

# 黎棋少

电话: 13480927497 | 邮箱: 1732582359@qq.com



## 教育背景

深圳大学	海洋科学 (本科)	2019.09 - 2023.07
● 相关课程: 细胞生物学、微生物学、分子生物学、生物制药基础及应用、生物化学、有机化学、系统生物学与组学大数据、生物信息学基础		
香港理工大学 (已获得录取通知书, 预计 2025 年 9 月入学)	生物制药开发与商业化 (硕士)	2025.09 -

## 科研经历

深圳大学生命与海洋科学学院, 科研助理	2023.08 - 2023.11
● 参与神经保护剂药物研发项目, 运用分子对接技术筛选潜在药物化合物设计并执行免疫沉淀实验验证 DHMBA 的作用机制, 证实其对 Keap1-Nrf2 相互作用的抑制效应	
● 建立蛋白质-蛋白质相互作用研究标准化实验方案, 显著提升实验重复性和效率	
● 通过文献综述和反复测试优化蛋白质提取和免疫沉淀条件, 完成最初实验挑战	
中国科学院大亚湾海洋生物综合实验站, 科研助理	2022.07
● 负责采集研究样品并进行分类研究, 运用分子生物学技术分析样品特征。	
● 协助课题负责人执行科研任务, 参与实验室日常分子生物学实验及数据分析工作	
● 协助生物研发团队新靶点发现及验证, 建立相应体外实验检测方法	
● 负责实验室日常管理和维护工作, 包括试剂采购、设备维护等	
南方科技大学乐士研究院, 科研助理	2021.10 - 2022.01
● 负责肿瘤细胞与正常纤维组织的培养工作, 掌握细胞培养标准操作流程	
● 进行文献检索, 完成相关论文、研究报告、申报书的撰写工作	

## 项目经历

天然小分子对牛血清白蛋白 (BSA) 的抑制作用及机制研究	2020.10
● 独立操作日立 F-4500 荧光分光光度计收集实验数据, 通过实施精确的温控措施克服了初始数据重现性问题, 将误差从 20%降低到 5%以下。	
● 利用 GROMACS 和 AMBER 软件包进行分子对接和动力学模拟, 成功预测了药物分子与 BSA 的相互作用模式, 验证了实验观察结果。	
● 利用 Origin 软件分析荧光光谱数据和分子动力学模拟轨迹, 建立全面的数据分析工作流程, 为药物-蛋白质相互作用提供分子水平的解释。	
● 与高级研究人员合作解释结果、改进实验方案并准备每周进度报告, 有助于成功确定药物分子和 BSA 之间的结合常数	

## 技能

● 生物技术: 分子对接与动力学模拟、蛋白质-配体相互作用分析、免疫沉淀、荧光光谱技术、细胞培养与肿瘤模型构建、药物筛选与结合常数测定	
● 数据分析与建模: Origin (荧光淬灭/分子轨迹分析)、ArcGIS (空间数据建模)、MATLAB (环境参数建模)、生物统计与组学大数据分析	
● 实验设计与管理: 标准化实验流程开发 (蛋白提取/互作验证)、跨学科研究框架设计 (光谱-模拟-分析全流程)、实验室设备运维 (CTD/荧光分光光度计/分析天平)	
● 语言与工具: 英语 CET-6, 雅思 6.5 (熟练读写科研文献)、基础生物信息学 (Linux/Python 脚本)	