

Tmol15602_54-160 M C P S Y N F A T I V L V L T I T V I I F S D K G T T M S L P C R R C F T S D E C N S P P P D F C P Y G E N K N Y C G R R V C S K G P G E K C S N D Q Y A I L G 80

Consensus

M C P S Y N F A T I V L V L T I T V I I F S D K G T T M S L P C R R C F T S D E C N S P P P D F C P Y G E N K N Y C G R R V C S K G P G E K C S N D Q Y A I L G

Tmol15602_54-160 T C G E G M W C S N K D N R C H G C F I A T M T C Y E 107

Consensus

T C G E G M W C S N K D N R C H G C F I A T M T C Y E