

第十一章 数据降维

§11.1 问题引入

§ 11.2 子空间学习

§11.3 流形学习

§11.4 应用举例



§11.1 问题引入

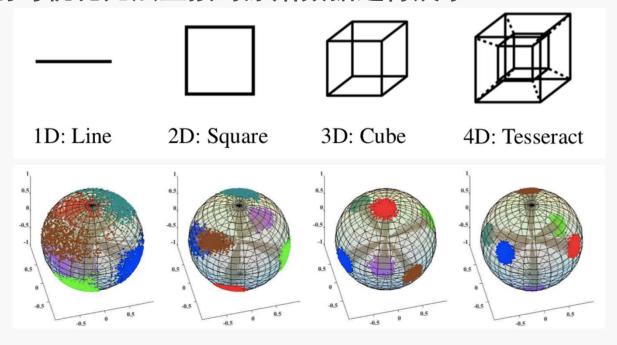
- 一、数据可视化
- 二、小样本学习
- 三、数据的压缩



问题引入

□ 高维数据的低维嵌入可视化

- 低维数据可直接在空间中作图进行表示,便于对分布进行直观的表现、对比 和分析
- 高维数据的可视化无法直接对原始数据进行展示

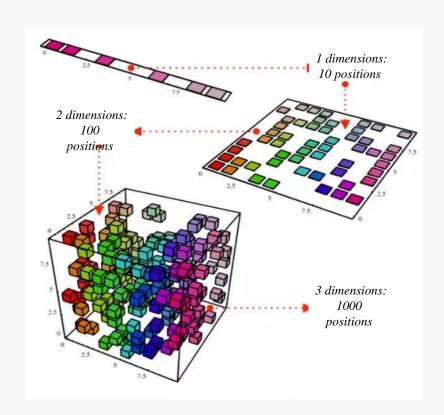




问题引入

□ 小样本学习

- 训练集容量小于数据的维度时,通常 认为样本数非常小
- 小样本导致特征空间中特征的密度过于低,机器学习算法难以进行有效的学习
- 如何能够将高维数据映射到低维空间, 并尽可能保留原始数据的特征?

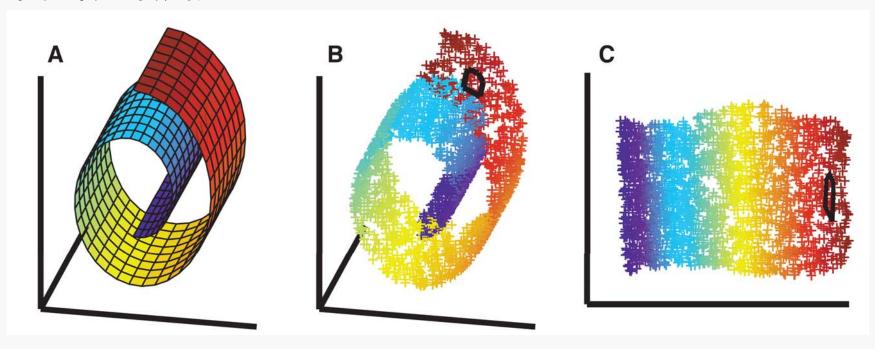




问题引入:数据压缩

□ 数据压缩

■ 受存储条件影响,或在原始的高维空间中包含冗余信息和噪声信息时,需要对数据进行压缩,以更小的维度(容量)更高效的表示数据,同时避免 冗余和噪声的影响





§ 11.2 子空间降维

- 一、主成分分析(PCA)
- 二、线性判别分析(LDA)
- 三、局部保持投影(LPP)



低维嵌入

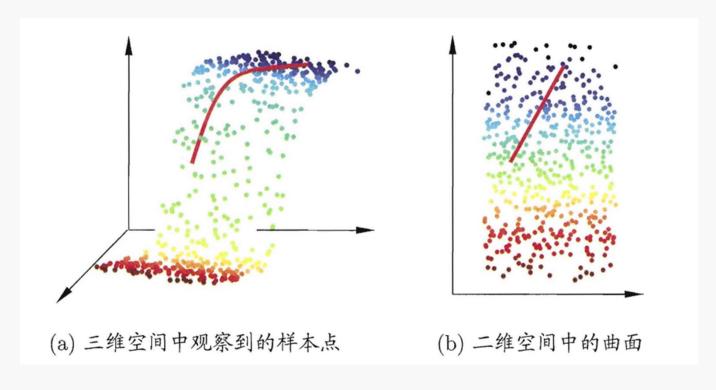
- □ 思考1: 在高维情形, 训练样本"密采样"的总样本数目是否可得?
 - 当 $\delta = 0.001$,样本维数为20 → 需要 $(10^3)^{20} = 10^{60}$ 个样本 !!!
- □ 思考2: SVM使用核函数数 "低维计算, 高维表现"的原因
- □ 如何分析高维数据?
 - 降维(dimension reduction):通过某种数学变换将原始高维属性空间转变为低维"子空间"(subspace)→子空间中样本密度大幅提高,距离计算变得更为容易
- □ 为什么能数据降维?
 - 与学习任务密切相关的也许仅是某个低维分布



低维嵌入

□ "低维嵌入"举例

■ 下图三维空间中的样本点,在低维嵌入子空间(为其空间中的曲面)中更容易进行学习



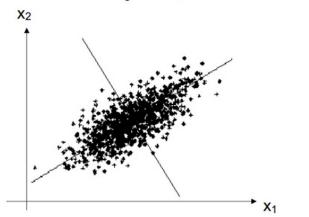


- □ 思考:对于正交属性空间中的样本点,如何用一个超平面(直线的高维推广)对所有样本进行恰当的表达?
 - 超平面需要具有的属性
 - 1. 最近重构性: 样本点到这个超平面的距离都足够近
 - 2. 最大可分性: 样本点在这个超平面上的投影能尽可能分开

(Principal Component Analysis, PCA)



Karl Pearson (1901)



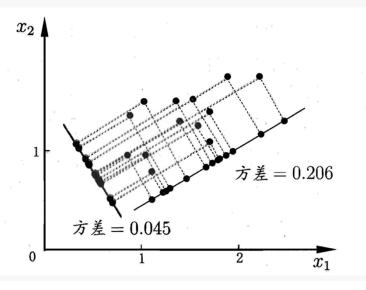


□ 主成分分析目标

■ 线性降维方法:通过线性变换,用一组正交向量来表示原特征,新的特征 向量是原特征向量的线性组合

■ 记原特征向量 $x_1, ..., x_p$, $\xi_i = \sum_{j=1}^p a_{ij} x_j$ 表示原始特征向量的线性组合,矩阵形式 $\xi = A^T x$, 关键是寻找特征变换矩阵A来产生新的正交向量 ξ_i (线性正

交变换)





- □ 模型求解
 - 基于最近重构性和最大可分性,能分别得到主成分分析的两种等价推导

$$\min \sum_{i=1}^{m} \left\| \sum_{j=1}^{d'} z_{ij} w_{j} - x_{i} \right\|_{2}^{2} = \sum_{i=1}^{m} z_{i}^{\mathrm{T}} z_{i} - 2 \sum_{i=1}^{m} z_{i}^{\mathrm{T}} \mathbf{W}^{\mathrm{T}} x_{i} + \text{const}$$

$$\min - \text{tr} \left(\mathbf{W}^{\mathrm{T}} \left(\sum_{i=1}^{m} x_{i} x_{i}^{\mathrm{T}} \right) \mathbf{W} \right) \longrightarrow \mathbf{\mathbf{Z}} + \mathbf{\mathbf$$

□ 算法流程

输入: 样本集 $D = \{x_1, x_2, ..., x_m\}$; 低维空间维数 d'.

过程:

- 1: 对所有样本进行中心化: $x_i \leftarrow x_i \frac{1}{m} \sum_{i=1}^m x_i$;
- 2: 计算样本的协方差矩阵 **XX**^T;
- 3: 对协方差矩阵 XXT 做特征值分解;
- 4: 取最大的 d' 个特征值所对应的特征向量 $w_1, w_2, \ldots, w_{d'}$.

输出: 投影矩阵 $\mathbf{W} = (w_1, w_2, \dots, w_{d'})$.



□ PCA舍弃信息的效果

■ 降维: 达到使样本的采样密度增大的目的

■ 去噪: 当数据受噪声影响时,最小的特征值所对应的特征向量往往与噪声 有关

□ SVD与PCA

■ 对样本矩阵X作矩阵的SVD分解:

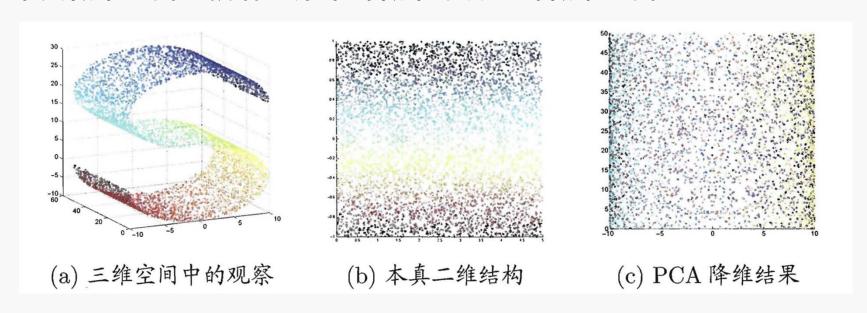
$$X = U\Sigma V^{T}$$
 $X^{T}X = (U\Sigma V^{T})^{T}(U\Sigma V^{T}) = (V\Sigma U^{T})(U\Sigma V^{T})$
 $U^{T}U = I_{m}$
 $X^{T}X = V\Sigma^{T}\Sigma V^{T}$
特征值分解!

■ $取V^T$ 中对应于k个最大特征值的k行,作为投影向量



核化线性降维

- □ 思考: 样本点从三维空间中的矩形区采样后以S形曲面嵌入到三维空间的情况下(本身就不是线性分布),如何降维?
 - 若直接使用线性降维方法对三维空间观察到的样本点进行降维,则将丢失
 - 本真低维空间:拥有"原本的低维结构"的低维空间





核化线性降维

- □ 核函数已知
 - 例如: Sigmoid、高斯核等
 - 将样本映射到高维空间,再在高维空间中使用线性降维的方法(如PCA)
- □ 核函数未知:核主成分分析(Kernelized PCA, KPCA)
 - 只知道如何计算高维空间中的样本内积(大多数情况下)
 - KPCA提出:空间中的任一向量,都可以由该空间中的所有样本线性表示。证明如下:其中 z_i 为样本点在高维特征空间的坐标,W为高维特征空间新基

$$\left(\sum_{i=1}^{m} z_i z_i^T \right) \quad W = \lambda W$$

$$W = \frac{1}{\lambda} \left(\sum_{i=1}^{m} z_i z_i^T \right) W$$

$$= \sum_{i=1}^{m} z_i \left(\sum_{i=1}^{m} z_i z_i^T \right) = \sum_{i=1}^{m} z_i \alpha_i$$



核化线性降维

- □ 核函数未知:核主成分分析(Kernelized PCA, KPCA)
 - 根据 "空间中的任一向量,都可以由该空间中的所有样本线性表示",将高维特征空间中的投影向量 w_i 使用所有高维样本点线性表出后,PCA求解

$$\left(\sum_{i=1}^{m} \emptyset(x_i) \emptyset(x_i)^T \right) \quad W = \lambda W$$

$$W = \sum_{i=1}^{m} \emptyset(x_i) \quad \alpha_i$$

$$有 \kappa(x_i, x_j) = \emptyset(x_i)^T \emptyset(x_j)$$

$$化简得, \quad KA = \lambda A$$

- 显然, 化简结果是特征值分解问题, 取最大的d'个特征值对应的特征向量
- 只需要对和矩阵K进行特征分解,便可得到 w_i 的系数 α
- 但是:为获得投影后坐标,KPCA需对所有样本求和,因此它的计算开销较大

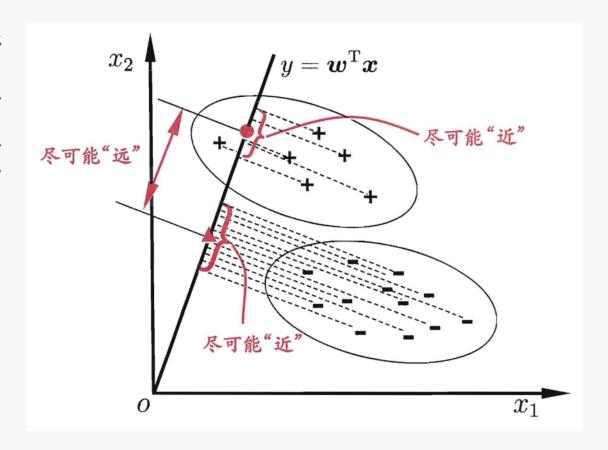


LDA回顾

□ 线性判别分析(Linear Discriminant Analysis, LDA)

给定训练样本集,将样本投影 到一条使得同类样本的投影点 尽可能接近、异类样本投影点 尽可能远离。考虑最大化下面 的目标:

$$J = \frac{||w^{T}\mu_{0} - w^{T}\mu_{1}||_{2}^{2}}{w^{T}\Sigma_{0}w + w^{T}\Sigma_{1}w}$$
$$= \frac{w^{T}(\mu_{0} - \mu_{1})(\mu_{0} - \mu_{1})^{T}w}{w^{T}(\Sigma_{0} + \Sigma_{1})w}$$





LDA回顾

- □ 线性判别分析(Linear Discriminant Analysis, LDA)
 - 定义类间散度矩阵和类内散度矩阵

$$S_b = (\mu_0 - \mu_1)(\mu_0 - \mu_1)^T$$

$$\mathbf{S}_{w} = \Sigma_{0} + \Sigma_{1} = \sum_{x \in X_{0}} (x - \mu_{0})(x - \mu_{0})^{\mathrm{T}} + \sum_{x \in X_{1}} (x - \mu_{1})(x - \mu_{1})^{\mathrm{T}}$$

■ 优化目标重写为:最大化 S_b 和 S_w 的广义瑞利商

$$J = \frac{w^{\mathrm{T}} S_b w}{w^{\mathrm{T}} S_w w}$$

分子分母都是关于w的二次项,因此解与w的长度无关,只与其方向有关



LDA回顾

□ 线性判别分析(Linear Discriminant Analysis, LDA)

$$\min_{w} -w^{T} S_{b} w \qquad \text{s. t. } w^{T} S_{w} w = 1$$

■ 拉格朗日乘子法求解:

$$S_b w = \lambda S_w w$$

其中λ是拉格朗日乘子,又有:

$$S_b = (\mu_0 - \mu_1)(\mu_0 - \mu_1)^{\mathrm{T}}$$

不妨令:

$$S_b w = \lambda (\mu_0 - \mu_1)$$

解得:

$$w = S_w^{-1}(\mu_0 - \mu_1)$$



- □ 核Fisher判别分析(Kernel Fisher Discriminant Analysis, KFDA), 是LDA对应的核方法,将LDA拓展到非线性问题中
- □ 核心思想为,将样本通过核函数Φ映射到新的特征空间中,再对映射后的样本特征做Fisher判别分析。目标函数变为

$$J = \frac{w^{\mathsf{T}} \mathsf{S}_b^{\Phi} w}{w^{\mathsf{T}} \mathsf{S}_w^{\Phi} w}$$

$$\mathbf{S}_{b}^{\Phi} = (\mu_{0}^{\Phi} - \mu_{1}^{\Phi})(\mu_{0}^{\Phi} - \mu_{1}^{\Phi})^{T}$$
 $\mu_{i}^{\Phi} = \frac{1}{n_{i}} \sum_{j=1}^{n_{i}} \Phi(x_{j}^{i})$

$$\mathbf{S}_{w}^{\Phi} = \sum_{\boldsymbol{x} \in \boldsymbol{X}_{0}} \! \left(\boldsymbol{\Phi}(\boldsymbol{x}) - \boldsymbol{\mu}_{0}^{\Phi} \right) \! \left(\boldsymbol{\Phi}(\boldsymbol{x}) - \boldsymbol{\mu}_{0}^{\Phi} \right)^{\mathrm{T}} + \sum_{\boldsymbol{x} \in \boldsymbol{X}_{1}} \! \left(\boldsymbol{\Phi}(\boldsymbol{x}) - \boldsymbol{\mu}_{1}^{\Phi} \right) \! \left(\boldsymbol{\Phi}(\boldsymbol{x}) - \boldsymbol{\mu}_{1}^{\Phi} \right)^{T}$$



- 口 将数据 x_i 映射到 $\Phi(x_i)$,再应用LDA计算的方式计算量巨大,并且在特征空间为无限维时不可解
- □ 因此利用核函数方法重构特征空间的点乘运算

$$k(x,y) = \phi(x) \cdot \phi(y)$$

□ 则有

$$w = \sum_{i=1}^{n} \alpha_i \phi(x_i)$$

$$w^T \mu_i^{\phi} = \frac{1}{n_i} \sum_{j=1}^{n} \sum_{k=1}^{n_i} \alpha_j k(x_j, x_k^i) = \alpha^T M_i$$



口令

$$(M_i)_j = \frac{1}{n_i} \sum_{k=1}^{n_i} k(x_j, x_k^i)$$

□ 则优化目标函数可以重写为

$$J = \frac{\alpha^T M \alpha}{\alpha^T N \alpha}$$

其中

$$M = (M_1 - M_0)(M_1 - M_0)^T$$

$$N = K_0(I - \mathbf{1}_{n_0})K_0^T + K_1(I - \mathbf{1}_{n_1})K_1^T$$

K为核函数 $k(x_n, y_m)$ 组成的矩阵, $\mathbf{1}_{n_j}$ 的所有元素为 $\mathbf{1}/n_j$



□ 对优化目标函数求导取零解得

$$\alpha = N^{-1}(M_1 - M_0)$$

□ 值得注意的是,在实际应用中,*N*往往是奇异的,因此需要加上一个极小单位矩阵

$$N_{\epsilon} = N + \epsilon I$$

 \Box 在解得 α 后,对一个新给的数据点,其Fisher投影为

$$y(x) = (w \cdot \phi(x)) = \sum_{i}^{n} \alpha_{i} k(x_{i}, x)$$



- □ 拉普拉斯特征映射 (Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 与Isomap和LLE同为流形学习方法
 - 高维空间的低维流形在局部仍保持欧氏空间的性质
 - 不同之处
 - Isomap利用测地线距离,尝试保持任意两样本点之间的距离关系
 - LLE尝试保持邻域内样本之间的线性关系
 - LE尝试保持邻域内样本之间的距离关系
- □ 局部保持投影(Locality Preserving Projections, LPP)
 - LE是非线性映射,且无法应用于未见数据
 - LPP以LE为基础,限制LE为线性映射,可通过线性映射处理未见数据



- □ 拉普拉斯特征映射 (Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 问题表示: 给定m个样本 $x_1, x_2, ..., x_m \in \mathbb{R}^n$,找到其低维近似 $y_1, y_2, ..., y_m \in \mathbb{R}^l$ ($l \ll n$),并保持原始高维数据在局部的亲疏关系。即如果 x_i 和 x_j 相距很近,则它们的低维近似 y_i 和 y_i 也足够近
 - 目标函数:

$$\min_{y} \frac{1}{2} \sum_{i,j} ||y_i - y_j||^2 w_{ij}$$

- w_{ij} 是样本点邻接矩阵W的元素,反映了高维空间中 x_i 和 x_j 的亲疏关系
- $||y_i y_i||^2$ 表示低维空间中样本点之间的欧氏距离(流形的局部)
- w_{ij} 越大,表示 x_i 和 x_j 关系越密切,此时要求 $\|y_i y_j\|^2$ 越小



- □ 拉普拉斯特征映射 (Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 邻接矩阵W反映了原始的高维数据在其**邻域**内的亲疏关系
 - 邻域 $Neighbor(x_i)$ 的确定方式:
 - \bullet ϵ -近邻: $x_j \in Neighbor(x_i)$, 如果 $\|x_i x_j\|^2 < \epsilon$
 - k近邻: $x_j \in Neighbor(x_i)$, 如果 $x_j \in X_i$ 的k近邻,或者 $x_i \in X_j$ 的k近邻
 - 亲疏关系的量化:
 - 热核法 (Heat Kernel)

$$w_{ij} = exp\left(-\frac{\|x_i - x_j\|^2}{t}\right)$$
 if $x_j \in Neighbor(x_i)$ else 0

■ 简单法 (Simple Minded) $w_{ii} = 1 \text{ if } x_i \in Neighbor(x_i) \text{ else } 0$



- □ 拉普拉斯特征映射(Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 一些符号的定义
 - 前面的构造过程保证W为对称阵
 - D为对角阵,L为对称阵

$$W = \begin{bmatrix} w_{11} & \cdots & w_{1m} \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ w_{m1} & \cdots & w_{mm} \end{bmatrix}, \qquad D = \begin{bmatrix} \sum_{j=1}^{m} w_{1j} & \cdots & 0 \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ 0 & \cdots & \sum_{j=1}^{m} w_{mj} \end{bmatrix}, \qquad L = D - W$$

 $\blacksquare Y = [y_1, y_2, ..., y_m]$



- □ 拉普拉斯特征映射(Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 目标函数化简

$$\begin{split} \frac{1}{2} \sum_{i,j} & \| y_i - y_j \|^2 w_{ij} = \frac{1}{2} \sum_{i,j} (y_i^T y_i + y_j^T y_j - 2 y_i^T y_j) w_{ij} \\ &= \frac{1}{2} \left(\sum_{i,j} y_i^T y_i w_{ij} + \sum_{i,j} y_j^T y_j w_{ij} - 2 \sum_{i,j} y_i^T y_j w_{ij} \right) \\ &= \sum_{i} \left(\sum_{j} w_{ij} \right) y_i^T y_i - \sum_{i,j} y_i^T y_j w_{ij} \\ &= \sum_{i} d_{ii} y_i^T y_i - \sum_{i,j} y_i^T y_j w_{ij} \\ &= \operatorname{tr}(Y D Y^T) - \operatorname{tr}(Y W Y^T) \\ &= \operatorname{tr}(Y (D - W) Y^T) = \operatorname{tr}(Y L Y^T) \end{split}$$



- □ 拉普拉斯特征映射 (Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 目标函数等价于

$$\min_{y} \frac{1}{2} \sum_{i,j} ||y_i - y_j||^2 w_{ij} \leftrightarrow \min_{y} \operatorname{tr}(YLY^T)$$

- 问题:可以无限地减小 $Y = [y_1, y_2, ..., y_m]$ 的模长,取得平凡解0
 - 与支持向量机的决策超平面 $y = w^T x + b$ 的尺度问题类似
 - 解决方案: 为 $Y = [y_1, y_2, ..., y_m]$ 加入尺度约束,即 $tr(YDY^T) = 1$
- 最终的优化问题表述为:

$$\min_{y} \operatorname{tr}(YLY^{T})$$
s. t. $\operatorname{tr}(YDY^{T}) = 1$



- □ 拉普拉斯特征映射 (Laplacian Eigenmaps, LE)
 - 优化问题求解: 拉格朗日乘子法

$$\mathcal{L}(Y,\lambda) = \operatorname{tr}(YLY^T) - \lambda(\operatorname{tr}(YDY^T) - 1)$$

$$\Leftrightarrow \frac{\partial \mathcal{L}}{\partial Y} = 2(YL - \lambda YD) = 0$$
 得

$$YLD^{-1} = \lambda Y$$
$$D^{-1}LY^T = \lambda Y^T$$

故 Y^T 的列向量为 $D^{-1}L$ 的特征向量, λ 为对应的特征值

- **■** 由 $YLY^T = \lambda YDY^T$ 得 $tr(YLY^T) = \lambda tr(YDY^T) = \lambda$
 - 故应该取 $D^{-1}L$ 最小的若干个特征值对应的特征向量作为 Y^T



- □ 从LE到局部保持投影(LPP)
 - LE的问题:对于新样本数据的加入,该模型并不能给出其子空间的表示形式
 - LPP对LE的改进:将原本的隐式非线性映射变为显式线性映射

$$Y = A^T X$$
, $A \in \mathbb{R}^{n \times l}$

从而可以应用于新的未见样本

- □ 局部保持投影(LPP)推导
 - 优化问题:

$$\min_{A} \operatorname{tr}(A^{T}XLX^{T}A)$$
s. t.
$$\operatorname{tr}(A^{T}XDX^{T}A) = 1$$

■ 下面仍使用拉格朗日乘子法求解该优化问题



□ 局部保持投影(LPP)推导

■ 拉格朗日乘子

$$\mathcal{L}(A,\lambda) = \operatorname{tr}(A^T X L X^T A) - \lambda (\operatorname{tr}(A^T X D X^T A) - 1)$$

$$\diamondsuit \frac{\partial \mathcal{L}}{\partial A} = 2(XLX^TA - \lambda XDX^TA) = 0$$
 得
$$XLX^TA = \lambda XDX^TA$$

当 XDX^T 可逆时

$$(XDX^T)^{-1}XLX^TA = \lambda A$$

故 A 的列向量为 $(XDX^T)^{-1}XLX^T$ 的特征向量, λ 为对应的特征值

- 由 $A^TXLX^TA = \lambda A^TXDX^TA$ 得 $tr(A^TXLX^TA) = \lambda tr(A^TXDX^TA) = \lambda$
- 故应该取 $(XDX^T)^{-1}XLX^T$ 最小的若干个特征值对应的特征向量作为 A



§11.3 流形学习

- 一、等距特征映射(IsoMap)
- 二、局部线性嵌入(LLE)
- 三、多维尺度变换(MDS)



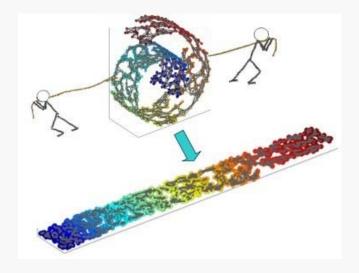
问题引入

□ 流形学习

- 流形:在局部与欧式空间同胚的<mark>空间</mark>,即在局部与欧式空间具有相同的性质,能用欧氏距离计算样本之间的距离
- 借助拓扑流形概念的降维方法

■ 直观上:一个流形可以看作 一个d维的空间在一个D维的空间中(D>d)被

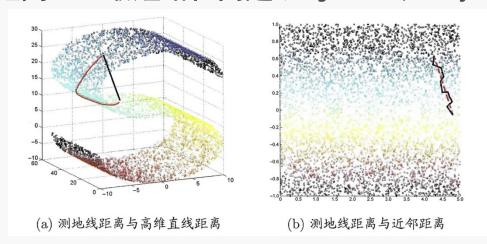
扭曲之后的结果





等度量映射

- □ 等度量映射(Isometric feature mapping, Isomap)
 - 出发点: 当数据在高维空间中存在某种复杂的结构分布时,直接用欧式距离有时候不能反映数据间的相互关系。因为高维空间中的直线距离在低维嵌入流形上是不可达的
 - 距离度量:利用流形在局部上与欧式空间同胚的性质,可以使用近邻距离 来逼近测地线距离 → 最短路径问题(Dijkstra, Floyd算法等)





等度量映射

- □ 等度量映射(Isometric feature mapping, Isomap)
 - 算法思想:
 - 当样本分布较密集的区域,假定样本空间结构可在该局部用欧式距离度量
 - 对于两个相距较远的点,寻找一系列两两相邻的样本点构成连接二者的路径,用最短路径上局部距离之和度量二者距离
 - 得到重新定义样本"距离矩阵"后,用MDS映射到低维空间
 - 近邻图构建常见问题:
 - 邻域范围指定过大: "短路问题",本身距离很远却成了近邻
 - 邻域范围指定过小: "断路问题", 有些样本点无法可达

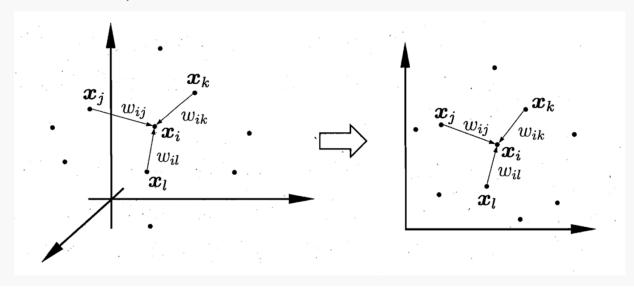


局部线性嵌入

- □ 局部线性嵌入(Locally Linear Embedding, LLE)
 - 不同于Isomap, LLE算法关注邻域内的线性关系, 假定样本xi的坐标可以通过它的邻域样本线性表出:

$$x_i = w_{ij}x_j + w_{ik}x_k + w_{il}x_l$$

■ 线性关系保持不变,即邻域重构系数不变





局部线性嵌入

- □ 局部线性嵌入(Locally Linear Embedding, LLE)
 - 算法思想
 - 根据近邻关系计算出所有样本的邻域重构系数w, 目标函数为重建损失

$$min_{w_1,w_2,...,w_m} \sum_{i=1}^m \left\|x_i - \sum_{j \in Q_i} w_{ij} x_j \right\|_2^2$$
 s. t. $\sum_{i=1}^m w_{ij} = 1$

■ 根据邻域重构系数不变,去求解低维坐标

令
$$Z=(z_1,z_2,...,z_m)\in R^{d'\times m}, (W)_{ij}=w_{ij}$$
, 则低维空间的目标函数可写为:
$$\sum_{Z}tr(ZMZ^T), \text{s. t. } ZZ^T=I$$

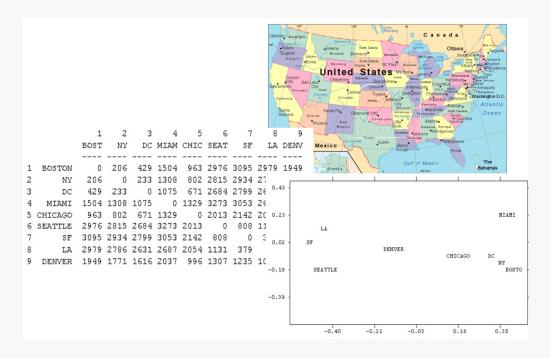
■ M特征值分解后最小的d'个特征值对应的特征向量组成Z



- □ MDS基本出发点
 - 根据样本之间的距离关系或不相似度关系在低维空间里生成对样本的表示
 - 把样本之间的距离关系或不相似关系在二维或三维空间里表示出来

□方法

- 给定距离, 求(相对)坐标
- 例: 地图坐标(右图)





□ MDS算法分析

■ 定义: 距离矩阵矩阵 $D \in \mathbb{R}^{m \times m}$; 低维空间中的表示 $Z \in R^{d' \times n}$,低维空间维数d' < d;任意两个样本在低维空间中的欧式距离等于原始空间中的距离,即

$$||z_i-z_j||=Dist(ij)$$

 \blacksquare 目标:根据高维任意两点间距离 $dist_{ij}^2$ 计算低维空间距离矩阵B

令 $B = Z^T Z \in R^{m \times m}$,其中B为降维后样本的内积矩阵, $b_{ij} = z_i^T z_j$

$$dist_{ij}^{2} = ||z_{i}||^{2} + ||z_{j}||^{2} - 2z_{i}^{T}z_{j}$$
$$= b_{ii} + b_{jj} - 2b_{ij}$$



□ MDS算法分析

■ 结合"降维后的样本坐标矩阵Z中心化"特性,推导矩阵B

$$B = \begin{bmatrix} z_1 \\ \dots \\ z_m \end{bmatrix} * \begin{bmatrix} z_1 & \dots & z_m \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} z_1 z_1 & z_1 z_2 & \dots & z_1 z_m \\ z_2 z_1 & z_2 z_2 & \dots & z_2 z_m \\ \dots & \dots & \dots & \dots \\ z_m z_1 & z_m z_2 & \dots & z_m z_m \end{bmatrix}$$
和为零问量

$$\sum_{i=1}^{m} dist_{ij}^{2} = \operatorname{tr}(\mathbf{B}) + mb_{jj} ,$$

$$\sum_{j=1}^{m} dist_{ij}^{2} = \operatorname{tr}(\mathbf{B}) + mb_{ii} ,$$

$$\sum_{j=1}^{m} dist_{ij}^{2} = \operatorname{tr}(\mathbf{B}) + mb_{ii} ,$$

$$\sum_{i=1}^{m} \sum_{j=1}^{m} dist_{ij}^{2} = 2m \operatorname{tr}(\mathbf{B}) ,$$

$$dist_{\cdot i}^{2} = \frac{1}{m} \sum_{i=1}^{m} dist_{ij}^{2} ,$$



□ MDS算法过程描述

■ S1: 根据公式, 求解 $dist_{i\cdot}^2$ $dist_{\cdot j}^2$ 和 $dist_{\cdot j}^2$

■ S2: 计算矩阵 B

■ S3: 对矩阵B做特征值分解

■ 对矩阵B做特征值分解(eigenvalue decomposition), $B = V\Lambda V^T$, 其中 $A = diag(\lambda_1, \lambda_2, ..., \lambda_d)$ 为特征值构成的对角矩阵, $\lambda_1 \geq \lambda_2 \geq ... \geq \lambda_d$), V为特征向量矩阵. 假定其中有 d^* 个非零特征值,它们构成对角矩阵 $\Lambda_* = diag(\lambda_1, \lambda_2, ..., \lambda_{d^*})$,令 V_* 表示相应的特征向量矩阵,则Z可表达为

$$Z = \Lambda_*^{1/2} V_*^T \in R^{d^* \times m}$$

- S4: $\mathbb{R}^{\tilde{\Lambda}}$ 为d'个最大特征值所构成的对角矩阵, \tilde{V} 为相应的特征向量矩阵
- 输出:矩阵Z的每行是一个样本的低维坐标



§11.4 应用举例

一、人脸特征表示

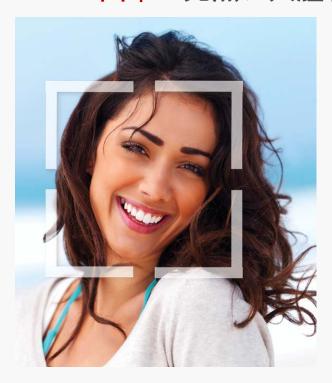


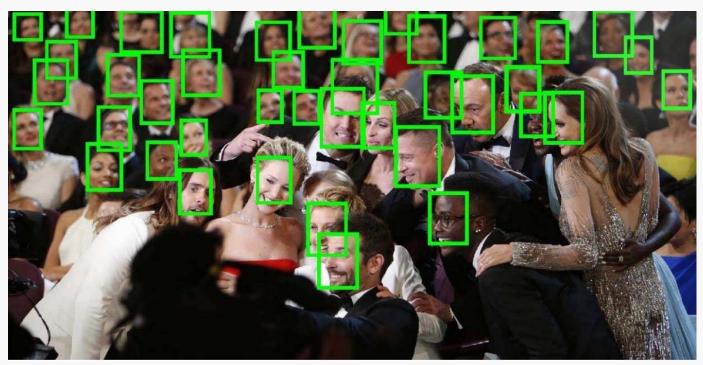
人脸检测

□ 人脸检测

■ 任务定义: 有无人脸, 具体位置

■ 困难: 光照、人脸朝向、阴影、尺寸等

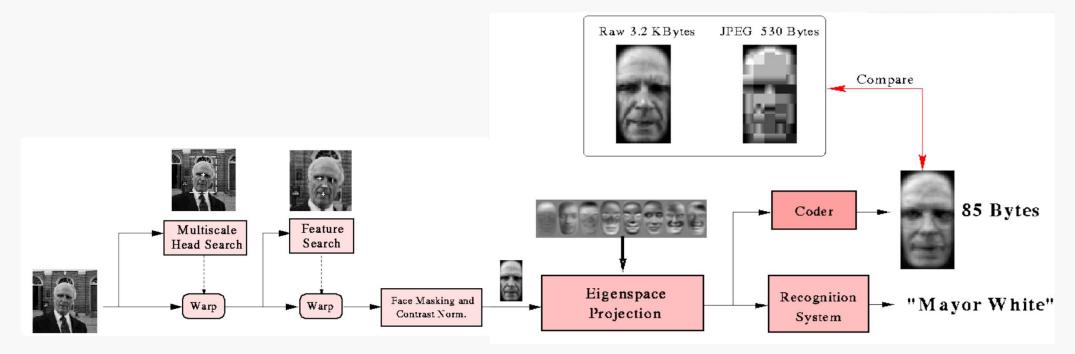






□ PCA在人脸识别中的应用举例

- S1: 对人脸数据集预处理(图像归一化和裁剪)
- S2: 本征脸提取、表示和基于本征脸的分类



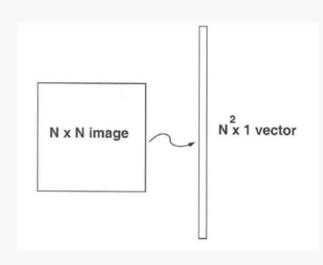
M. Turk & A. Pentland, Eigenfaces for recognition, Journal of Cognitive Neuroscience, vol.3, no.1, pp.71-86, 1991.



□ 实现算法

- 样本集 $X_i \in \mathbb{R}^{N^2}$, i=1, ···, M, 用PCA进行降维
- 总体散布矩阵 $\sum = \frac{1}{M} \sum_{i=0}^{M-1} (X_i \mu)(X_i \mu)^T = \frac{1}{M} X X^T$
- 存在问题: $N^2 \times N^2$ 维矩阵,求其正交归一的本征向量,但计算困难







□ 实现算法

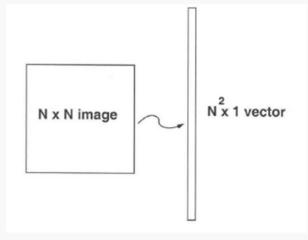
■ 解决方法:

考察 $M \times M$ (M为样本数, $M << N^2 \times N^2$)维矩阵 $R = X^T X$

- 其特征方程是 $X^TXv_i = \lambda_i v_i$
- 两边同乘以 $X: XX^TXv_i = \lambda_i Xv_i$
- $\sum X v_i = \lambda_i X v_i$
- 记 $u_i = Xv_i$,有 $\sum u_i = \lambda_i u_i$ 所以,矩阵 $X^T X$ 和 XX^T 具有相同的特征值,而特征相关具有关系

$$u_i = X v_i$$







□ 实现算法

易求得,∑的归一化的本征向量是

$$u_i = \frac{1}{\sqrt{\lambda_i}} X v_i$$
 , i=1, 2, ...M

- · 注意,因为矩阵∑的秩最多为M,所以最多只有M个本征值和本征向量
- 每一个本征向量仍然是一个 N^2 维向量,即 $N \times N$ 维图像,仍然具有类似人脸的样子,因此被称作"本征脸"(eigenfaces)
- 按照本征值从大到小排列

$$\lambda_1 \geq \lambda_2 \geq \cdots \geq \lambda_M$$

• 并从前向后取相应的本征脸,即构成对原图像的最佳的降维表示





□ 实现算法

■ 原图像可以表示成特征脸的线性组合(在特征脸空间中的点)

$$y_i = U^T x_i$$
, i=1,…M $\widehat{x}_i = \widehat{U}\widehat{y}_i^T$ 其中, \widehat{y}_i 为d维(d\widehat{U}为p×d维



■ 比如选取前k个特征向量,时

$$\sum_{i=0}^{k-1} \lambda_i / \sum_{i=0}^{M-1} \lambda_i \geq \alpha$$

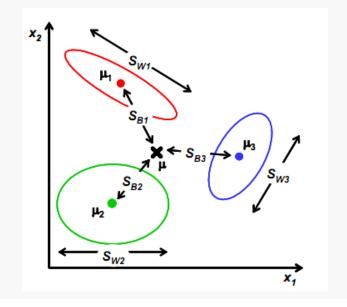
- 比如 α =99%即可以保持原样本99%的信息
- 对原图像的表示 $\hat{x}_i \mu = \sum_{j=1}^k y_{ij} u_j$

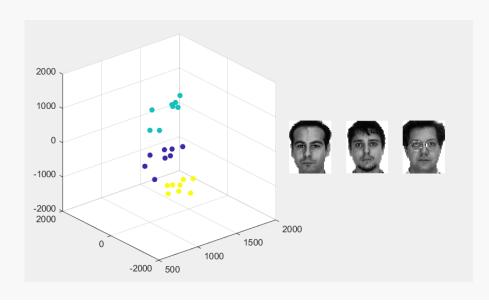


人脸特征表示: FisherFaces

□对比EigenFace

- EigenFace基于PCA降维, FisherFace基于LDA降维
- PCA是无监督方法,目标是最小化类内散度、最大化类间散度
- LDA是有监督方法,目标是更好的分类
- 在小数据上面两种方法相差不大,在大数据上LDA有着更明显的优势

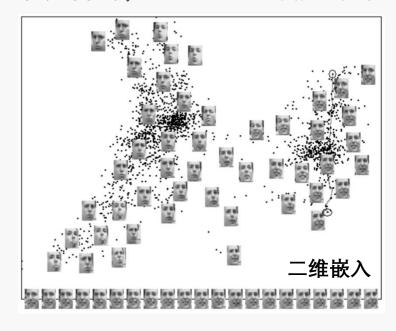


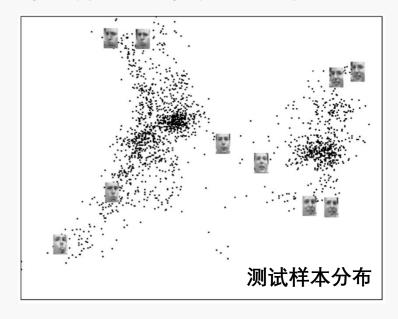




人脸特征表示: LaplacianFaces

- □对比EigenFaces与FisherFaces
 - EigenFace和FisherFace只关注人脸空间的欧几里得结构
 - LPP则利用LPP降维,获取能保留人脸关键局部信息的子空间
 - 可以看到,测试样本都能找到表示其内在属性(如位姿、表情)的最优坐标







思考题

- □ 降维中涉及的投影矩阵通常要求是正交的,试述正交、非正交投影 矩阵用于降维的优缺点
- □ 答: 正交有两个好处:
 - 1. 降维和重构变换计算方便。比如,在PCA中,设新坐标系中基矢为 $\{w_1,w_2,...,w_{d'}\}$,样本x在新坐标系中的坐标为z,通过z重构的样本坐标为 $\hat{x}=Wz$ 。现在假设 $\{w_i\}$ 是一组线性无关的基矢,但是未必正交归一,那么 为了满足"最近重构",需要 $\min_z |\hat{x}-x|=\min_z |Wz-x|$,该问题有解 析解: $z^*=(W^TW)W^Tx$ 。如果 $\{w_i\}$ 彼此正交归一,便有 $W^TW=I$,于是 $z^*=W^Tx$ 。
 - 2. 变换后的Z的不同坐标之间是"去相关"的。我们已经知道,在PCA中,变换后,在新的特征空间中,不同特征之间是"不相关"的,也就是协方差矩阵 ZZ^T 是对角化的,非对角元素为零。



思考题

- 现在,假设有一组基矢 $\{w_i'\}$ 不是正交化的,设为W',它可以由正交化的W线性 表出: W' = WA,从"最近重构"的角度,两者的重构效果应该等同: W'z' = Wz,于是 $z' = A^{-1}$, $Z'Z^T = A^{-1}ZZ^TA^{-1}^T$,此时协方差的非对角元就未必为零了。
- 其实至于不同特征之间"去相关"有什么好处,现在没有相关的实践应用,不好体会,留待以后有所体会的时候再回来补充吧。
- 关于正交的缺点方面,大概也就是"去相关"后的缺点吧,某些情况下也许特征之间完全去相关未必是好事。同样需要慢慢实践、体会。现在想到的例子,比如:一个人的身高和体重是正相关的,通过PCA方法大概可以得到"身体年龄"和"肥瘦度"两个相互独立的特征,但是,或许在一个特定任务中,直接用身高和体重两个特征更容易一些。