

Tcas2952\_1-110 M R P V L V L V M I F S V S Y A R Y L E P Y N Y G Y P R P L V D F L N R L S L S D K I K R C G N T F D E S C A N L P I I G A S S D E S W L A H S S P G K R C A N 80

10 20 30 40 50 60 70 80

Consensus

M R P V L V L V M I F S V S Y A R Y L E P Y N Y G Y P R P L V D F L N R L S L S D K I K R C G N T F D E S C A N L P I I G A S S D E S W L A H S S P G K R C A N

Tcas2952\_1-110 V W G E S C I N G G I I G G G S D Q S W L Q G D D N P G R R 110

90 100 110

Consensus

V W G E S C I N G G I I G G G S D Q S W L Q G D D N P G R R