

Tmol9429_1-112

MGMKSVFTGIFIISSMYLLFIHQFHNASAAPGNVNNLDSHRPRGRPFTRLTPTRTSSQYARIKPEPFNEFIVDDDDLFEELS 80

10 20 30 40 50 60 70 80

Consensus

MGMKSVFTGIFIISSMYLLFIHQFHNASAAPGNVNNLDSHRPRGRPFTRLTPTRTSSQYARIKPEPFNEFIVDDDDLFEELS

Tmol9429_1-112

KRQTSDDYGH LRFGRGE E P FDDYGHMRFGRS 112

90 100 110

Consensus

KRQTSDDYGH LRFGRGE E P FDDYGHMRFGRS