には uvhp というディレクトリがあり、uv と hp というディレクトリがその中に含まれている uv と hp というディレクトリには FJ.f90 が含まれており、それぞれ uv 一定, hp 一定条件のサブルーチン群が含まれている。圧縮性流体の場合、保存量が uv 一定であるため、自動的に uv ディレクトリが使用される設定になっている。

境界条件での入力について 境界条件での入力に関して。例えば酸化剤のみのセルで条件を入力する場合、保存量、基本量や vhi は以下のように表される。ただし、 u, v は x, y 方向速度である。DHi については set_thermo_prop で直接入力されるため、手作業で入力されることはない。

```
q(:)=qo
q(nY+1)=rhoo*u
q(nY+2)=rhoo*v
q(nY+3)=qo(nY+3)+0.5d0*rhoo*(u**2+v**2)
```

```
w(:)=wo
w(2)=u
w(3)=v
w(indxht)=wo(indxht)+0.5d0*(u**2+v**2)
vhi=vhio
```

燃料では”o”を”f”に変える。

以下、凍結流と素反応モデルについてそれぞれ説明する。

凍結流モデル

使用可能時間ステップ	global, local
使用可能時間スキーム	euler, RK2, LU-SGS, NR, precon, dual, preconLU-SGS

store/therm.lib/chemkin/flow/cold に格納されている。

凍結流モデルでは、酸化剤と燃料の混合は扱うが、その反応は考えない。つまり、酸化剤と燃料は混合されたところで反応しない。よって凍結流となる。凍結流モデルを選んだ流体コードを生成すると、checkout ディレクトリに control_chem.raw.inp が生成される。これは適切な修正をした後に名前を control_chem.inp とし、chem.inp と共に実行ファイルがあるディレクトリ直下に入れなければならない。control_chem.inp の中身は以下のようにになっている。

```
#Control parameters for chemistry
Oxidizer Pressure(Pa)      : 1.e5
Oxidizer Temperature(K)   : 1200.
Oxygen Composition(mole ratio):
02 2
end
Fuel Pressure(Pa)          : 1.e5
```

```

Fuel Temperature(K)      : 1200.
Fuel Composition(mole ratio):
CH4 1
end
Relative Tolerance VODE : 1.e-8
Absolute Tolerance VODE : 1.e-20

```

酸化剤と燃料はそれぞれの圧力と温度、そのモル比での組成を入力する必要がある。圧力と温度はそれぞれ単位 Pa,K で入力する。このインプットファイルではそれぞれ 1.e5、1200. となっている。

組成は”化学種名 モル分率”の順で一化学種に一行用いて入力し、最後の行には”end”のみの行を入力する。モル分率の和が 1 である必要はない。このインプットファイルでは、酸化剤に O2 純粋気体、燃料に CH4 純粋気体を用いることとなっている。

また、VODE に用いる相対許容誤差と絶対許容誤差も定義しなければならない。(凍結流では実際にこの値は使われることはない。) 例に載せてある値は SENKIN に使われている値である。これらの値は大きくするとそれだけ計算が早くなるが、大きくしすぎると計算が破綻する(発散する)。

境界条件には calc_boundary(p,T,Yf, wt,vhit) を用いる。仕様は NASA データベースで用いられている YPT2w(Yf,p,T,wt,vhit) と同様である。

また凍結流の計算では、化学種は反応物に含まれるものしか考慮されない。

素反応モデル

使用可能時間ステップ	global
使用可能時間スキーム	euler, RK2

store/therm_lib/chemkin/flow/reactive に格納されている。現段階で唯一 point implicit を用いる熱力学ライブラリである。

素反応モデルでは、化学種の組成は素反応を直接積分して求める。そのため、最も計算コストが高いが、最も詳細な、熱力学モデルとなる。素反応モデルを選んだ流体コードを生成すると、checkout ディレクトリに control_chem.raw.inp が生成される。これは適切な修正をした後に名前を control_chem.inp とし、chem.inp と共に実行ファイルがあるディレクトリ直下に入れなければならない。control_chem.inp の中身は以下のようになっている。

```

#Control parameters for chemistry
Oxidizer Pressure(Pa)      : 1.e5
Oxidizer Temperature(K)    : 1200.
Oxygen Composition(mole ratio):
O2 2
end
Fuel Pressure(Pa)          : 1.e5
Fuel Temperature(K)        : 1200.
Fuel Composition(mole ratio):
CH4 1

```

end

Relative Tolerance VODE : 1.e-8

Absolute Tolerance VODE : 1.e-20

酸化剤と燃料はそれぞれの圧力と温度、そのモル比での組成を入力する必要がある。圧力と温度はそれぞれ単位 Pa,K で入力する。このインプットファイルではそれぞれ 1.e5、1200. となっている。

組成は”化学種名 モル分率”の順で一化学種に一行用いて入力し、最後の行には”end”のみの行を入力する。モル分率の和が 1 である必要はない。このインプットファイルでは、酸化剤に O2 純粋気体、燃料に CH4 純粋気体を用いることとなっている。

また、VODE に用いる相対許容誤差と絶対許容誤差も定義しなければならない。例に載せてある値は SENKIN に使われている値である。これらの値は大きくするとそれだけ計算が早くなるが、大きくしすぎると計算が破綻する (発散する)。

境界条件には calc_boundary(p,T,Yf, wt,vhit) を用いる。仕様は NASA データベースで用いられている YPT2w(Yf,p,T,wt,vhit) と同様である。

素反応モデルでは、時間積分ライブラリとして chemeq2 と dvoid が用いられる。これらの切り替えは、chemeq2 で 10 回以上の内部反復が行われると、dvoid が呼び出されることとなっている。これらの時間積分の前後で、n_eps 以下の化学種の量はすべて n_eps に置き換えられる。

2.10 store/cond

condition.raw.f90 の生成を行う。condition.raw.f90 生成時には以下のような動作を行っている。

2.10.1 store/cond/core

- mod_cond.py... 以下のプログラムで用いる class の定義。
- gen_cond.py... 主プログラムであり、checkout.py から呼び出しを受ける。以下のファイルに含まれる関数をドライブする。
- read_plot3d.py... plot3d ファイル (*.x という名前を持つグリッドファイル) を読み込み、各ブロックの境界の座標をリスト化する。
- set_cond_var.py... 各ブロックの境界のうち、他のブロックと接触している部分としない部分、つまりユーザーが境界条件を定義する必要がない部分とある部分をそれぞれリスト化する。
- fetchMPI.py... grid_separation.inp からグリッドのプロセッサへの分割線を計算し、ブロック間での境界条件の通信でどのプロセッサがどのプロセッサにどのデータを送るべきかを計算する。
- out_cond.py... 上述計算結果の condition.raw.f90, cut_copro*.inp, MPIcomm*.inp へのアウトプット。

2.10.2 store/cond/no-nV, store/cond/with-nV

それぞれ no-nV, with-nV に対応する。with-nV では Yv の MPI 転送が必要となるためファイルが異なる。condition.head.f90 と condition.tail.f90 という condition.raw.f90 の head と tail が含まれている。

3 NASA 熱力学データベース

checkout_model.inp を記入し、checkout.py を起動すると生成される。実処理は checkout.py から呼び出された”store/checkout/checkout_model.py”によって生成される。ファイルは chem.inp と control_chem.raw.inp が checkout.py と同じディレクトリに生成される。

checkout_model.inp は以下のようになっている。

```
thermal model:0 #flame sheet of nasa(0) / NASA CEA(1)
Species Selection:
CH4 02
end
```

thermal model の部分で一段総括反応 (0) または完全平衡モデル (1) を選ぶことができる。Species Selection では一行に一つの化学種を記録する (スペース空けて一行に複数の化学種を記入してもよい) 最後には’end’の行を記入する。

なお、GUI.py でも checkout_model.inp 生成及び checkout.py 実行ができるが、この場合、”Not Selected”の窓内の選択肢を選択し、Ctrl+F を押すと入力窓が立ち上がり、そこに化学種名を入力すると該当する化学種が検索される。選択のとき便利なので利用するとよい。

一段総括反応モデル 選択された化学種のみが chem.inp に記録され、また control_chem.raw.inp には”Production Composition”の欄が生成される。

完全平衡モデル 選択された化学種が含む原子を含む全ての化学種が chem.inp に記録され、また control_chem.raw.inp には”Production Composition”の欄は生成されない。

4 化学コード

`checkout_model.inp` を記入し、`checkout.py` を起動すると生成される。実処理は `checkout.py` から呼び出された”`store/checkout/checkout_model.py`”によって生成される。ファイルは `chem.inp` と `control_chem.raw.inp` が `checkout.py` と同じディレクトリに生成される。