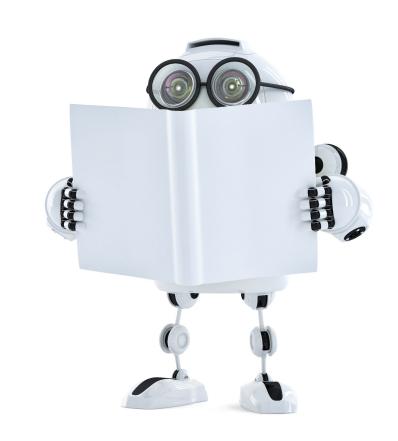
Data cleansing

Data handling

Director of TEAMLAB Sungchul Choi



Data problems

결국 우리는 데이터 부터...

Data quality problems

- 데이터의 최대/최소가 다름 → Scale에 따른 y값에 영향
- Ordinary 또는 Nominal 한 값 들의 표현은 어떻게?
- 잘 못 기입된 값들에 대한 처리
- 값이 없을 경우는 어떻게?
- 극단적으로 큰 값 또는 작은 값들은 그대로 놔둬야 하는가?

어떤 것을 해결할 것인가?

Data preprocessing issues

- 데이터가 빠진 경우 (결측치의 처리)
- 라벨링된 데이터(category) 데이터의 처리
- 데이터의 scale의 차이가 매우 크게 날 경우

Missing Values

데이터가 없을 때 할 수 있는 전략

- 데이터가 없으면 sample을 drop
- 데이터가 없는 최소 개수를 정해서 sample을 drop
- 데이터가 거의 없는 feature는 feature 자체를 drop
- 최빈값, 평균값으로 비어있는 데이터를 채우기

Data

first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore
Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Tina	Ali	36.0	f	NaN	NaN
Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0
Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0
	Jason NaN Tina Jake	Jason Miller NaN NaN Tina Ali Jake Milner	Jason Miller 42.0 NaN NaN NaN Tina Ali 36.0 Jake Milner 24.0	Jason Miller 42.0 m NaN NaN NaN NaN Tina Ali 36.0 f Jake Milner 24.0 m	NaN NaN NaN NaN Tina Ali 36.0 f NaN Jake Milner 24.0 m 2.0

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0

```
df_cleaned = df.dropna(how='all')
df_cleaned 모든 데이터가 비어 있으면 drop
```

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0
2	Tina	Ali	36.0	f	NaN	NaN
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0
4	Amy	Gooze	73.0	f	3.0	70.0

데이터가 최소 4개 이상 없을 때 drop

df['location'] = np.nan NAN을 생성 column df

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore	location
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0	NaN
1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2	Tina	Ali	36.0	f	NaN	NaN	NaN
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0	NaN
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0	NaN

df.dropna(axis=1, thresh=3)

df.dropna(axis=1, how='all') column 기준으로 삭제

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0
1	NaN	NaN	NaN	NaN	3.0	NaN
2	Tina	Ali	36.0	f	3.0	70.0
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0

		first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore
(0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0
1	1	NaN	NaN	NaN	NaN	3.0	NaN
2	2	Tina	Ali	36.0	f	3.0	70.0
;	3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0
4	1	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0

df.dropna(thresh=5) 5개 이상 데이터가 있지 않으면 Drop

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore	location
0	Jason	Miller	42.0	Е	4.0	25.0	NaN
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0	NaN
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0	NaN

데이터 값 채우기

- 평균값, 중위값, 최빈값을 활용 https://goo.gl/i8iuL9 (a) Negatively skewed (b) Normal (no skew) (c) Positively skewed Mean Median Mode Mode Mode Median Median Frequency Mean Mean Perfectly Symmetrical Negative Direction Positive Direction

Distribution

데이터가 채우기

- 평균값 – 해당 column의 값의 평균을 내서 채우기

$$\overline{X} = \frac{\sum_{i=1}^{n} x_i}{n} \qquad \boxed{\frac{\text{df["preTestScore"].mean()|}}{3.0}}$$

- 중위값 – 값을 일렬로 나열했을 때 중간에 위치한 값

```
1, 3, 3, 6, 7, 8, 9 x_{\frac{(n-1)}{2}} df["postTestScore"].median()
```

- 최빈값 – 가장 많이 나오는 값

```
1, 2, 2, 3, 3, 4, 4, 3

df["postTestScore"].mode()|
0 70.0
```

dtype: float64

Data Fill

df.fillna(0) 데이터가 없는 곳은 0으로 집어넣어라

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore	location
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0	0.0
1	0	0	0.0	0	0.0	0.0	0.0
2	Tina	Ali	36.0	f	0.0	0.0	0.0
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0	0.0
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0	0.0

df["preTestScore"].fillna(df["preTestScore"].mean(), inplace=True)
df preTestScore의 평균값을 집어넣어라

	Picioses Colone 1 CE IN E 1 1 CE								
	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore	location		
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0	NaN		
1	NaN	NaN	NaN	NaN	3.0	NaN	NaN		
2	Tina	Ali	36.0	f	3.0	NaN	NaN		
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0	NaN		
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0	NaN		

Data Fill

df["postTestScore"].fillna(df.groupby("sex")["postTestScore"].transform("mean"), inplace=True)

df 성별로 나눠서 평균 값을 집어 넣어라

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore	location
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0	NaN
1	NaN	NaN	NaN	NaN	3.0	NaN	NaN
2	Tina	Ali	36.0	f	3.0	70.0	NaN
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0	NaN
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0	NaN

df[df['age'].notnull() & df['sex'].notnull()] Age와 sex가 모두 notnull인 경우에만 표시해라

	first_name	last_name	age	sex	preTestScore	postTestScore	location
0	Jason	Miller	42.0	m	4.0	25.0	NaN
2	Tina	Ali	36.0	f	3.0	70.0	NaN
3	Jake	Milner	24.0	m	2.0	62.0	NaN
4	Amy	Cooze	73.0	f	3.0	70.0	NaN

Category data

이산형 데이터를 어떻게 처리할까?

{Green, Blue, Yellow}

이산형 데이터를 어떻게 처리할까?

One-Hot Encoding

{blue} → [0, 1, 0]

{Green, Blue, Yellow} 데이터 집합

{Green} → [1, 0, 0]

{Green} → [1, 0, 0] 실제 데이터 set의 크기만큼 Binary Feature를 생성

Data type

```
import pandas as pd
import numpy as np
edges = pd.DataFrame({'source': [0, 1, 2],
                   'target': [2, 2, 3],
                      'weight': [3, 4, 5],
                      'color': ['red', 'blue', 'blue']})
edges["source"]
                 Data의 type = int64
Name: source, dtype: int64
edges["color"]
    red
    blue
                 Data의 type = object
    blue
Name: color, dtype: object
```

One Hot Encoding

pd.get_dummies(edges)

	source	target	weight	color_blue	color_red
0	0	2	3	0	1
1	1	2	4	1	0
2	2	3	5	1	0

pd.get_dummies(edges["color"])

	blue	red
0	0	1
1	1	0
2	1	0

pd.get_dummies(edges[["color"]])

	color_blue	color_rec
0	0	1
1	1	0
2	1	0

One Hot Encoding

	color	source	target	weight	weight_sign
0	red	0	2	3	М
1	blue	1	2	4	L
2	blue	2	3	5	XL

```
edges = pd.get_dummies(edges)
edges.as_matrix()
```

데이터의 구간을 나눠보자

Data Binning!

- Data: 0, 4, 12, 16, 16, 18, 24, 26, 28
- Equal width

```
- Bin 1: 0, 4 [-,10)
```

- Bin 2: 12, 16, 16, 18 [10,20]
- Bin 3: 24, 26, 28 [20,+)

Equal frequency

- Bin 1: 0, 4, 12 [-, 14)
- Bin 2: 16, 16, 18 [14, 21)
- Bin 3: 24, 26, 28 [21,+)

Data binning

	regiment	company	name	pre TestScore	postTestScore
0	Nighthawks	1st	Miller	4	25
1	Nighthawks	1st	Jacobson	24	94
2	Nighthawks	2nd	Ali	31	57
3	Nighthawks	2nd	Milner	2	62
4	Dragoons	1st	Cooze	3	70
5	Dragoons	1st	Jacon	4	25
6	Dragoons	2nd	Ryaner	24	94
7	Dragoons	2nd	Sone	31	57
8	Scouts	1st	Sloan	2	62
9	Scouts	1st	Piger	3	70
10	Scouts	2nd	Riani	2	62
11	Scouts	2nd	Ali	3	70

데이터의 구간을 나눌 수 있음

구간 기준

Data binning

```
bins = [0, 25, 50, 75, 100] # Define bins as 0 to 25, 25 to 50, 60 to 75, 75 to 100
group_names = ['Low', 'Okay', 'Good', 'Great'] 구간명
categories = pd.cut(df['postTestScore'], bins, labels=group_names)
categories

Cut 후 categories에 할당

0 Low
1 Great
2 Good
```

```
1 Great
2 Good
3 Good
4 Good
5 Low
6 Great
7 Good
8 Good
9 Good
10 Good
11 Good
Name: postTestScore, dtype: category
Categories (4, object): [Low < Okay < Good < Great]
```

Data binning

```
df['categories'] = pd.cut(df['postTestScore'], bins, labels=group_names)
pd.value_counts(df['categories'])
```

기존 dataframe에 할당

Good 8 Great 2 Low 2 Okay 0

Name: categories, dtype: int64

df

	regiment	company	name	preTestScore	postTestScore	categories
0	Nighthawks	1st	Miller	4	25	Low
1	Nighthawks	1st	Jacobson	24	94	Great
2	Nighthawks	2nd	Ali	31	57	Good
3	Nighthawks	2nd	Milner	2	62	Good
4	Dragoons	1st	Cooze	3	70	Good
5	Dragoons	1st	Jacon	4	25	Low
6	Dragoons	2nd	Ryaner	24	94	Great
7	Dragoons	2nd	Sone	31	57	Good
8	Scouts	1st	Sloan	2	62	Good
9	Scouts	1st	Piger	3	70	Good
10	Scouts	2nd	Riani	2	62	Good
11	Scouts	2nd	Ali	3	70	Good

Label encoding by sklearn

data = raw example.copy()

- Scikit-learn의 preprocessing 패키지도 label, one-hot 지원

Label encoding by sklearn

array([1, 1, 1, 1, 0, 0, 0, 0, 2, 2, 2, 2])

- Scikit-learn의 preprocessing 패키지도 label, one-hot 지원

```
from sklearn import preprocessing | Encoder 생성 | le = preprocessing.LabelEncoder() | Data에 맞게 encoding fitting | le.transform(raw_example[:,0]) | 실제 데이터 → labelling data
```

```
from sklearn import preprocessing
le = preprocessing.LabelEncoder()
le.fit(raw example[:,0])
le.transform(raw example[:,0])
array([1, 1, 1, 1, 0, 0, 0, 0, 2, 2, 2, 2])
```

- Label encoder의 fit과 transform의 과정이 나눠진 이유는
- 새로운 데이터 입력시, 기존 labelling 규칙을 그대로 적용할
- 필요가 있음 - Fit 은 규칙을 생성하는 과정
- Transform은 규칙을 적용하는 과정
- Fit을 통해 규칙이 생성된 labelencoder는 따로 저장하여
- 새로운 데이터를 입력할 경우 사용할 수 있음 - Encoder들을 실제 시스템에 사용할 경우 pickle화 필요

```
le.fit(raw example[:,column index])
    data[:,column index] = le.transform(raw example[:,column index])
    label enconder list.append(le)
                                  기존 label encoder를 따로 저장
    del le
data[:3]
array([[1, 0, 4, 4, 25, 2],
      [1, 0, 2, 24, 94, 1],
       [1, 1, 0, 31, 57, 0]], dtype=object)
label enconder list[0].transform(raw example[:10,0])
array([1, 1, 1, 1, 0, 0, 0, 0, 2, 2])저장된 le로 새로운 데이터에 적용
```

label_column = [0,1,2,5]
label enconder list = []

for column index in label column:

le = preprocessing.LabelEncoder()

One-hot encoding by sklearn

[0., 1., 0.], [0., 1., 0.], [0., 1., 0.], [1., 0., 0.],

- Numeric labelling이 완료된 데이터에 one-hot 적용
- 데이터는 1-dim 으로 변환하여 넣어 줄 것을 권장

Feature scaling

몸무게와 키가 변수일때, 키가 영향을 많이 줌

두 변수중 하나의 값의 크기가 너무 크다!

Feature scaling

Feature간의 최대-최소값의 차이를 맞춘다!

$$y=eta_1x_1+eta_2x_2+x_0$$

 x_2 min max

Feature scaling 전략

Min-Max Normalization
 기존 변수에 범위를 새로운 최대-최소로 변경
 일반적으로 0과 1 사이 값으로 변경함

$$x_{norm}^{(i)} = \frac{x^{(i)} - x_{min}}{x_{max} - x_{min}} (new_max - new_low) + new_low$$

최소 12,000 / 최대 98,000 → 기존 값 73,600

Feature scaling 전략

- Standardization (Z-score Normalization) 기존 변수에 범위를 정규 분포로 변환

실제 Mix-Max의 값을 모를 때 활용가능

$$x_{std_norm}^{(i)} = \frac{x^{(i)} - \mu}{s_i}$$

평균 54,000 / 표준편자 16,000 → 73,600

주의 사항

실제 사용할 때는 반드시

정규화 Parameter(최대/최소, 평균/표준편차) 등을

기억하여 새로운 값에 적용해야함

Min-Max Normalization

```
      A
      B
      C

      0
      14.00
      103.02
      big

      1
      90.20
      107.26
      small

      2
      90.95
      110.35
      big

      3
      96.27
      114.23
      small

      4
      91.21
      114.68
      small
```

Z-Score Normalization

$$x_{std_norm}^{(i)} = \frac{x^{(i)} - \mu}{s_i}$$

```
df["B"] = ( df["B"] - df["B"].mean() ) \
/ (df["B"].std() )
```

```
        A
        B
        C

        0
        14.00
        103.02
        big

        1
        90.20
        107.26
        small

        2
        90.95
        110.35
        big

        3
        96.27
        114.23
        small

        4
        91.21
        114.68
        small
```

Feature Scaling Function

```
def feture scaling(df, scaling strategy="min-max", column=None):
    if column == None:
        column = [column name for column name in df.columns]
    for column name in column:
        if scaling strategy == "min-max":
            df[column name] = ( df[column name] - df[column name].min() ) /
                            (df[column name].max() - df[column name].min())
        elif scaling strategy == "z-score":
            df[column name] = ( df[column name] - \
                               df[column name].mean() ) /\
                            (df[column name].std() )
    return df
```

Feature scaling with sklearn

- Label encoder와 마찬가지로, sklearn도 feature scale 지원
- MinMaxScaler와 StandardScaler 사용

```
from sklearn import preprocessing

std_scale = preprocessing.StandardScaler().fit(
    df[['Alcohol', 'Malic acid']])

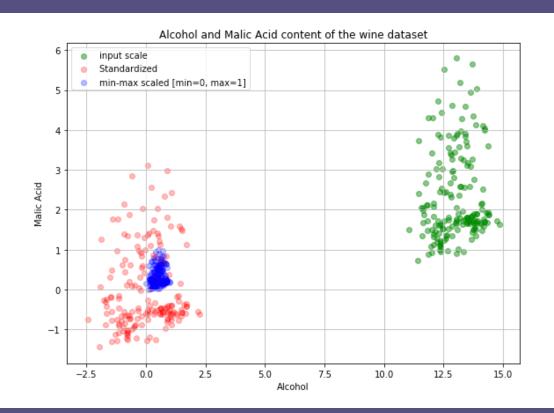
df_std = std_scale.transform(df[['Alcohol', 'Malic acid']])

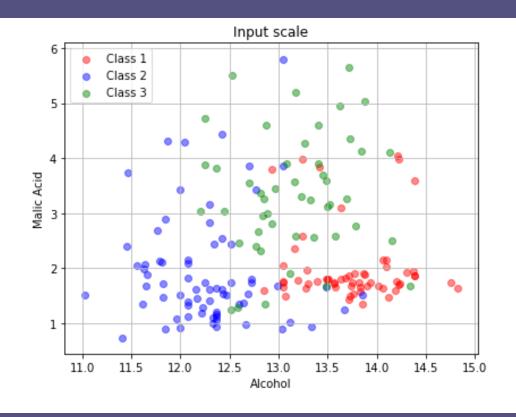
df_std[:5]
```

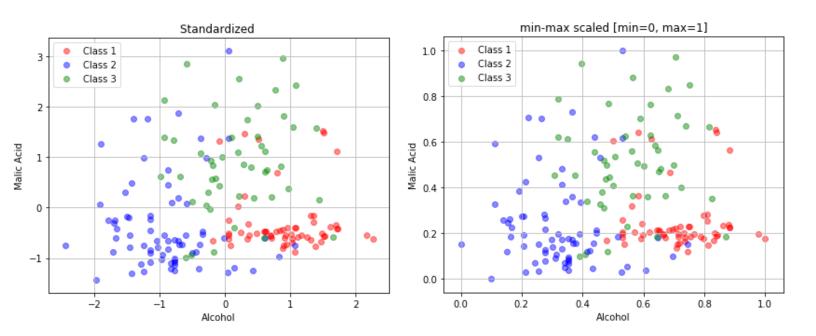
Feature scaling with sklearn

- Preprocessing은 모두 fit → transform의 과정을 거침
- 이유는 label encoder와 동일
- 단, scaler는 한번에 여러 column을 처리 가능

```
minmax_scale = preprocessing.MinMaxScaler().fit(df[['Alcohol', 'Malic acid']])
df_minmax = minmax_scale.transform(df[['Alcohol', 'Malic acid']])
df_minmax[:3]
```









Human knowledge belongs to the world.