

# 알고리즘분석 실습 자료

## 6주차

Photo by [Piotr Guzik](#) on [Unsplash](#)



# 동적계획법

## 실습프로그램

- ✓ 최적이진검색트리 구축 알고리즘
- ✓ DNA 서열 맞춤 알고리즘



# 최적 이진검색 트리

- left(right) subtree: 이진트리에서 어떤 마디의 왼쪽(오른쪽)자식마디가 뿌리마디가 되는 부분트리
- 이진검색트리(binary search tree): 순서가능집합(ordered set)에 속한 아이템(키)으로 구성된 이진 트리
  - ✓ 각 마디는 하나의 키만 가지고 있다
  - ✓ 주어진 마디의 왼쪽(오른쪽) 부분트리에 있는 키는 그 마디의 키보다 작거나(크거나) 같다.

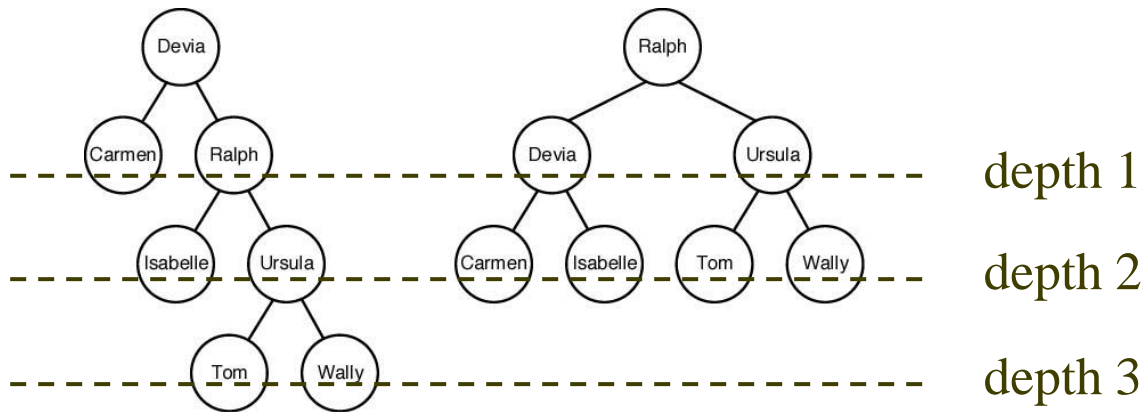
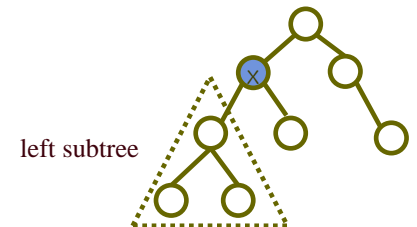


그림 3.10 두 이진검색 트리의 예



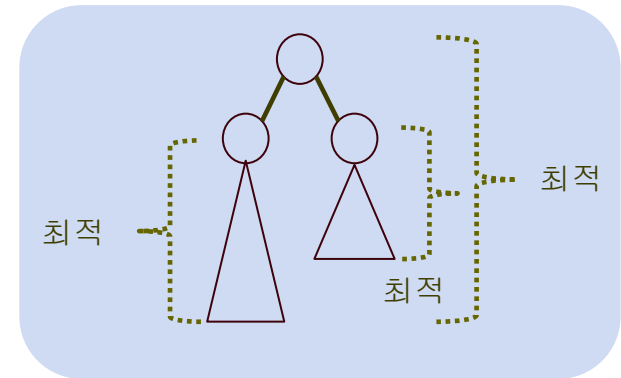
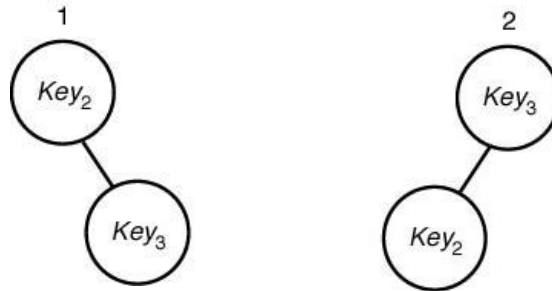
# 동적 계획법

- $\text{Key}_i$  부터  $\text{Key}_j$  까지 키를 포함하는 최적이진검색트리는  $\sum_{m=i}^j c_m p_m$  를 최소화해야 함.
- 검색시간 최적값을  $A[i][j]$ 로 표시.  $A[i][i]=p_i$
- (예 3.8)

$p_1=0.7, p_2=0.2, p_3=0.1$ 일 때  $A[2][3]$ ?

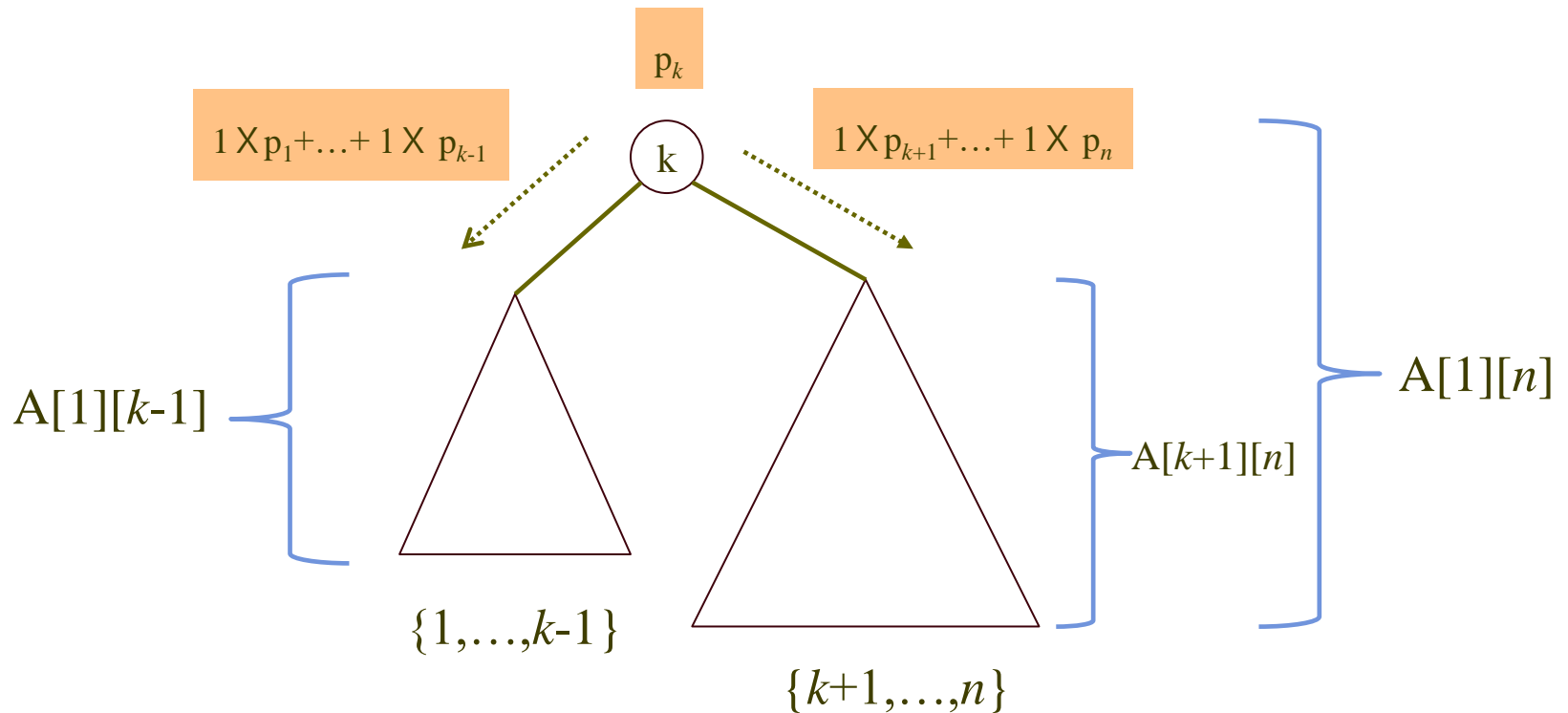
$$1. 1(p_2)+2(p_3) = 1(0.2) + 2(0.1) = 0.4$$

$$2. 2(p_2)+1(p_3) = 2(0.2) + 1(0.1) = 0.5$$



- 최적트리의 부분트리는 그 부분트리안에 있는 키들에 대해서 반드시 최적이어야 한다. → 최적의 원칙 적용





$$\begin{aligned}
 A[1][n] &= A[1][k-1] \quad /* \text{왼쪽 부분트리에서 평균시간} \\
 &\quad + p_1 + \dots + p_{k-1} \quad /* \text{뿌리에서 비교하는데 드는 추가시간} \\
 &\quad + p_k \quad /* \text{뿌리를 검색하는 평균시간} \\
 &\quad + A[k+1][n] \quad /* \text{오른쪽 부분트리에서 평균시간} \\
 &\quad + p_{k+1} + \dots + p_n \quad /* \text{뿌리에서 비교하는데 드는 추가시간} \\
 &= A[1][k-1] + A[k+1][n] + \sum_{m=1}^n p_m
 \end{aligned}$$



## ● 문제: 최적이진검색트리 구하기

```
void optsearchtree(int n, const float p[], float& minavg
                  index R[][] ){
    index i, j, k, diagonal;
    float A[1..n+1][0..n];

    for( i=1; i<=n; i++){
        A[i][i-1]=0; A[i][i]=p[i]; R[i][i]=i; R[i][i-1]=0;
    }
    A[n+1][n]=0;
    R[n+1][n]=0;
    for(diagonal=1; diagonal<=n-1; diagonal++){
        for(i=1; i<=n-diagonal; i++){
            j = i+diagonal;
            A[i][j] = mini≤k≤j (A[i][k-1]+A[k+1][j]) +  $\sum_{m=i}^j p_m$  ;
            R[i][j] = 최소값을 주는 k의 값
        }
    }
    minavg = A[1][n];
}
```





예 3.9

$$p_1=3/8, p_2=3/8, p_3=1/8, p_4=1/8$$

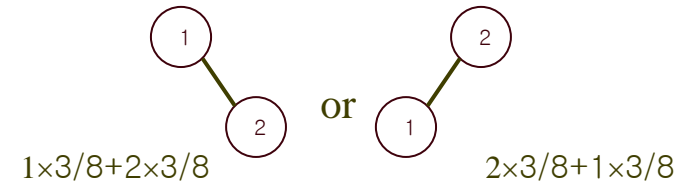
	0	1	2	3	4
1	0	$\frac{3}{8}$	$\frac{9}{8}$	$\frac{11}{8}$	$\frac{7}{4}$
2		0	$\frac{3}{8}$	$\frac{5}{8}$	1
3			0	$\frac{1}{8}$	$\frac{3}{8}$
4				0	$\frac{1}{8}$
5					0

diagonal=3  
diagonal=2  
diagonal=1

진행순서

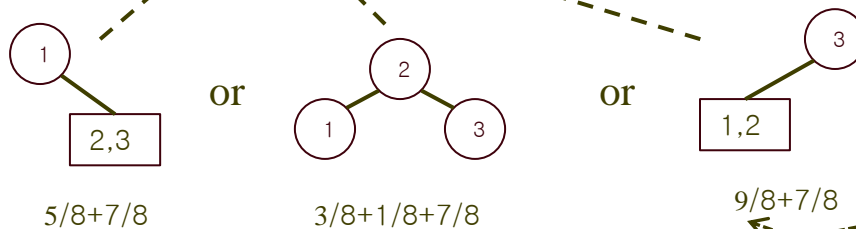
$$A[1][2] = \min(A[1][0]+A[2][2], A[1][1]+A[3][2]) + 6/8$$

$$= \min(3/8, 3/8) + 6/8 = 9/8$$



$$A[1][3] = \min(A[1][0]+A[2][3], A[1][1]+A[3][3], A[1][2]+A[4][3]) + 7/8$$

$$= \min(5/8, 4/8, 9/8) + 7/8 = 11/8$$



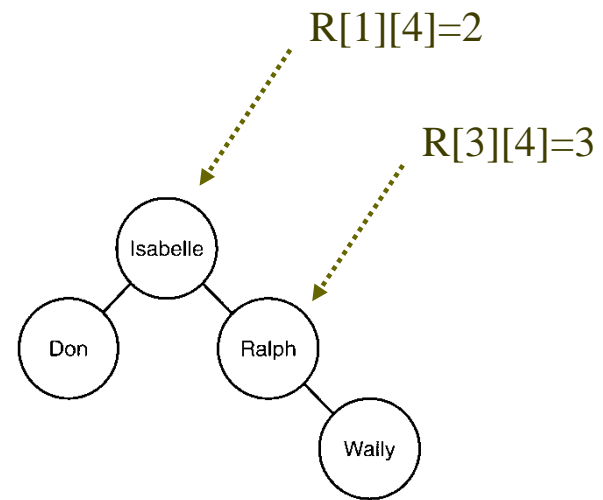
	0	1	2	3	4
1	0	$\frac{3}{8}$	$\frac{9}{8}$	$\frac{11}{8}$	$\frac{7}{4}$
2		0	$\frac{3}{8}$	$\frac{5}{8}$	1
3			0	$\frac{1}{8}$	$\frac{3}{8}$
4				0	$\frac{1}{8}$
5					0

8



	0	1	2	3	4
1	0	1	1	2	2
2		0	2	2	2
3			0	3	3
4				0	4
5					0

*R*





- 문제: 최적이진검색트리 구축

```
node_pointer tree (index i, index j) {  
    index k;  
    node_pointer p;  
  
    k = R[i][j];  
    if (k == 0)  
        return NULL;  
    else {  
        p = new nodetype;  
        p->key = Key[k];  
        p->left = tree(i, k-1);  
        p->right = tree(k+1, j);  
        return p;  
    }  
}
```

- $\text{root} = \text{tree}(1, n)$



## [실습프로그램] 최적이진검색트리 구축 알고리즘 구현

```
import utility

class Node:
    def __init__(self, data):
        self.l_child=None
        self.r_child=None
        self.data = data

def tree(key,r,i,j):
    k=r[i][j]
    if(k==0):
        return
    else:
        p=Node(key[k])
        p.l_child=tree(key,r,i,k-1)
        p.r_child=tree(key,r,k+1,j)
        return p
```



```
key=[" ", "A", "B", "C", "D"]
p=[0, 0.375, 0.375, 0.125, 0.125]
n=len(p)-1
```

$$p_1=3/8, p_2=3/8, p_3=1/8, p_4=1/8$$

```
a=[[0 for j in range(0,n+2)] for i in range(0,n+2)]
r=[[0 for j in range(0,n+2)] for i in range(0,n+2)]
```

```
for i in range (1,n+1):
    a[i][i-1]=0
    a[i][i]=p[i]
    r[i][i]=i
    r[i][i-1]=0
a[n+1][n]=0
r[n+1][n]=0
```

구현

```
utility.printMatrixF(a)
print()
utility.printMatrix(r)

root=tree(key,r,1,n)
utility.print_inOrder(root)
print()
utility.print_preOrder(root)
```



## [실습프로그램] 최적이진검색트리 구축 알고리즘 output

>>>

0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
0.00	0.38	1.12	1.38	1.75	0.00
0.00	0.00	0.38	0.62	1.00	0.00
0.00	0.00	0.00	0.12	0.38	0.00
0.00	0.00	0.00	0.00	0.12	0.00
0.00	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00

0	0	0	0	0	0
0	1	1	2	2	0
0	0	2	2	2	0
0	0	0	3	3	0
0	0	0	0	4	0
0	0	0	0	0	0

A

B

C

D

inorder

B

A

C

D

preorder

>>>



## utility 내 함수들

```
# when use them, from utility. utility.printMatrix(m)
#print integer matrix
def printMatrix(d):
    m = len(d)
    n=len(d[0])

    for i in range(0,m):
        for j in range(0,n):
            print(f'{d[i][j]:4d}',end=" ")
        print()

#print float matrix
def printMatrixF(d):
    n=len(d[0])
    for i in range(0,n):
        for j in range(0,n):
            print(f'{d[i][j]:5.2f}',end=" ")
        print()
```



```
def print_inOrder(root):  
    if not root:  
        return  
    print_inOrder(root.l_child)  
    print(root.data)  
    print_inOrder(root.r_child)  
  
def print_preOrder(root):  
    if not root:  
        return  
    print(root.data)  
    print_preOrder(root.l_child)  
    print_preOrder(root.r_child)  
  
def print_postOrder(root):  
    if not root:  
        return  
  
    print_postOrder(root.l_child)  
    print_postOrder(root.r_child)  
    print(root.data)
```



# DNA 서열 맞춤(sequence alignment)

- 분자유전학(molecular genetics)의 한 분야인 동족(homologous) DNA 서열 맞춤문제를 동적계획법으로 해결하는 방법 소개
- 먼저 divide-and-conquer 방법을 설명하고, 동적계획법 방법을 설명한다.





- DNA 서열 맞춤 문제:

두 개의 서열을 최소비용으로 맞추는 방법을 찾는다.

서열을 배열로 표시

x[ ]	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
	A	A	C	A	G	T	T	A	C	C

y[ ]	0	1	2	3	4	5	6	7
	T	A	A	G	G	T	C	A

- $\text{opt}(i,j)$ : 부분 서열  $x[i,\dots,9]$ 와  $y[j,\dots,7]$ 의 최적 맞춤 비용
- $\text{opt}(0,0)$ : 부분 서열  $x[0,\dots,9]$ 와  $y[0,\dots,7]$ 의 최적 맞춤 비용, 즉, 우리가 구하려는 최종 비용



틈: 2 불일치: 1

$opt(i,j)$ : 부분 서열  $x[i,...,9]$ 와  $y[j,...,7]$ 의 최적 맞춤 비용

$$opt(0,0)=\min(\underbrace{opt(1,1)+penalty}_{\textcircled{1}}, \underbrace{opt(1,0)+2}_{\textcircled{2}}, \underbrace{opt(0,1)+2}_{\textcircled{3}})$$

- $penalty=0$  if  $x[0]=y[0]$
- $penalty=1$  if  $x[0]\neq y[0]$

①

x[ ]	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
	A	A	C	A	G	T	T	A	C	C

↕

y[ ]	0	1	2	3	4	5	6	7
	T	A	A	G	G	T	C	A

$penalty=1$

②

x[ ]	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
	A	A	C	A	G	T	T	A	C	C

↕

y[ ]		0	1	2	3	4	5	6	7
	-	T	A	A	G	G	T	C	A

틈 1개에 의해 비용 2 발생

③

x[ ]		0	1	2	3	4	5	6	7	8	9
	-	A	A	C	A	G	T	T	A	C	C

↕

y[ ]	0	1	2	3	4	5	6	7
	T	A	A	G	G	T	C	A

틈 1개에 의해  
비용 2 발생



- 일반식은

$$opt(i,j)=\min(opt(i+1,j+1)+penalty, opt(i+1,j)+2, opt(i,j+1)+2)$$

# 동적계획법을 이용한 최적맞춤 방법 찾기

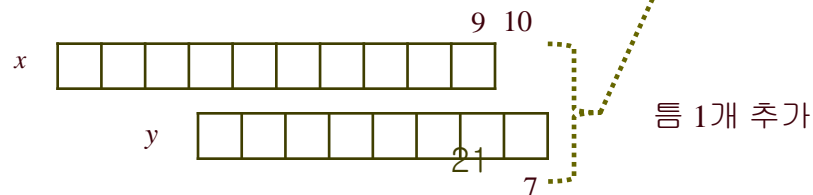
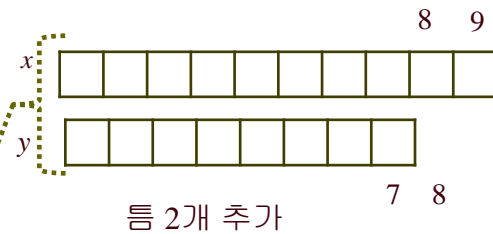
- $m+1, n+1$  크기의 2차원 배열.  $m=10, n=8$
- 마지막 행, 마지막 열에 ‘-’ 틸 문자 추가

	0	1	2	3	4	5	6	7	8
	T	A	A	G	G	T	C	A	-
0 A									
1 A									
2 C									
3 A									
4 G									
5 T									
6 T									
7 A									
8 C									
9 C									
10 -									

# 1. 틈 행과 틈 열을 채워 넣는다

$$opt(10,j)=2(8-j), \quad opt(i,8) = 2(10-i), \text{ 틈의 비용}=2$$

j	0	1	2	3	4	5	6	7	8
i	T	A	A	G	G	T	C	A	-
0 A									20
1 A									18
2 C									16
3 A									14
4 G									12
5 T									10
6 T									8
7 A									6
8 C									4
9 C									2
10 -	16	14	12	10	8	6	4	2	0



## 2. 우측 아래 부터 대각원소들을 채워 넣는다

j	0	1	2	3	4	5	6	7	8
i	T	A	A	G	G	T	C	A	-
0 A									20
1 A									18
2 C									16
3 A									14
4 G									12
5 T									10
6 T									8
7 A									6
8 C									4
9 C									2
10 -	16	14	12	10	8	6	4	2	0

x[9]와 y[7]의 일치여부에 의한 penalty

$$\begin{aligned}
 \textcircled{1} \quad \text{opt}(9,7) &= \min(\text{opt}(9+1,7+1)+\text{penalty}, \text{opt}(9+1,7)+2, \text{opt}(9,7+1)+2) \\
 &= \min(0+1, 2+2, 2+2) \\
 &= 1
 \end{aligned}$$

C과 A로 다르므로

- 최적서열맞춤을 찾아가는 방법

✓  $\text{opt}(0,0)$ 에서 출발하여, 3가지 가능성을 조사

		j	0	1
i			T	A
	0	A	7	8
	1	A	6	6

(1) [0][0] 선택

(2) 경로에 넣을 둘째 항목을 찾는다

1) [0][1]을 검사

$$\text{opt}(0,1)+2=8+2=10 \neq 7$$

2) [1][0]을 검사

$$\text{opt}(1,0)+2=6+2=8 \neq 7$$

3) [1][1]을 검사

$$\text{opt}(1,1)+1=6+1=7. \text{ 찾음}$$

([0][0]이 A, T로 서로 다르므로 penalty=1)

j	0	1	2	3	4	5	6	7	8
i	T	A	A	G	G	T	C	A	-
0	A	7	8	10	12	13	15	16	18
1	A	6	6	8	10	11	13	14	16
2	C	6	5	6	8	9	11	12	14
3	A	7	5	4	6	7	9	11	12
4	G	9	7	5	4	5	7	9	10
5	T	8	8	6	4	4	5	7	8
6	T	9	8	7	5	3	3	5	6
7	A	11	9	7	6	4	2	3	4
8	C	13	11	9	7	5	3	1	3
9	C	14	12	10	8	6	4	2	1
10	-	16	14	12	10	8	6	4	2

✓ 최적서열맞춤 하는 해당 cell을 음영으로 표시했다.

- 배열값을 채워 넣을 때 어디로 부터 min을 구했는지의 정보를 저장할 수 있다.

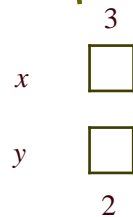
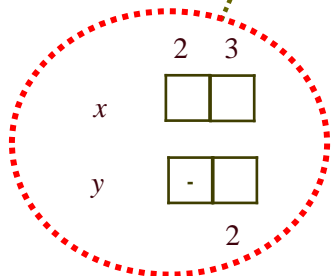


j i	0	1	2	3	4	5	6	7	8
T	A	A	G	G	T	C	A	-	
0 A	7	8	10	12	13	15	16	18	20
1 A	6	6	8	10	11	13	14	16	18
2 C	6	5	6	8	9	11	12	14	16
3 A	7	5	4	6	7	9	11	12	14
4 G	9	7	5	4	5	7	9	10	12
5 T	8	8	6	4	4	5	7	8	10
6 T	9	8	7	5	3	3	5	6	8
7 A	11	9	7	6	4	2	3	4	6
8 C	13	11	9	7	5	3	1	3	4
9 C	14	12	10	8	6	4	2	1	2
10 -	16	14	12	10	8	6	4	2	0

•  $\min(6+1, 4+2, 8+2)$

•  $\min(4+0, 4+2, 5+2)$

j	0	1	2	3	4	5	6	7	8
i	T	A	A	G	G	T	C	A	-
0 A	7	8	10	12	13	15	16	18	20
1 A	6	6	8	10	11	13	14	16	18
2 C	6	5	6	8	9	11	12	14	16
3 A	7	5	4	6	7	9	11	12	14
4 G	9	7	5	4	5	7	9	10	12
5 T	8	8	6	4	4	5	7	8	10
6 T	9	8	7	5	3	3	5	6	8
7 A	11	9	7	6	4	2	3	4	6
8 C	13	11	9	7	5	3	1	3	4
9 C	14	12	10	8	6	4	2	1	2
10 -	16	14	12	10	8	6	4	2	0



A A C A G T T A C C  
T A - A G G T - C A

x[2]와 y[2]를 맞추는 방법은 y에 -를 넣은 것이 최적

- 경로를 찾은 후 맞춤된 서열을 구성하는 방법

1. 최적배열의 오른쪽 맨 아래 구성에서 시작하여 표시해둔 경로를 따라간다.
2. 배열의  $[i][j]$ 칸에 도달하기 위해서 대각선으로 이동할 때 마다,  $i$ 째 행에 해당하는 문자를  $x$ 서열에 넣고,  $j$ 째 열에 해당하는 문자를  $y$ 서열에 넣는다.
3. 배열의  $[i][j]$ 칸에 도달하기 위해서 위로 이동할 때 마다,  $i$ 째 행에 해당하는 문자를  $x$ 서열에 넣고, 텀 문자를  $y$ 서열에 넣는다.
4. 배열의  $[i][j]$ 칸에 도달하기 위해서 왼쪽으로 이동할 때 마다,  $j$ 째 열에 해당하는 문자를  $y$ 서열에 넣고, 텀 문자를  $x$ 서열에 넣는다.

j i	0	1	2	3	4	5	6	7	8
T	A	A	G	G	T	C	A	-	
0 A	7	8	10	12	13	15	16	18	20
1 A	6	6	8	10	11	13	14	16	18
2 C	6	5	6	8	9	11	12	14	16
3 A	7	5	4	6	7	9	11	12	14
4 G	9	7	5	4	5	7	9	10	12
5 T	8	8	6	4	4	5	7	8	10
6 T	9	8	7	5	3	3	5	6	8
7 A	11	9	7	6	4	2	3	4	6
8 C	13	11	9	7	5	3	1	3	4
9 C	14	12	10	8	6	4	2	1	2
10 -	16	14	12	10	8	6	4	2	0

• 최적해

A A C A G T T A C C  
T A - A G G T - C A

1. 최적배열의 오른쪽 맨 아래 구성에서 시작하여 표시해둔 경로를 따라간다.
2. 배열의  $[i][j]$ 칸에 도달하기 위해서 대각선으로 이동할 때 마다,  $i$ 째 행에 해당하는 문자를  $x$ 서열에 넣고,  $j$ 째 열에 해당하는 문자를  $y$ 서열에 넣는다.
3. 배열의  $[i][j]$ 칸에 도달하기 위해서 위로 이동할 때 마다,  $i$ 째 행에 해당하는 문자를  $x$ 서열에 넣고, 텀 문자를  $y$ 서열에 넣는다.
4. 배열의  $[i][j]$ 칸에 도달하기 위해서 왼쪽으로 이동할 때 마다,  $j$ 째 열에 해당하는 문자를  $y$ 서열에 넣고, 텀 문자를  $x$ 서열에 넣는다.

## [실습프로그램] DNA 서열 맞춤 알고리즘 구현

```
import utility
a=['A','A','C','A','G','T','T','A','C','C']
b=['T','A','A','G','G','T','C','A']

m=len(a)
n=len(b)
table=[[0 for j in range(0,n+1)] for i in range(0,m+1)]
minindex = [[ (0,0) for j in range(0,n+1)] for i in range(0,m+1)]

for j in range(n-1,-1,-1):
    table[m][j] =table[m][j+1]+2

for i in range(m-1,-1,-1):
    table[i][n] =table[i+1][n]+2
```

테이블 생성 구현

```
utility.printMatrix(table)
x=0
y=0

while (x <m and y <n):
    tx, ty = x, y
    print(minindex[x][y])
    (x,y)= minindex[x][y]
    if x == tx + 1 and y == ty+1:
        print(a[tx]," ", b[ty])
    elif x == tx and y == ty+1:
        print(" - ", " ", b[ty])
    else:
        print(a[tx], " " , " -")
```



## DNA 서열 맞춤 알고리즘 output

7	8	10	12	13	15	16	18	20
6	6	8	10	11	13	14	16	18
6	5	6	8	9	11	12	14	16
7	5	4	6	7	9	11	12	14
9	7	5	4	5	7	9	10	12
8	8	6	4	4	5	7	8	10
9	8	7	5	3	3	5	6	8
11	9	7	6	4	2	3	4	6
13	11	9	7	5	3	1	3	4
14	12	10	8	6	4	2	1	2
16	14	12	10	8	6	4	2	0



```
(1, 1)
A   T
(2, 2)
A   A
(3, 2)
C   -
(4, 3)
A   A
(5, 4)
G   G
(6, 5)
T   G
(7, 6)
T   T
(8, 6)
A   -
(9, 7)
C   C
(10, 8)
C   A
>>>
```

