

Dpul29071\_1-148 MNCLKFRLVAVAILIFNVVTA LNYQSEEA VGV EHERDRDSLGGGHILRGLDSIGESNLLRAIYREKPRDFLRINRGLDSL 80

10 20 30 40 50 60 70 80

Consensus



Dpul29071\_1-148 SGASFGEKRLDSL TGLGFSGQKRNLDEIDRSNFGTFAKRNLD EIDRSDFGRFVKKRETMEAE SSQQQ 148

90 100 110 120 130 140

Consensus

