Actividad 11: Apocalipsis Zombie

Valenzuela Carrillo María Inés 30 de Abril del 2016

1. Introducción

El tema central de esta actividad son los zombies. Un zombie es la representación de un cadáver que de una u otra manera puede resucitar o volver a la vida [1].

Para esta actividad se pide revisar el articulo When Zombies Attack!: Mathematical Modelling of an Outbreak of Zombie Infection, donde se muestran modelos para distintas condiciones en un apocalipsis zombie. Estas son:

- Modelo básico de Zombies.
- Modelo con Infeccion Latente.
- Modelo con Cuarentena.
- Modelo con Tratamiento.
- Modelo con Erradicación Impulsiva.

En los cinco modelos se presentan diversos tipos de poblaciones:

S susceptibles Esta población representa a los humanos, puede aumentar con nacimientos o con la curación de los zombies y puede disminuir con las muertes naturales o con los infectados.

Z zombies Población zombie, aumenta cuando los infectados o los removidos se convierten en zombies y disminuye cuando mueren, estan en cuarentena o son curados.

R removidos Representa a la población eliminada, aumenta con las muertes y disminuye si son convertidos en zombies.

I infectados Población infectada, aumenta cuando los susceptibles se infectan y disminuye cuando se convirten en zombies, se van a cuarentena o mueren.

Q cuarentena Representa a la población en cuarentena, aumenta con los infectados y los zombies que son puestos en cuarentena, disminuye cuanto estos mueren.

Se presentan distintos parámetros en los cinco modelos:

- II Nacimiento de S.
- δ Muertes naturales de **S**.
- β Infección de S.
- ζ Resurrección de **R** a **Z**.
- \bullet α Destrucción de \mathbf{Z} .
- \bullet ρ Conversión de **I** a **Z**.
- κ Ingreso de I a Q.
- \bullet σ Ingreso de \mathbf{Z} a \mathbf{Q} .
- γ Muertes en **Q**.
- c Curación de **Z** a **S**.

2. Modelo Básico de Zombies

Para el modelo básico, se consideran tres clases de poblaciones:

- Susceptibles
- Zombies

Removidos

Que interactuan como muestra la figura 1:

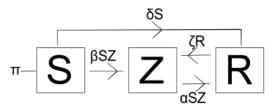


Figura 1: Modelo Básico

El modelo está dado por:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$Z' = \beta SZ + \zeta R - \alpha SZ$$

$$R' = \delta S + \alpha SZ - \zeta R$$

```
# MODELO BASICO
   import numpy as np
   import matplotlib.pyplot as plt
   from scipy.integrate import odeint
   plt.ion()
   plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8
   #PARAMETROS
   P = 0.000
                   # Nacimientos de S
                   # Muertes de S
   d = 0.0001
10
   B = 0.0095
                   # Infeccion de S
11
                   # Resurreccion de R a Z
   G = 0.0001
12
                    # Destruccion de Z
   A = 0.0005
13
14
   # SOLUCION DEL SISTEMA
```

```
def f(y, t):
16
        Si = y[0]
17
        Zi = y[1]
18
        Ri = y[2]
19
        # Ecuaciones del modelo
21
        f0 = P - B*Si*Zi - d*Si
22
        f1 = B*Si*Zi + G*Ri - A*Si*Zi
23
        f2 = d*Si + A*Si*Zi - G*Ri
24
        return [f0, f1, f2]
25
26
   # CONDICIONES INICIALES
^{27}
   S0 = 500.
                                   # Poblacion S inicial
   ZO = 0
                                   # Poblacion Z inicial
   R0 = 10
                                   # Poblacion R inicial
30
   y0 = [S0, Z0, R0]
                                   # vector de condiciones
31
      iniciales
32
     = np.linspace(0, 6., 1000)
33
34
   # SOLUCION DEL DEs
35
   soln = odeint(f, y0, t)
36
   S = soln[:, 0]
37
   Z = soln[:, 1]
38
   R = soln[:, 2]
39
40
   # PARA GRAFICAR
41
   plt.figure()
42
   plt.plot(t, S, label='Vivos')
43
   plt.plot(t, Z, label='Zombies')
44
   plt.xlabel('Tiempo en dias')
45
   plt.ylabel('Poblacion')
46
   plt.title('Modelo basico')
47
   plt.legend(loc=0)
```

Se muestran dos gráficas para este código, la primera sin aumento de zombies, es decir con $\beta=0$ y la otra con un $\beta=0.0095$.

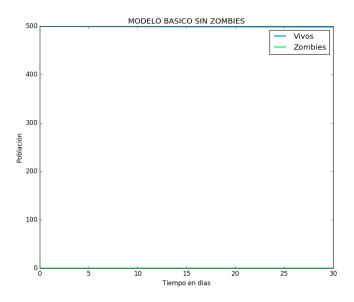


Figura 2: Sin Zombies.

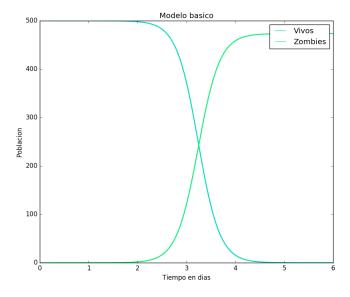


Figura 3: Modelo Básico.

3. Modelo con Infeccion Latente

Este modelo incluye a los infectados (I). Existe un periodo entre convertirse de susceptible a zombie, y en ese periodo se encuentran los infectados, estos pueden morir de manera natural antes convertirse en zombies.

Esta nueva población interactua con las otras poblaciones como se muestra en la figura 4:

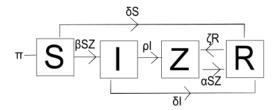


Figura 4: Modelo con infección

El modelo está dado por:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ$$

$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R$$

```
# MOODELO CON INFECCION LATENTE
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8
```

```
#PARAMETROS
8
                # Nacimientos de S
10
   d = 0.0001 # Muertes de s
11
   B = 0.0095 #Infecciones de S
   G = 0.0001
                # Resurreccion de R a S
13
   A = 0.0001 # Destruccion de Z
14
                #Conversion de I a Z
   rho = 0.5
15
16
   # SOLUCION DEL SISTEMA
17
   def f(y, t):
18
       Si = y[0]
19
       Ii = y[1]
       Zi = y[2]
       Ri = y[3]
22
23
       # Ecuaciones del modelo
24
       f0 = P - B*Si*Zi - d*Si
25
       f1 = B*Si*Zi - rho*Ii - d*Ii
       f2 = rho*Ii + G*Ri - A*Si*Zi
       f3 = d*Si + d*Ii + A*Si*Zi - G*Ri
       return [f0, f1, f2, f3]
29
30
   # CONDICIONES INICIALES
31
   S0 = 500
                                 # Poblacion S inicial
32
   IO = 1
                                 #Poblacion I inicial
33
   ZO = 0
                                 # Poblacion Z inicial
^{34}
   R0 = 20
                                 # Poblacion R inicial
   y0 = [S0, I0, Z0, R0]
                                 # vector de condiciones
36
      iniciales
37
   t = np.linspace(0, 10., 1000)
38
39
   # SOLUCION DEL DEs
40
   soln = odeint(f, y0, t)
41
   S = soln[:, 0]
42
   I = soln[:, 1]
43
   Z = soln[:, 2]
44
   R = soln[:, 3]
45
46
```

```
47
   # PARA GRAFICAR
48
   plt.figure()
49
   plt.plot(t, S, label='Vivos')
50
   plt.plot(t, Z, label='Zombies')
51
   plt.xlabel('Tiempo en dias')
52
   plt.ylabel('Poblacion')
53
   plt.title('Modelo con Infeccion Latente')
54
   plt.legend(loc=0)
55
```

La gráfica resultante es:

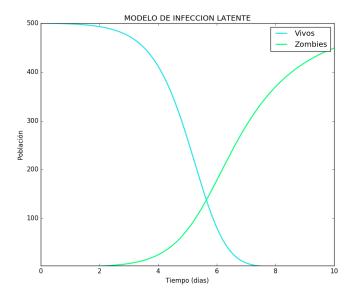


Figura 5: Modelo con Infección Latente.

4. Modelo con Cuarentena

Para este modelo se asume que se ponen infectados y zombies en cuarentena y por lo tanto no pueden infectar a más suscceptibles. Si la población en cuarentena intenta escapar estos son matados inmediatamente, por lo que quedan como removidos los cuales pueden convertirse en zombies nuevamente.

Estas poblaciones interactuan como se muestra en la figura 6:

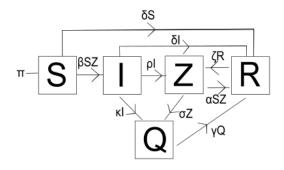


Figura 6: Modelo con cuarentena

El modelo está dado por:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I - \kappa I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ - \sigma Z$$

$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R + \gamma Q$$

$$Q' = \kappa I + \sigma Z - \gamma Q$$

```
# MODELO CON CUARENTENA
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8

#PARAMETROS
#PARAMETROS
```

```
P = 0
                     # Nacimientos de S
10
   d = 0.0001
                     # Muertes de S
11
   B = 0.0095
                     # Infecciones de S
12
   G = 0.0001
                     # Resurreciones de R a Z
13
   A = 0.0001
                     # Destruccion de Z
                     # Conversion de I a Z
   rho=1
15
   k = 0.001
                     # Ingreso de I a Q
16
   sigma=0.009
                     # Ingreso de Z a Q
17
                     # Muertes en Q
   Ga = 0.004
18
19
20
^{21}
   # SOLUCION DEL SISTEMA
22
   def f(y, t):
23
        Si = y[0]
24
        Ii = y[1]
25
        Zi = y[2]
26
        Ri = y[3]
27
        Qi = y[4]
28
29
        # Ecuaciones del modelo
        f0 = P - B*Si*Zi - d*Si
31
        f1 = (B*Si*Zi)-(rho*Ii)-(d*Ii)-(k*Ii)
32
        f2 = (rho*Ii) + (G*Ri)-(A*Si*Zi)-(sigma*Zi)
33
        f3 = (d*Si) + (d*Ii) + (A*Si*Zi)-(G*Ri)+(Ga*Qi)
34
        f4 = (k*Ii) + (sigma*Zi) - (Ga*Qi)
35
36
        return [f0, f1, f2, f3, f4]
38
   # CONDICIONES INICIALES
39
   S0 = 500.
                                   # Poblacion S inicial
40
   ZO = 0.
                                   # Poblacion Z inicial
41
   RO = 0.
                                   # Poblacion R inicial
42
   IO = 100.
                                   # Poblacion I inicial
43
   Q0 = 130.
                                   # Poblacion Q inicial
44
   y0 = [S0, Z0, R0, I0, Q0] # Vector de condiciones
45
      iniciales
46
     = np.linspace(0, 10., 1000)
47
48
```

```
# SOLUCION DEL DEs
49
   soln = odeint(f, y0, t)
50
   S = soln[:, 0]
51
   I = soln[:, 1]
52
   Z = soln[:, 2]
   R = soln[:, 3]
54
   Q = soln[:, 4]
55
56
   # PARA GRAFICAR
57
   plt.figure()
58
   plt.plot(t, S, label='Vivos')
59
   plt.plot(t, Z, label='Zombies')
60
   plt.xlabel('Tiempo (dias)')
61
   plt.ylabel('Poblacion')
62
   plt.title('Modelo con Cuarentena')
63
   plt.legend(loc=0)
64
```

La gráfica resultante es:

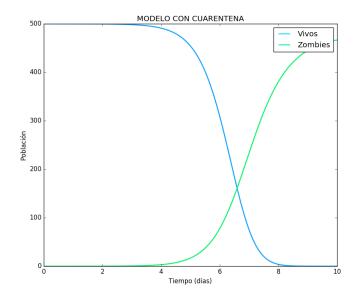
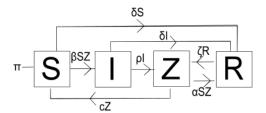


Figura 7: Modelo con Cuarentena.

5. Modelo con Tratamiento

Para este modelo se supone que se encontró un tratamiento para "deszombificar". Este tratamiento convierte a los zombies en humanos nuevamente, pero estos pueden volver a convertirse en zombies.

La nueva forma en la que interactuan las poblaciones es:



El modelo está dado por:

$$S' = \Pi - \beta SZ - \delta S + cZ$$

$$I' = \beta SZ - \rho I - \delta I$$

$$Z' = \rho I + \zeta R - \alpha SZ - cZ$$

$$R' = \delta S + \delta I + \alpha SZ - \zeta R$$

```
# MODELO CON TRATAMIENTO
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from scipy.integrate import odeint
plt.ion()
plt.rcParams['figure.figsize'] = 10, 8

# PARAMETROS
P = 0 # Nacimientos en S
```

```
d = 0.0001 # Muertes en S
10
   B = 0.0095 # Infecciones en S
11
   G = 0.0001
                # Resurrecciones de R a Z
12
   A = 0.0001 # Destruccion en Z
13
   rho = 0.5
                # Conversion de I a Z
                # Curaciones de Z a S
   c = 0.3
15
16
   # SOLUCION DEL SISTEMA
17
   def f(y, t):
18
       Si = y[0]
19
       Ii = y[1]
20
       Zi = y[2]
^{21}
       Ri = y[3]
23
       # Ecuaciones del modelo
24
       f0 = P - B*Si*Zi - d*Si + c*Zi
25
       f1 = B*Si*Zi - rho*Ii - d*Ii
26
       f2 = rho*Ii + G*Ri - A*Si*Zi - c*Zi
27
       f3 = d*Si + d*Ii + A*Si*Zi - G*Ri
       return [f0, f1, f2, f3]
29
   # CONDICIONES INICIALES
31
   S0 = 500
                                 # Poblacion S inicial
32
   I0 = 5
                                 # Poblacion I inicial
33
   ZO = 0
                                  # Poblacion Z inicial
34
   RO = 0
                                  # Poblacion R inicial
35
36
   y0 = [S0, I0, Z0, R0]
                             # Vector de condiciones
      iniciales
38
   t = np.linspace(0, 10, 1000)
39
40
   # SOLUCION DEL DES
41
   soln = odeint(f, y0, t)
42
   S = soln[:, 0]
43
   I = soln[:, 1]
44
   Z = soln[:, 2]
45
   R = soln[:, 3]
46
47
```

```
# PARA GRAFICAR
plt.figure()
plt.plot(t, S, label='Vivos')
plt.plot(t, Z, label='Zombies')
plt.xlabel('Tiempo (dias)')
plt.ylabel('Poblacion')
plt.title('Modelo con Tratamiento')
plt.legend(loc=0)
```

La gráfica resultante es:

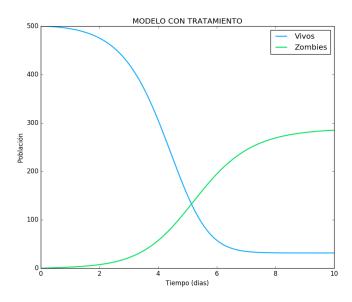


Figura 8: Modelo con Tratamiento.

Referencias

- [1] WIKIPEDIA, THE FREE ENCYCLOPEDIA, Zombi, https://es.wikipedia.org/wiki/Zombi.
- [2] Actividad 11 (2016-1), http://computacional1.pbworks.com/w/page/107502219/Actividad11(2016-1).
- [3] MUNZ P., HUDEA, I., IMAD, J., SMITH, R.J, When Zombies Attack!: Mathematical Modelling of an Outbreak of Zombie Infection, http://mysite.science.uottawa.ca/rsmith43/Zombies.pdf.