

G GGGTCCGGAT 10 ATGAGTCATTTTCCATAATGATAA GTTT 20 GAAGA GCGTTG 30 CCGTTACTTTTTCATGAGAGTGAAGGTGTAAT 40 TCCAGCGAGGTCTTG 50 TACACTGT 60 CGTGT 70 TTTTCATGCTACTG 80

130 CTTCTCTCTCAGCTCGGAGCCAGGGCACCTCGATTTCATGGTCA 140 GATATTA 150 AAAAAAGCGGATGTGT 160 GTGATGACAGCCACATTGGAAGT 170 GCTTTAATCATGATGTACGTGAAATGTGGCAGTTT 180 AGCTG 190

260 ATGCTACTCGGGTGTGTTGAAAGATCGATGGATATCAA CAAC 270 TCTATTTCTGGTATTTCTACACC 280 ATACACCAGCGAATATGC 290 TAAAAATCAGATC 300 GATCCCTAC 310 AAGTTAGTTG 320 CC

380 TTATCC TTTTGT 390 TT TA TTTCTTTCTTG 400 TTTAC TTTTATT 410 TTTTATCC 420 TTTCTAATG 430 TATATGGATT 440 TTATTGT 450 CGAGTTG 460 GGTAT 470 AACGAGTCA 480 GTCTG 490 CGCAGTCC 500 TTTT

490 AGAGTGACTGTTCTGTAGCAA 500 CAAATATCACATCTTTCTCTAGA 510 GGAGAA 520 GGTGCCCTGTGTATATGTAG 530 CTGTATGAG 540 AATC 550 GTGAGTTCA 560 CT 570 TTCTCA 580 GCGGTTAC 590 CCGTAC 600 CCGTAC 610

File: CYT19_CYT_F.ab1 Run Ended: 2025/5/10 1:59:13 Signal G:2613 A:2175 C:2589 T:3161

Sample: CYT19_Plate1_G12_CYT_F Lane: 84 Base spacing: 15.62074 1327 bases in 15194 scans Page 2 of 2

620 630 640 650 660 670 680 690 700 710 720 730 740
CAGTG GCTCTTGGTGAGG GTAAAGACCTCTAGTTAA GTTTA TCCTGCCGTACGACATATGTTATA TCTACATATGTTGTCAGGGGCGTGTTTCCGTA CAAGTTCTGGAAGA TTAAACCTGATTGTTG

750 760 770 780 790 800 810 820 830 840 850 860 870
CCCATAGCAGTACCCG TGTATTCAATGTAGTTCTTTTACCCGTACATATAAGGTCGAGTGCCTGGGTCTAAAGCTATATCTAAGGATGACCA CCACTATCTTTCAATATGGTTCAC TTCATATTTTAGCTC

880 890 900 910 920 930 940 950 960 970 980 990 1000 1010
ACGGGC CCCCACCTGTC ACTGCGTGGACGTACA CCAATCACCTCTTGATGGCGGACCA C C C T A T T A G CCAAGTTAATGTCC TTAGTGGATAGAGAGCTTAACGT T T G T T T G C A GTTACATGGTAGGTACA

1020 1030 1040 1050 1060 1070 1080 1090 1100 1110 1120 1130 1140 1150 1160
TCAGACGAGCTATCTCAAGTCTGCCAGACTATA TAGTACGACATTCATGTGTGA T T G C G A G A T C G A T T G A T C A T T G A T T G A A A C T G C A C T G A C T C T G A G A T C T T G A C A G T T A T C C A C A T G C T A G A T G T C

1170 1180 1190 1200 1210 1220 1230 1240 1250 1260 1270 1280 1290 1300
ATGTATTCTAACCATATCATCTGC GCGT TCACTTCACATGTGAG TTTCTAATAGTGC GGTATGGTGAAT A ATTA TACA TACATCTGCTCAC AA TC GATGGATCATGGACATTGATTTATCAGTTTGCAAGACAGAA