In [1]:

```
import numpy as np
import random as rd
import math as mt
import matplotlib as plt
```

MAPSI - TME - Rappels de Proba/stats

I- La planche de Galton (obligatoire) ¶

I.1- Loi de Bernouilli

Écrire une fonction bernouilli: float ->int qui prend en argument la paramètre $p \in [0,1]$ et qui renvoie aléatoirement 0 (avec la probabilité 1-p) ou 1 (avec la probabilité p).

In [2]:

```
def bernouilli(p):
    # votre code
    a=rd.random()
    cond=a
```

In [3]:

```
## Test
bernouilli( 0.5)
```

Out[3]:

0

I.2- Loi binomiale

Écrire une fonction binomiale: int , float -> int qui prend en argument un entier n et $p \in [0,1]$ et qui renvoie aléatoirement un nimbre tiré selon la distribution $\mathcal{B}(n,p)$.

In [4]:

```
def binomiale(n,p):
    # de même loi qu'une somme de variables de Bernouilli indépendantes
    return sum( bernouilli( p) for i in range(n))
    pass
```

```
In [5]:
```

```
#test
print(binomiale (100, 0.5))
```

53

I.3- Histogramme de la loi binomiale

Dans cette question, on considère une planche de Galton de hauteur n. On rappelle que des bâtons horizontaux (oranges) sont cloués à cette planche comme le montre la figure ci-contre.

Des billes bleues tombent du haut de la planche et, à chaque niveau, se retrouvent à la verticale d'un des bâtons. Elles vont alors tomber soit à gauche, soit à droite du bâton, jusqu'à atteindre le bas de la planche. Ce dernier est constitué de petites boites dont les bords sont symbolisés par les lignes verticales grises.

Chaque boite renferme des billes qui sont passées exactement le même nombre de fois à droite des bâtons oranges. Par exemple, la boite la plus à gauche renferme les billes qui ne sont jamais passées à droite d'un bâton, celle juste à sa droite renferme les billes passées une seule fois à droite d'un bâton et toutes les autres fois à gauche, et ainsi de suite.

La répartition des billes dans les boites suit donc une loi binomiale $\mathcal{B}(n,0.5)$.

Écrire un script qui crée un tableau de 1000 cases dont le contenu correspond à 1000 instanciations de la loi binomiale $\mathcal{B}(n,0.5)$. Afin de voir la répartition des billes dans la planche de Galton, tracer l'histogramme de ce tableau. Vous pourrez utiliser la fonction hist de matplotlib.pyplot:

In [6]:

```
import matplotlib.pyplot as plt

plt.hist ([0,1,2,1,2,4,1,1], 4);
#l=set([0,1,2,1,2,4,1,1])
#len(l)
```

Pour le nombre de bins, calculez le nombre de valeurs différentes dans votre tableau.

In [7]:

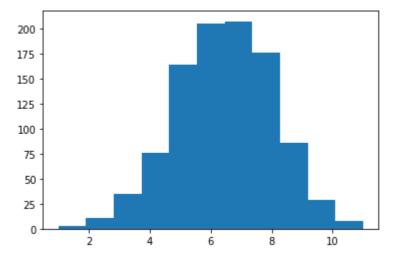
```
# entrée: n: hauteur de la planche de Galton
def Galton(n):
   tab=[binomiale( n, 0.5) for i in range(1000 )]
   return tab
#print(tab)
```

In [8]:

```
def draw_hist(n):
    list=Galton(n)
    nb_values=len(set(list))
    plt.hist(list, nb_values)
```

In [9]:

```
#Test
draw_hist(13)
```



II- Visualisation d'indépendances (obligatoire)

II.1- Loi normale centrée réduite

On souhaite visualiser la fonction de densité de la loi normale. Pour cela, on va créer un Planche de Galton ensemble de k points (x_i, y_i) , pour des x_i équi-espacés variant de -2σ à 2σ , les y_i correspondant à la valeur de la fonction de densité de la loi normale centrée de variance σ^2 , autrement dit $\mathcal{N}(0, \sigma^2)$.

Écrire une fonction normale : int , float -> float np.array qui, étant donné un paramètre entier k impair et un paramètre réel sigma renvoie l'array numpy des k valeurs y_i . Afin que l'array numpy soit bien symmétrique, on lèvera une exception si k est pair.

In [10]:

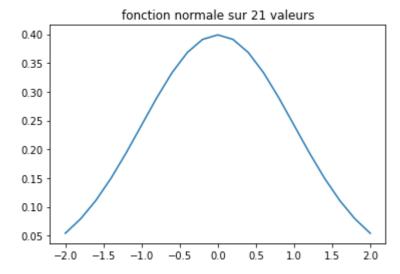
```
def normale ( k, sigma ):
    #votre code
    if (k%2==0):
        raise Exception(' k should be odd')
    # les valeurs de x que je vais évaluer
    x=np.linspace(-2*sigma, 2*sigma, k)
    return x, (1/(mt.sqrt(2*mt.pi)* sigma) * np.exp(-(1/2)*np.power((x /sigma),
2)))
    pass
```

In [11]:

Vérfier la validité de votre fonction en affichant grâce à la fonction plot les points générés dans une figure.

In [12]:

```
#votre code
k = 21
a=normale(k, 1)
b=(1,2)
#print(b[1])
#print(a[0])
#print(a[1])
plt.title('fonction normale sur '+str(k)+' valeurs')
plt.plot(a[0], a[1])
plt.show()
```



II.2- Distribution de probabilité affine

Dans cette question, on considère une généralisation de la distribution uniforme: une Distribution affine distribution affine, c'est-à-dire que la fonction de densité est une droite, mais pas forcément horizontale, comme le montre la figure ci-contre.

Écrire une fonction proba_affine : int , float -> float np.array qui, comme dans la question précédente, va générer un ensemble de k points $y_i, i=0,\ldots,k-1$, représentant cette égale à 0, c'est-à-dire si la distribution est uniforme, chaque point y_i devrait être égal à $\frac{1}{k}$ (afin que $\sum y_i=1$). Si la pente est différente de 0, il suffit de choisir, $orall i=0,\dots,k-1$, $y_i=rac{1}{k}+(i-rac{k-1}{2}) imes slope$

$$y_i = rac{1}{k} + (i - rac{\kappa - 1}{2}) imes slope$$

Vous pourrez aisément vérifier que, ici aussi, $\sum y_i = 1$. Afin que la distribution soit toujours positive (c'est quand même un minimum pour une distribution de probabilité), il faut que la pente slope ne soit ni trop grande ni trop petite. Le bout de code ci-dessous lèvera une exception si la pente est trop élevée et indiquera la pente maximale possible.

In [13]:

```
def proba_affine ( k, slope ):
    if k % 2 == 0:
        raise ValueError ( 'le nombre k doit etre impair' )
    if abs ( slope ) > 2. / ( k * k ):
        raise ValueError ( 'la pente est trop raide : pente max = ' +
        str ( 2. / ( k * k ) ) )
    #votre code
    i=np.linspace(0, k-1, k)
    return i,(1/k)+(i-(k-1)/2)*slope
```

In [14]:

II.3- Distribution jointe

Écrire une fonction Pxy : float np.array , float np.array -> float np.2D-array qui, étant donné deux tableaux numpy de nombres réels à 1 dimension générés par les fonctions des questions précédentes et représentant deux distributions de probabilités P(A) et P(B), renvoie la distribution jointe P(A,B) sous forme d'un tableau numpy à 2 dimensions de nombres réels, en supposant que A et B sont des variables aléatoires indépendantes. Par exemple, si:

In [15]:

```
PA = np.array ( [0.2, 0.7, 0.1] ) 
 PB = np.array ( [0.4, 0.4, 0.2] )
```

alors Pxy(A,B) renverra le tableau:

```
np.array([[ 0.08, 0.08, 0.04], [ 0.28, 0.28, 0.14], [ 0.04, 0.04, 0.02]])
```

In [16]:

```
# entrée: A et B sont des variables aléatoires indépendantes
# alors P(A, B)=P(A)*P(B)
# retour: distribution jointe P(A, B)
def Pxy(x,y):
    #votre code
    sz1=np.size(x)
    a=np.reshape(x, (1,sz1))
    sz2=np.size(y)
    b=np.reshape(y, (1,sz2))
    #return x.dot(y)
    return np.transpose(a).dot(b)
    pass
''' autre définition possible
def Pxy(x, y):
    result=np.zeros((np.size(x), np.size(y)))
    for i in range(np.size(x)):
        for j in range (np.size(y)):
            result[i, j]=x[i]*y[j]
    return result
```

Out[16]:

```
'autre définition possible \ndef Pxy(x, y): \n result=np.zeros((np.size(x), np.size(y)))\n for i in range(np.size(x)):\n for j in range (np.size(y)):\n result[i, j]=x[i]*y[j]\n return result\n'
```

In [17]:

```
print(Pxy(PA,PB))

[[0.08 0.08 0.04]
  [0.28 0.28 0.14]
  [0.04 0.04 0.02]]
```

II.4- Affichage de la distribution jointe

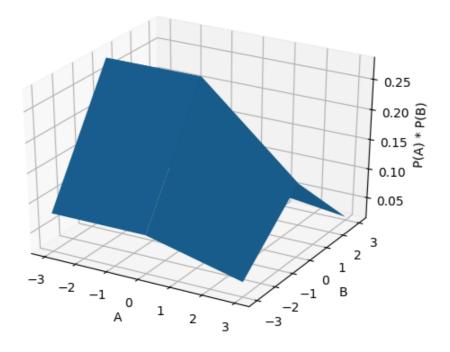
Le code ci-dessous permet d'afficher en 3D une probabilité jointe générée par la fonction Distribution jointe précédente. Exécutez-le avec une probabilité jointe résultant de la combinaison d'une loi normale et d'une distribution affine.

Si la commande %matplotlib notebook fonctione, vous pouvez interagir avec la courbe. Si le contenu de la fenêtre est vide, redimensionnez celle-ci et le contenu devrait apparaître. Cliquez à la souris à l'intérieur de la fenêtre et bougez la souris en gardant le bouton appuyé afin de faire pivoter la courbe. Observez sous différents angles cette courbe. Refaites l'expérience avec une probaiblité jointe résultant de deux lois normales. Essayez de comprendre ce que signifie, visuellement, l'indépendance probabiliste. Vous pouvez également recommencer l'expérience avec le logarithme des lois jointes.

In [18]:

```
from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
#%matplotlib inline
# essayer `%matplotib notebook` pour interagir avec la visualisation 3D
%matplotlib notebook
def dessine ( P_jointe ):
    fig = plt.figure()
    ax = fig.add_subplot(111, projection='3d')
    x = np.linspace ( -3, 3, P_jointe.shape[0] )
    y = np.linspace ( -3, 3, P_jointe.shape[1] )
    X, Y = np.meshgrid(x, y)
    ax.plot_surface(X, Y, P_jointe, rstride=1, cstride=1 )
    ax.set_xlabel('A')
    ax.set_ylabel('B')
    ax.set_zlabel('P(A) * P(B)')
    plt.show ()
```

In [19]:



In [20]:

```
#votre code
# avec loi normale et loi affine
Loi_normale=normale(101, 1)
Loi_affine=proba_affine(101, 0)
#print(Loi_normale)
#print(Loi_affine)
```

In [21]:

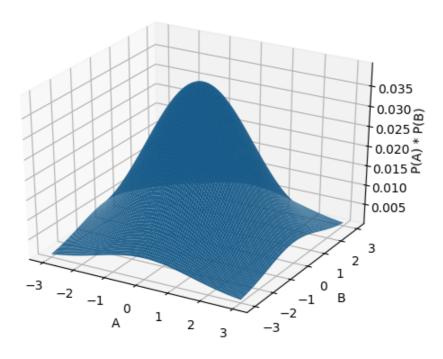
```
#Loi jointe
Loi_jointe=Pxy(Loi_normale[1], Loi_affine[1])
#print(Loi_jointe)
```

In [22]:

```
#test
%matplotlib notebook
dessine(Loi_jointe)
```

In [23]:

```
# avec deux lois normales
Loi_normale1=normale(101, 1)
Loi_normale2=normale(101, 4)
Loi_jointe2=Pxy(Loi_normale1[1], Loi_normale2[1])
%matplotlib notebook
dessine(Loi_jointe2)
```

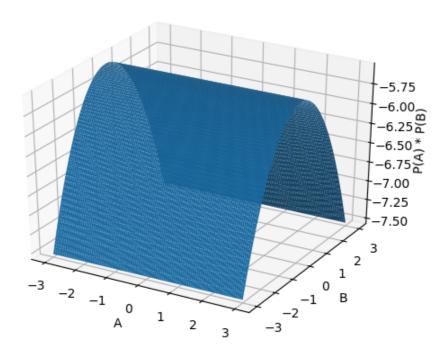


observation sur la signification visuelle de l'indépendance probabiliste

quand deux variables sont indépendantes, on remarque qu'on a la même forme qui se répéte selon un des axes avec un scale différent

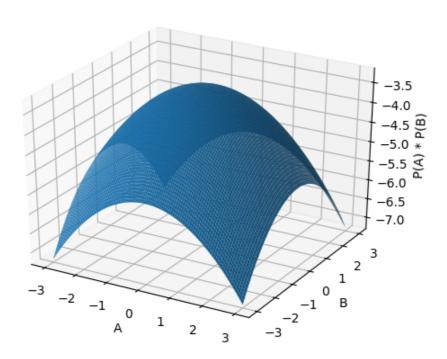
In [24]:

#experience avec le logarithme des lois jointes
dessine(np.log(Loi_jointe))



In [25]:

dessine(np.log(Loi_jointe2))



III- Indépendances conditionnelles (obligatoire)

Dans cet exercice, on considère quatre variables aléatoires booléennes X,Y,Z et T ainsi que leur distribution jointe P(X,Y,Z,T) encodée en python de la manière suivante :

In [26]:

Ainsi, $\forall (x,y,z,t) \in \{0,1\}^4$, P_XYZT[x][y][z][t] correspond à P(X=x,Y=y,Z=z,T=t) ou, en version abrégée, à P(x,y,z,t).

III.1- Indépendance de X et T conditionnellement à (Y,Z)

On souhaite tester si les variables aléatoires X et T sont indépendantes conditionnellement à (Y,Z). Il s'agit donc de vérifer que dans la loi P,

$$P(X,T|Y,Z) = P(X|Y,Z) \cdot P(T|Y,Z)$$

Pour cela, tout d'abord, calculer à partir de P_XYZT le tableau P_YZ représentant la distribution P(Y,Z). On rappelle que

$$P(Y,Z) = \sum_{X,T} P(X,Y,Z,T)$$

Le tableau P_YZ est donc un tableau à deux dimensions, dont la première correspond à Y et la deuxième à Z. Si vous ne vous êtes pas trompé(e)s, vous devez obtenir le tableau suivant :

In [27]:

```
#votre code
#calcul de P_YZ
# on doit sommer selon t puis selon x
P_YZT=np.sum(P_XYZT, 0)
#print(P_YZT)
P_YZ=np.sum(P_YZT, 2)
#check
print(P_YZ)
```

```
[[0.336 0.084]
[0.464 0.116]]
```

Ensuite, calculer le tableau $P_XTcondYZ$ représentant la distribution P(X,T|Y,Z). Ce tableau a donc 4 dimensions, chacune correspondant à une des variables aléatoires. De plus, les valeurs de $P_XTcondYZ$ sont obtenues en utilisant la formule des probabilités conditionnelles:

$$P(X,T|Y,Z) = rac{P(X,Y,Z,T)}{P(Y,Z)}$$

In [28]:

```
#votre code
'''P XTcondYZ=P XYZT
warning this is an affectation by reference, so modifiying P XTcondYZ implies mo
difying P XYZT, you need to make a copy
1.1.1
print('okey')
sh=np.shape(P XYZT)
P XTcondYZ=np.zeros(sh)
for i in range ( sh[1]): #for Y
    for j in range(sh[2]): #for Z
        P XTcondYZ[:,i, j, :]=P XYZT[:, i, j, :]/P YZ[i,j]
print (P XTcondYZ)
okey
[[[[0.05714286 0.51428571]
   [0.45714286 0.11428571]]
  [[0.16551724 0.11034483]
   [0.13793103 0.13793103]]]
 [[[0.04285714 0.38571429]
   [0.34285714 0.08571429]]
  [[0.43448276 0.28965517]
   [0.36206897 0.36206897]]]]
```

Calculer à partir de $P_XTcondYZ$ les tableaux à 3 dimensions $P_XcondYZ$ et $P_TcondYZ$ représentant respectivement les distributions P(X|Y,Z) et P(T|Y,Z). On rappelle que

$$P(X|Y,Z) = \sum_{Y} P(X,T|Y,Z)$$

In [29]:

```
#votre code
P_XcondYZ=np.sum(P_XTcondYZ,3 ) # sum under T
P_TcondYZ=np.sum(P_XTcondYZ,0 ) #sum under X
print(P_XcondYZ)
print(P_TcondYZ)

[[[0.57142857  0.57142857]
      [0.27586207  0.27586207]]

[[0.42857143  0.42857143]
      [0.72413793  0.72413793]]]
[[[0.1  0.9]
      [0.8  0.2]]

[[0.6  0.4]
      [0.5  0.5]]]
```

Enfin, tester si X et T sont indépendantes conditionnellement à (Y,Z): si c'est bien le cas, on doit avoir P(X,T|Y,Z)=P(X|Y,Z) imes P(T|Y,Z)

In [30]:

indépendance de X et T conditionnellement à (Y,Z) :True

III.2- Indépendance de X et (Y,Z)

On souhaite maintenant déterminer si X et (Y,Z) sont indépendantes. Pour cela, commencer par calculer à partir de P_XYZT le tableau P_XYZ représentant la distribution P(X,Y,Z).

Ensuite, calculer à partir de P_XYZ les tableaux P_X et P_YZ représentant respectivement les distributions P(X) et P(Y,Z). On rappelle que

$$P(X) = \sum_{Y} \sum_{Z} P(X, Y, Z)$$

Si vous ne vous êtes pas trompé(e), P X doit être égal au tableau suivant :

```
np.array([ 0.4, 0.6])
```

In [31]:

```
#votre code
P_XYZ=np.sum(P_XYZT, 3)
P_YZ=np.sum(P_XYZ, 0)
P_X=np.sum(np.sum(P_XYZ,2),1)
print(P_X)
```

 $[0.4 \ 0.6]$

Enfin, si X et (Y,Z) sont bien indépendantes, on doit avoir

$$P(X, Y, Z) = P(X) \times P(Y, Z)$$

In [32]:

```
#votre code
sh=np.shape(P_XYZ)
prod=np.zeros(sh)
for x in range (sh[0]):
    for y in range( sh[1]):
        for z in range(sh[2]):
            prod[x, y, z]=P_X[x]* P_YZ[y,z]

print('X est indépendante du couple YZ :'+str(np.all(np.abs(prod-P_XYZ)<epsilon)))</pre>
```

X est indépendante du couple YZ :False

IV- Indépendances conditionnelles et consommation mémoire (obligatoire)

Le but de cet exercice est d'exploiter les probabilités conditionnelles et les indépendances conditionnelles afin de décomposer une probabilité jointe en un produit de "petites probabilités conditionnelles". Cela permet de stocker des probabilités jointes de grandes tailles sur des ordinateurs "standards". Au cours de l'exercice, vous allez donc partir d'une probabilité jointe et, progressivement, construire un programme qui identifie ces indépendances conditionnelles.

Pour simplifier, dans la suite de cet exercice, nous allons considérer un ensemble X_0, \ldots, X_n de variables aléatoires binaires (elles ne peuvent prendre que 2 valeurs : 0 et 1).

Simplification du code : utilisation de pyAgrum

Manipuler des probabilités et des opérations sur des probabilités complexes est difficiles avec les outils classiques. La difficulté principale est certainement le problème du mapping entre axe et variable aléatoire. pyAgrum propose une gestion de Potential qui sont des tableaux multidimensionnels dont les axes sont caractérisés par des variables et sont donc non ambigüs.

Par exemple, après l'initiation du Potential PABCD :

In [7]:

```
import pyAgrum as gum
import pyAgrum.lib.notebook as gnb
X,Y,Z,T=[qum.LabelizedVariable(x,x,2) for x in "XYZT"]
print(X)
pXYZT=gum.Potential().add(T).add(Z).add(Y).add(X)
pXYZT[:]=[[[[ 0.0192, 0.1728],
            [ 0.0384,
                       0.0096]],
           [[ 0.0768,
                       0.0512],
            [ 0.016 ,
                       0.016 ]]],
                       0.12961.
          [[[0.0144]]
            [ 0.0288,
                       0.0072]],
           [[0.2016]
                       0.1344],
            [ 0.042 ,
                       0.042 ]]]]
```

X < 0, 1 >

On peut alors utiliser la méthode margSum0ut qui supprime les variables par sommations:

```
p.margSumOut(['X','Y']) correspond à calculer \sum_{X,Y} p
```

La réponse a question III.1 se calcule donc ainsi :

In [8]:

```
pXT_YZ=pXYZT/pXYZT.margSumOut(['X','T'])
pX_YZ=pXT_YZ.margSumOut(['T'])
pT_YZ=pXT_YZ.margSumOut(['X'])

if pXT_YZ==pX_YZ*pT_YZ:
    print("=> X et T sont indépendants conditionnellemnt à Y et Z")
else:
    print("=> pas d'indépendance trouvée")
```

=> X et T sont indépendants conditionnellemnt à Y et Z

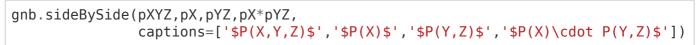
La réponse à la question III.2 se calcule ainsi :

In [9]:

```
pXYZ=pXYZT.margSumOut("T")
pYZ=pXYZ.margSumOut("X")
pX=pXYZ.margSumOut(["Y","Z"])
if pXYZ==pX*pYZ:
    print("=> X et YZ sont indépendants")
else:
    print("=> pas d'indépendance trouvée")
```

=> pas d'indépendance trouvée

In [10]:



		Z	<u>z</u>										2	7
Х	Υ	0	1]		Z	Z		х	Υ	0	1
0	0	0.1920	0.0480	0	1 1		Υ	0	1	-	0	0	0.1344	0.0336
١	1	0.1280	0.0320		0.4000 0.6000		0	0.3360	0.0840		١	1	0.1856	0.0464
1	0	0.1440	0.0360	0.4000	0.0000		1	0.4640	0.1160		1	0	0.2016	0.0504
1	1	0.3360	0.0840								1	1	0.2784	0.0696
P(X,Y,Z)		P((X)			P(Y, Z)	Z)			$P(\lambda$	$(X) \cdot P(Y, $	Z)		

asia.txt contient la description d'une probabilité jointe sur un ensemble de 8 variables aléatoires binaires (256 paramètres). Le fichier est produit à partir du site web suivant http://www.bnlearn.com/bnrepository/.

Le code suivant permet de lire ce fichier et d'en récupérer la probabilité jointe (sous forme d'une gum.Potential) qu'il contient :

In [11]:

```
def read file ( filename ):
    Renvoie les variables aléatoires et la probabilité contenues dans le
    fichier dont le nom est passé en argument.
    Pres = gum.Potential ()
    vars=[]
    with open ( filename, 'r' ) as fic:
        # on rajoute les variables dans le potentiel
        nb vars = int ( fic.readline () )
        for i in range ( nb vars ):
            name, domsize = fic.readline ().split ()
            vars.append(name)
            variable = gum.LabelizedVariable(name,name,int (domsize))
            Pres.add(variable)
        # on rajoute les valeurs de proba dans le potentiel
        cpt = []
        for line in fic:
            cpt.append ( float(line) )
        Pres.fillWith( cpt )
    return vars,Pres
vars,Pjointe=read file('asia.txt')
# afficher Pjointe est un peu délicat (retire le commentaire de la ligne suivant
e)
# Pjointe
print('Les variables : '+str(vars))
```

```
Les variables : ['visit_to_Asia?', 'tuberculosis?', 'smoking?', 'lun g_cancer?', 'tuberculosis_or_lung_cancer?', 'bronchitis?', 'positive _Xray?', 'dyspnoea?']
```

In [12]:

```
# Noter qu'il existe une fonction margSumIn qui, à l'inverse de MargSumOut, élim
ine
# toutes les variables qui ne sont pas dans les arguments
Pjointe.margSumIn(['tuberculosis?','lung_cancer?'])
```

Out[12]:

	tuberculosis?			
lung_cancer?	0	1		
0	0.0006	0.0544		
1	0.0098	0.9352		

IV.1- test d'indépendance conditionnelle

En utilisant la méthode margSumIn (voir juste au dessus), écrire une fonction conditional_indep: Potential,str,str,list[str]->bool qui rend vrai si dans le Potential, on peut lire l'indépendance conditionnelle.

Par exemple, l'appel

```
conditional_indep(Pjointe,'bronchitis?', 'positive_Xray?',
['tuberculosis?','lung_cancer?'])
```

vérifie si bronchitis est indépendant de posititve_Xray conditionnellement à tuberculosis? et lung cancer?

D'un point de vue général, on vérifie que X et Y sont indépendants conditionnellement à Z_1,\cdots,Z_d par l'égalité :

$$P(X,Y|Z_1,\cdots,Z_d) = P(X|Z_1,\cdot,Z_d) \cdot P(Y|Z_1,\cdots,Z_d)$$

Ces trois probabilités sont calculables à partir de la loi jointe de $P(X, Y, Z_1, \dots, Z_d)$.

Remarque Vérifier l'égalité P==Q de 2 Potential peut être problématique si les 2 sont des résultats de calcul : il peut exister une petite variation. Un meilleur test est de vérifier (P-Q).abs().max()<epsilon avec epsilon assez petit.

In [81]:

```
def conditional indep(P,X,Y,Zs):
    #votre code
    PZT=1
    try:
        if(a!=[]):
            PZT=P.margSumIn(Zs)
        PXcondZT=P.margSumIn(X)/PZT
        PYcondZT=P.margSumIn(Y)/PZT
        PXYcondZT=P.margSumIn([X,Y])/PZT
        epsilon=1e-6
    except:
        print('check your arguments!! the name of your variables may not be the
 same as the variables of our probability')
        return -1
    return (PXYcondZT-PXcondZT*PYcondZT).abs().max()<epsilon</pre>
    pass
```

In [82]:

Out[82]:

False

```
In [83]:
```

check your arguments!! the name of your variables may not be the sam e as the variables of our probability

```
Out[83]:
```

- 1

In [84]:

Out[84]:

True

Observation personnelle:

on ne peut pas faire d'appel à la fonction marqSumIn avec une liste vide ---> erreur

IV.2- Factorisation compacte de loi jointe

On sait que si un ensemble de variables aléatoires $\mathcal{S}=\{X_{i_0},\ldots,X_{i_{n-1}}\}$ peut être partitionné en deux sous-ensembles \mathcal{K} et \mathcal{L} (c'est-à-dire tels que $\mathcal{K}\cap\mathcal{L}=\emptyset$ et $\mathcal{K}\cup\mathcal{L}=\{X_{i_0},\ldots,X_{i_{n-1}}\}$) tels qu'une variable X_{i_n} est indépendante de \mathcal{L} conditionnellement à \mathcal{K} , alors:

$$P(X_{i_n}|X_{i_0},\ldots,X_{i_{n-1}}) = P(X_{i_n}|\mathcal{K},\mathcal{L}) = P(X_{i_n}|\mathcal{K})$$

C'est ce que nous avons vu au cours n°2 (cf. définition des probabilités conditionnelles). Cette formule est intéressante car elle permet de réduire la taille mémoire consommée pour stocker $P(X_{i_n}|X_{i_0},\ldots,X_{i_{n-1}})$: il suffit en effet de stocker uniquement $P(X_{i_n}|\mathcal{K})$ pour obtenir la même information.

Écrire une fonction compact_conditional_proba: Potential,str-> Potential qui, étant donné une probabilité jointe $P(X_{i_0},\ldots,X_{i_n})$, une variable aléatoire X_{i_n} , retourne cette probabilité conditionnelle $P(X_{i_n}|\mathcal{K})$. Pour cela, nous vous proposons l'algorithme itératif suivant:

```
K=S
Pour tout X in K:
   Si X indépendante de Xin conditionnellement à K\{X) alors
     Supprimer X de K
retourner P(Xin|K)$
```

Trois petites aides:

- 1- La fonction precédente conditional indep devrait vous servir...
- 2- Obtenir la liste des noms des variables dans un Potential se fait par l'attribut

```
P.var names
```

3- Afin que l'affichage soit plus facile à comprendre, il peut être judicieux de placer la variable X_{i_n} en premier dans la liste des variables du Potential, ce que l'on peut faire avec le code suivant :

```
proba = proba.putFirst(Xin)
```

In [96]:

```
def compact conditional proba(P,X):
    #votre code
    var names=P.var names
    var_names.remove(X)
    itering=var names.copy()
    for x in itering:
        #copy the list
        temp=var names.copy()
        temp.remove(x)
        if (conditional_indep(P, x, X, temp)):
            var_names.remove(x)
    proba=P.putFirst(X)
    PXK=proba.margSumIn([X]+var names)
    PK=proba.margSumIn(var names)
    return PXK/PK
    pass
```

```
In [97]:
```

compact_conditional_proba(Pjointe,"visit_to_Asia?")

Out[97]:

isit_to_Asia?	dyspnoea?	positive_Xray?	bronchitis?	tuberculosis_or_lung_cancer?	lun	
0				0		
			0	1		
		0	_	0		
			1	1		
		0		0	0	
		1		1		
				0		
			1	1		
	1	0	0	0		

18/10/2020

8/1	0/2020	•	•		soumission1	
					1	
					0	
				1		
					1	
					1	
				0	0	
					J	
			1			
					1	
				1		
					0	
					1	
	1	0	0			
					0	
				0		
					1	
				1	0	
			l			

i	i	ı	•	
			1	
			-	
			0	
		0		
			1	
	1			
	1			
		1	0	
			1	
	_			
1	0		0	
			v	
		0		
			1	
		1		
			0	
			1	
				!

```
In [98]:
```

compact_conditional_proba(Pjointe,"dyspnoea?")

Out[98]:

dyspnoea?	positive_Xray?	bronchitis?	tuberculosis_or_lung_cancer?	lung_cancer?	smoki
0				0	0
				U	1
			0	_	0
				1	1
		0		_	0
			_	0	1
			1		0
				1	1
	0			0	0
			_		1
			0		0
				1	1
		1			0
				0	1
			1		0
				1	1
	1	0	0	0	0
					1

/10/2020 I	Ī	Ì	Ī	soumission1		ı	
					1	0	
						1	
					0	0	
				1	,	1	
				-	1	0	
					1	1	
					0	0	
				0		1	
					1	0	
						1	
			1		0	0	
				1	U	1	
				1	1	0	
					1	1	
1		0	0		0	0	
					0	1	
				0	_	0	
					1	1	
					1	0	0
-							

,, ±	.0/2020	•	-	30011113310111		
						1
					4	0
					1	1
					•	0
					0	1
				0	_	0
					1	1
			1			0
				_	0	1
				1	_	0
					1	1
		1	0		_	0
					0	1
				0		0
					1	1
				1	_	0
					0	1
					1	0
						1
	•	•	•			

/10/2020	_		soumission1		_					
	_									
				0	0					
			0	,	1					
			· ·	1 -	0					
		1	1	1	1	1	1		_	1
							0	0		
				1	0	1				
				-	1	0				
				1	1					
			-		_					

IV.3- Création d'un réseau bayésien

Un réseau bayésien est simplement la décomposition d'une distribution de probabilité jointe en un produit de probabilités conditionnelles: vous avez vu en cours que P(A,B)=P(A|B)P(B), et ce quel que soient les ensembles de variables aléatoires disjoints A et B. En posant $A=X_n$ et $B=\{X_0,\ldots,X_{n-1}\}$, on obtient donc:

$$P(X_0,\ldots,X_n) = P(X_n|X_0,\ldots,X_{n-1})P(X_0,\ldots,X_{n-1})$$

On peut réitérer cette opération pour le terme de droite en posant $A=X_{n-1}$ et $B=\{X_0,\dots,X_{n-2}\}$, et ainsi de suite. Donc, par récurrence, on a:

$$P(X_0,\ldots,X_n)=P(X_0) imes \prod_{i=1}^n P(X_i|X_0,\ldots,X_{i-1})$$

Si on applique à chaque terme $P(X_i|X_0,\ldots,X_{i-1})$ la fonction compact_conditional_proba , on obtient une décomposition:

$$P(X_0,\dots,X_n)=P(X_0) imes\prod_{i=1}^nP(X_i|\mathcal{K}_i)$$

avec $K_i \subseteq \{X_0, \dots, X_{i-1}\}$. Cette décomposition est dite "compacte" car son stockage nécessite en pratique beaucoup moins de mémoire que celui de la distribution jointe. C'est ce que l'on appelle un réseau bayésien.

Écrire une fonction create_bayesian_network : Potential -> Potential list qui, étant donné une probabilité jointe, vous renvoie la liste des $P(X_i|\mathcal{K}_i)$. Pour cela, il vous suffit d'appliquer l'algorithme suivant:

```
liste = []
P = P(X_0,...,X_n)
Pour i de n à 0 faire:
   calculer Q = compact_conditional_proba(P,X_i)
   afficher la liste des variables de Q
   rajouter Q à liste
   supprimer X_i de P par marginalisation
```

Il est intéressant ici de noter les affichages des variables de Q: comme toutes les variables sont binaires, Q nécessite uniquement (2 puissance le nombre de ces variables) nombres réels. Ainsi une probabilité sur 3 variables ne nécessite que $\{2^3=8\}$ nombres réels.

```
In [32]:
```

retourner liste

```
def create_bayesian_network(P):
    #votre code
    pass
```

In [33]:

```
create_bayesian_network(Pjointe)
```

IV.4- Gain en compression

On souhaite observer le gain en termes de consommation mémoire obtenu par votre décomposition. Si P est un Potential, alors P.toarray().size est égal à la taille (le nombre de paramètres) de la table P. Calculez donc le nombre de paramètres nécessaires pour stocker la probabilité jointe lue dans le fichier asia.txt ainsi que la somme des nombres de paramètres des tables que vous avez créées grâce à votre fonction create bayesian network.

In [34]:

votre code

V- Applications pratiques (optionnelle)

La technique de décomposition que vous avez vue est effectivement utilisée en pratique. Vous pouvez voir le gain que l'on peut obtenir sur différentes distributions de probabilité du site :

http://www.bnlearn.com/bnrepository/ (http://www.bnlearn.com/bnrepository/)

Cliquez sur le nom du dataset que vous voulez visualiser et téléchargez son .bif ou .dsl. Afin de visualiser le contenu du fichier, vous allez utiliser pyAgrum. Le code suivant vous permettra alors de visualiser votre dataset: la valeur indiquée après "domainSize" est la taille de la probabilité jointe d'origine (en nombre de paramètres) et celle après "dim" est la taille de la probabilité sous forme compacte (somme des tailles des probabilités conditionnelles compactes).

In [35]:

```
# chargement de pyAgrum
import pyAgrum as gum
import pyAgrum.lib.notebook as gnb

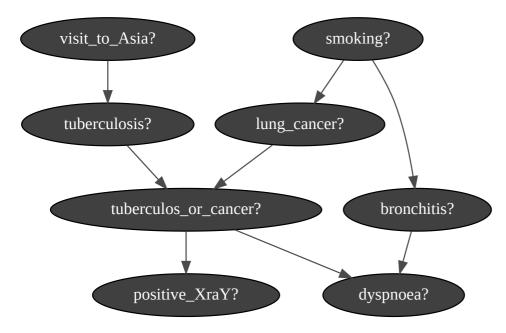
# chargement du fichier bif ou dsl
bn = gum.loadBN ( "asia.bif" )

# affichage de la taille des probabilités jointes compacte et non compacte
print(bn)

# affichage graphique du réseau bayésien
bn
```

BN{nodes: 8, arcs: 8, domainSize: 256, dim: 36}

Out[35]:



In []: