# RMarkdown en 10 minutos

Mauricio Bucca

Agosto de 2020

### Primeros pasos

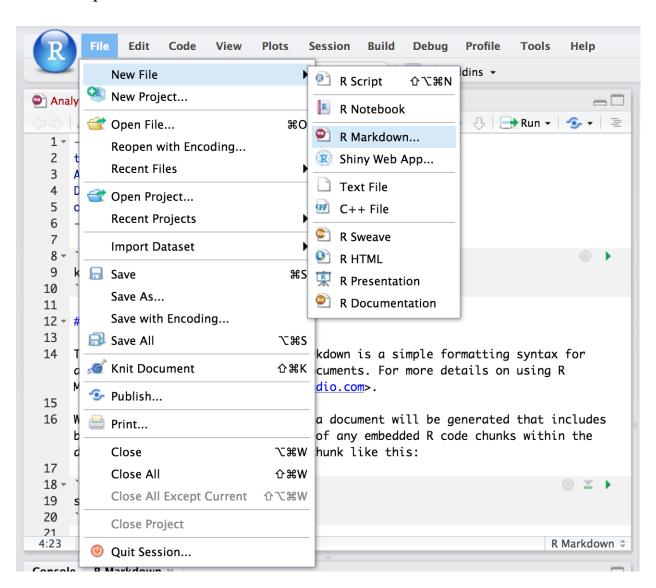


Figure 1: Newfile

El código para agregar esta imagen es: ![nombre\_que\_quieras](https://angus.readthedocs.io/en/2017/\_images/creat

#### **Texto**

La parte principal de un informe en RMarkdown suele ser texto. En un fichero .Rmd, todo lo que no sea encabezamiento código será interpretado como texto y lo mostrará tal cual. El texto de un documento .Rmd es "simplemente" texto PERO está escrito en Markdown. Lo que escribamos en Rmarkdown se mostrará tal cual en el documento final, pero es posible dar un poco de formato: negritas, cursivas, listas, enlaces de internet, etc...

Para mayor detalle: aquí

#### **Ecuaciones**

En Rmarkdown se pueden introducir formulas matemáticas (escritas en Látex). Para formulas en linea se usa el signo \$ al inicio y al final de la expresión. Por ejemplo, el código  $y_{i} = \alpha + \beta_{1}x_{i} + \beta_{2}x_{i}^{2} + \beta_{1}x_{i}^{2}x_{i}^{2} + \epsilon_{i}$ .

Para escribir la misma ecuación en una linea independiente, se usa el signo  $\$  Por ejemplo, el código  $\$  = \alpha + \beta\_{1}x\_{i} + \beta\_{2}x^{2}\_{i} + \ensuremath{\mbox{enu}} produce la siguiente ecuación:

$$y_i = \alpha + \beta_1 x_i + \beta_2 x_i^2 + \epsilon_i$$

Para mayor detalle: aquí

## Código ("chunks")

RMarkdown permite introducir código de R en el documento de texto, evaluar tal código y mostrar los resultados directamente en el informe. A modo de ejemplo, comenzaremos mostrando un summary de la base de datos iris, que viene incluida en R.

### summary(iris)

```
##
     Sepal.Length
                       Sepal.Width
                                        Petal.Length
                                                         Petal.Width
##
    Min.
            :4.300
                     Min.
                             :2.000
                                       Min.
                                               :1.000
                                                        Min.
                                                                :0.100
    1st Qu.:5.100
                     1st Qu.:2.800
                                       1st Qu.:1.600
                                                        1st Qu.:0.300
##
                                       Median :4.350
    Median :5.800
                     Median :3.000
##
                                                        Median :1.300
##
    Mean
            :5.843
                             :3.057
                                               :3.758
                                                                :1.199
                     Mean
                                       Mean
                                                        Mean
##
    3rd Qu.:6.400
                     3rd Qu.:3.300
                                       3rd Qu.:5.100
                                                        3rd Qu.:1.800
##
    Max.
            :7.900
                     Max.
                             :4.400
                                       Max.
                                               :6.900
                                                        Max.
                                                                :2.500
##
          Species
##
               :50
    setosa
##
    versicolor:50
##
    virginica:50
##
##
##
```

El trozo de arriba es un chunk de código R. Al compilar el documento, (click en el botón knitr, en el panel) el código se ejecutará y mostrarán los resultados en el documento final. Los chunks pueden tienen diversas opciones que permiten una mayor flexibilidad en como se muestra el código y los resultados. Las opciones más usadas son:

echo

#### • eval

Por ejemplo, el chunk abajo mostrará el código (echo = TRUE), lo evaluará y mostrará los resultados en el documento final (eval = TRUE). Así se ve:

```
a <- summary(iris)
print(a)</pre>
```

```
Sepal.Length
                      Sepal.Width
                                      Petal.Length
                                                       Petal.Width
##
           :4.300
                                             :1.000
##
   Min.
                            :2.000
                                                              :0.100
                    Min.
                                     Min.
                                                      Min.
    1st Qu.:5.100
                    1st Qu.:2.800
                                     1st Qu.:1.600
                                                      1st Qu.:0.300
##
                                     Median :4.350
##
   Median :5.800
                    Median :3.000
                                                      Median :1.300
##
   Mean
           :5.843
                    Mean
                            :3.057
                                     Mean
                                             :3.758
                                                      Mean
                                                             :1.199
                    3rd Qu.:3.300
                                     3rd Qu.:5.100
                                                      3rd Qu.:1.800
##
    3rd Qu.:6.400
##
    Max.
           :7.900
                    Max.
                            :4.400
                                     Max.
                                             :6.900
                                                      Max.
                                                              :2.500
##
          Species
##
              :50
    setosa
##
    versicolor:50
##
    virginica:50
##
##
##
```

Si sólo queremos mostrar el código (echo = TRUE) pero no evaluarlo (eval = FALSE), escribimos lo siguiente:

```
a <- summary(iris)
print(a)</pre>
```

Por el contrario, si queremos evaluar el código, mostrar sus resultados, pero no mostrar el código mismo, escribimos:

```
##
     Sepal.Length
                      Sepal.Width
                                      Petal.Length
                                                        Petal.Width
           :4.300
##
                            :2.000
                                             :1.000
                                                              :0.100
   Min.
                    Min.
                                     Min.
                                                      Min.
##
    1st Qu.:5.100
                     1st Qu.:2.800
                                     1st Qu.:1.600
                                                      1st Qu.:0.300
##
   Median :5.800
                    Median :3.000
                                     Median :4.350
                                                      Median :1.300
##
           :5.843
                            :3.057
                                             :3.758
                                                              :1.199
   Mean
                     Mean
                                     Mean
                                                      Mean
##
    3rd Qu.:6.400
                     3rd Qu.:3.300
                                      3rd Qu.:5.100
                                                      3rd Qu.:1.800
           :7.900
                            :4.400
                                             :6.900
                                                              :2.500
##
    Max.
                    Max.
                                     Max.
                                                      Max.
##
          Species
##
   setosa
               :50
##
    versicolor:50
##
    virginica:50
##
##
##
```

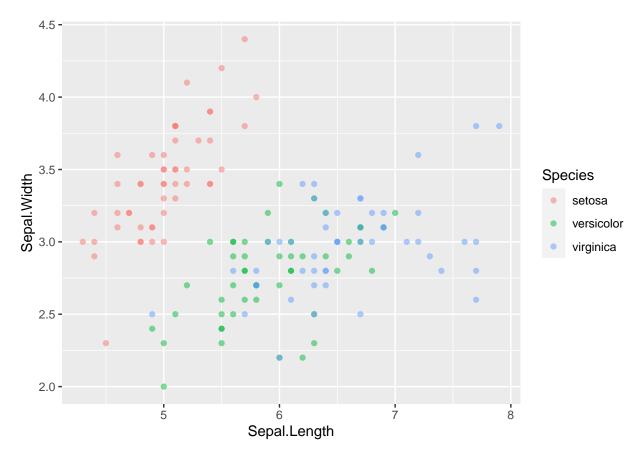
Por último, si queremos NO mostrar el código (echo = FALSE), SI evaluarlo (eval = FALSE), PERO NO se mostrar los resultados (results = "hide"), escribimos:

Que el código haya sido evaluado significa que el objeto "a" existirá en la memoria y podrá ser usado para posterior análisis.

# Gráficos

También podemos mostrar gráficos producidos en R. Notar que los paquetes necesarios para implementar un determinado análisis (ggplot2 y tidyverse, en este caso) deben ser previamente cargados.

```
## -- Attaching packages -----
## v ggplot2 3.3.2
                               0.3.4
                      v purrr
## v tibble 3.0.3
                      v dplyr
                               1.0.1
## v tidyr
            1.1.0
                      v stringr 1.4.0
            1.3.1
                      v forcats 0.5.0
## v readr
## -- Conflicts -----
## x dplyr::filter() masks stats::filter()
## x dplyr::lag()
                    masks stats::lag()
```



Para eliminar el mensaje entregado por R usamos la opción message=FALSE:

