Réduction de Modèle : Approches basiques diverses

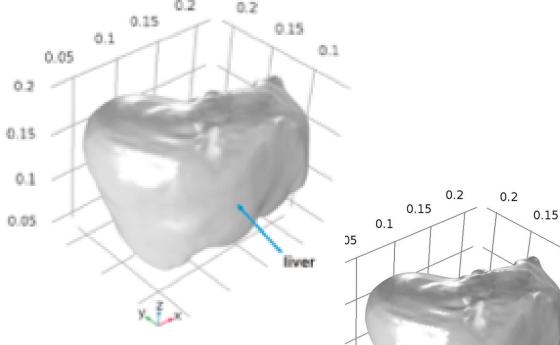
Réduction modale, POD, équilibrée et identification par sousespace

https://github.com/JLB-UB/MODRED

Jean-Luc BATTAGLIA 12M, Université de Bordeaux

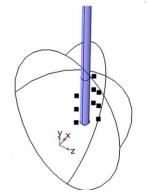
Modèle

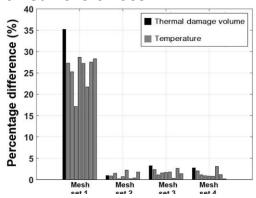
- Un modèle de connaissance s'appuie sur les équations de conservation (masse, quantité de mouvement et énergie) ainsi que sur les lois de transport (Fourier, Fick, ...)
- Les conditions aux limites et initiales complètent l'écriture.
- Les EDP obtenues sont généralement résolues par des méthodes de discrétisation temporelles et spatiales (différences finies, éléments finis, volumes finis)
- L'ordre n du modèle est relatif au nombre de degrés de liberté du maillage



Transfert de chaleur dans un procédé d'ablation de tumeur dans le foie par méthode thermique

https://doi.org/10.1016/j.compbibmed.2019.01.003





Pourquoi réduire un modèle ?

- Réduire le coût de calcul
 - Adapter le modèle aux besoins (simulation temps réel, contrôleurs rapides, etc.)
 - Utilisation dans une procédure d'inversion de données expérimentales
- La réduction ne consiste pas à simplifier le modèle de connaissance en :
 - Simplifiant la géométrie
 - Dégradant le maillage
 - Rajoutant des hypothèses simplificatrices (accommodation thermique par exemple)
- Nous restreindrons la présente présentation aux systèmes linéaires et stationnaires (bien qu'en principe on verra que certaines méthodes se prêtes assez bien à des configurations non linéaires)

Formulation du modèle (1/2)

On peut représenter le modèle des EDP sous la forme d'un système linéaire en espace d'état (modèle d'état):

$$\begin{cases} \dot{x}(t) = A x(t) + B u(t) \\ y(t) = C x(t) + D u(t) \end{cases}$$

- x(t): vecteur d'état de dimension n (températures aux nœuds du maillage)
- u(t): vecteur d'entrée de dimension p (température, flux, source)
- y(t): vecteur de sortie de dimension m (température observées)
- A: matrice dynamique $(n \times n)$
- B: matrice d'entrée $(n \times p)$
- C: matrice de sortie $(m \times n)$
- D: matrice de transmission directe $(m \times p)$ (souvent nulle)

Formulation du modèle (2/2)

En prenant la transformée de Laplace ou Fourier du modèle d'état :

$$\begin{cases} \dot{x}(t) = A x(t) + B u(t) \\ y(t) = C x(t) + D u(t) \end{cases}$$

On aboutit au **modèle de transfert** ($p = j \omega$) :

$$Y(p) = [C (p I_n - A)^{-1} B + D] U(p)$$

$$Y(p) = G(p)U(p)$$

Fonctionnement classique des méthodes de réduction

- On change de base pour l'expression d'un champ en lien avec l'observable (revoir les méthodes de séparation des variables si vous avez des doutes)
- On établit un lien entre la nouvelle base et l'ancienne
- On détermine quels sont les r éléments « **dominants** » parmi les n du champ projeté sur la nouvelle base
- On ne **conserve** que ces modes et on ignore les autres (souvent assez satisfaisant selon les techniques).

Réduction Modale (1/6)

Principe

- Diagonalisation de la matrice dynamique
- Conservation des modes dominants (constante de temps, contribution énergétique, ...)
- Avantages
- Intuitif, basé sur la physique
- <u></u> Limites
- Seulement pour systèmes linéaires ou faiblement non linéaires
- Moins satisfaisant avec des modes proches ou couplés

Réduction Modale (2/6)

• Étape 1 : Résolution du problème aux valeurs propres :

$$AV = \Lambda V$$

Avec:

- V: matrice des vecteurs propres (modes **spatiaux** orthogonaux)
- Λ : matrice diagonale des valeurs propres (constante de temps, pôles du système)
- Étape 2 : Transformation modale : x(t) = V z(t)

avec:
$$\Gamma = V^{-1}B = V^TB$$
 et $\Omega = CV$

CODE

[V,Lambda] = eig(A);

Gamma = V'*B; Omega = C*V;

Réduction Modale (3/6)

• **Étape 3**: On partitionne en $r \ll n$ modes dominants et n-r modes non-dominants :

Équation des états :
$$\begin{bmatrix} \dot{z}_r \\ \dot{z}_s \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \Lambda_r & 0 \\ 0 & \Lambda_s \end{bmatrix} \begin{bmatrix} \mathbf{Z}_r \\ \mathbf{Z}_s \end{bmatrix} + \begin{bmatrix} \Gamma_r \\ \Gamma_s \end{bmatrix} u$$

Equation de sortie :
$$y = \begin{bmatrix} \Omega_r & \Omega_s \end{bmatrix} \begin{bmatrix} \mathbf{Z}_r \\ \mathbf{Z}_s \end{bmatrix} + D u$$

- Le critère de dominance peut être relatif à :
 - la valeur de λ_i (en conduction $\tau_i = -1/\lambda_i$)
 - La contribution du mode à la réponse à une excitation de type Heaviside :

$$D_i = \sum_{j=1}^p -\frac{\Gamma_{i,j} \; \Gamma_{i,j}^*}{2\lambda_i}$$

CODE

```
LambdaR = diag(z(1:r),0);

LambdaS = diag(z(r+1:n),0);

GammaR = Gamma(1:r,:);

GammaS = Gamma(r+1:n,:);

OmegaR = Omega(:,1:r);

OmegaS = Omega(:,r+1:n);
```

Réduction Modale (4/6)

- Remarque : pour les très gros systèmes $n \sim 10^4 10^6$ eig.m va prendre beaucoup trop de temps, il vaut mieux calculer les $n_i \sim 10^2 10^3$ premiers modes par une méthode Lanczos/Arnoldi et effectuer la réduction \rightarrow eigs.m.
- Puis réduction aux seuls modes dominants :

$$\dot{z}_r = \Lambda_r z_r + \Gamma_r u$$
$$y = \Omega_r z_r + D u$$

• Ce système peut être efficacement simulé avec une méthode de type Runge-Kutta (ode15s.m)

CODE

```
[V,Lambda] = eigs(A,ni,flag2);

Gamma = -V\B;

Omega = C*V;
```

```
LambdaR = diag(z(1:r),0);
GammaR = Gamma(1:r,:);
OmegaR = Omega(:,1:r);
```

Réduction Modale (5/6)

- La mise de côté des modes non-dominants introduit un biais de modélisation
- Solution simple et rapide : correctif quasi-statique des modes non-dominants

$$\begin{bmatrix} \dot{z}_r \\ 0 \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \Lambda_r & 0 \\ 0 & \Lambda_s \end{bmatrix} \begin{bmatrix} \mathbf{z}_r \\ \mathbf{z}_s \end{bmatrix} + \begin{bmatrix} \Gamma_r \\ \Gamma_s \end{bmatrix} u \Longrightarrow$$

$$y = \Omega_r z_r + \left(D - \Omega_s \Lambda_s^{-1} \Gamma_s\right) u$$

• La prise en compte de la solution en régime permanent $(A^{-1}B)$ peut aussi être prise en compte avant la réduction (attention cependant aux temps de calcul).

```
CODE
[V,Lambda] = eigs(A,m,flag2);
Gamma = V'*B;
Omega = C*V;
LambdaR = diag(z(1:r),0);
LambdaS = diag(z(r+1:n),0);
GammaR = Gamma(1:r,:);
GammaS = Gamma(r+1:n,:);
OmegaR = Omega(:,1:r);
OmegaS = Omega(:,r+1:n);
iLambdaS = 1./LambdaS;
D = D-OmegaS*GammaS*iLambdaS;
```

Réduction Modale (6/6)

Méthodes plus élaborées :

- Amalgame modal (combinaison linéaire des modes non dominants sur les modes dominants)
- Méthode de Litz : correction optimale par minimisation de l'écart entre réponse du modèle complet et celle du modèle réduit.

• ...

Réduction POD (Proper Orthogonal Decomposition) (1/4)

Principe

- Collecte de snapshots (instantanés de simulation ou mesures)
- Décomposition en valeurs singulières (SVD)
- Conservation des modes les plus énergétiques
- Avantages
- Peut être basée sur les données (pas besoin de connaître le système complet)
- Très efficace pour la simulation
- <u></u> Limites
- Dépend des données choisies (risque de sous ou sur-ajustement)
- Peut manquer certains phénomènes.

Rappel: Que fait une SVD? (1/3)

- Elle permet de décomposer une matrice rectangulaire quelconque en un produit de trois matrices aux propriétés très utiles.
- Soit $M \in \mathbb{R}^{m \times n}$ une matrice réelle (pas nécessairement carrée). La décomposition SVD s'écrit :

$$M = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$$

- Avec:
 - $U \in \mathbb{R}^{m \times m}$: matrice carrée orthogonale $U^{\top}U = I$ (modes)
 - $\Sigma \in \mathbb{R}^{m \times n}$: est une matrice **diagonale par blocs** avec des **valeurs singulières** sur la diagonale $\sigma_1 \geq \sigma_2 \geq \cdots \geq \sigma_l > 0$ où $l = \operatorname{rang}(M)$
 - $V \in \mathbb{R}^{n \times n}$: matrice carrée orthogonale (coefficients temporels).

Rappel: Que fait une SVD? (2/3)

La SVD exprime toute matrice comme une **transformation géométrique** en trois étapes :

- V^{T} : rotation/changement de base de l'espace d'entrée
- Σ : mise à l'échelle (étirement/écrasement) le long d'axes orthogonaux
- *U* : rotation/changement de base de l'espace de sortie

• La SVD peut être vue comme une généralisation du théorème spectral aux matrices non symétriques ou non carrées.

Rappel: Que fait une SVD? (3/3)

Exemple : soit une transformation linéaire de matrice *M* :

$$M = \begin{bmatrix} 3 & 1 \\ 0 & 2 \end{bmatrix}$$

On l'applique à un cercle unité \rightarrow on obtient une ellipse.

La SVD de $M = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$ donne :

$$V^{\top} = \begin{bmatrix} 0.88 & 0.47 \\ -0.47 & 0.88 \end{bmatrix}$$

qui correspond à une rotation d'environ -28°,

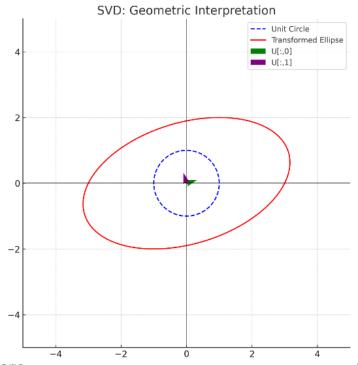
$$\Sigma = \begin{bmatrix} 3.26 & 0 \\ 0 & 1.84 \end{bmatrix}$$

C'est un étirement de 3,26 et 1,84 dans les deux directions principales. Et :

$$U = \begin{bmatrix} 0.96 & -0.29 \\ 0.29 & 0.96 \end{bmatrix}$$

On revient dans l'espace initial par une rotation d'environ 17°

- Le cercle bleu pointillé représente l'espace d'entrée (unité).
- L'ellipse rouge est le **résultat de la transformation** par la matrice *M*.
- et \bigcirc sont les **vecteurs propres de la sortie** (colonnes de U), orientés selon les directions principales de l'ellipse.



Réduction POD (2/4)

Étape 1 : Génération des snapshots

• On simule le système complet (ou on l'observe expérimentalement) pour collecter N snapshots (valeur initiale nulle avec u = 1 par exemple) :

$$x(t_1), x(t_2), ..., x(t_N)$$

Remarque : pour résoudre le modèle d'état il est conseillé d'utiliser une méthode robuste (Runge-Kutta par exemple)

• On forme la matrice de snapshots :

$$X = [x(t_1) \quad x(t_2) \cdots x(t_N)] \in \mathbb{R}^{n \times N}$$

t_final = 10; % temps final de simulation (à ajuster) numSnapshots = 1000; % nombre de snapshots voulus tspan = linspace(0, t_final, numSnapshots); % Définition de la dynamique avec entrée constante u=1 odefun = @(t,x) A*x + B*1; % Conditions initiales x0 = zeros(n,1); % Résolution avec ode15s [~, Xsol] = ode15s(odefun, tspan, x0);

% Transposition car ode15s renvoie solution (temps x variables) X = Xsol';

Réduction POD (3/4)

Étape 2: On effectue une **décomposition en valeurs singulières** (SVD) de la matrice des snapshots (si X est large utiliser svds.m plutôt que svd.m):

$$X = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$$

On retient les r premiers modes (ceux associés aux plus grandes valeurs singulières $\sigma_1 \ge \sigma_2 \ge \cdots \ge \sigma_r$):

$$U_r = [u_1 \ u_2 \cdots \ u_r] \in \mathbb{R}^{n \times r}$$

On projette l'état complet x(t) dans la base réduite :

$$x(t) = U_r z(t)$$

En injectant dans le système d'état :

$$U_r \, \dot{z}(t) = A \, U_r \, z(t) + B \, u(t)$$

```
% === SVD tronquée ===
[U, S, ~] = svds(X, m,
'largest');
svals = diag(S);

% === Construction du
modèle réduit ===
V_r = U(:, 1:r);
V_s = U(:, r+1:end);
```

Réduction POD (4/4)

Multiplication à gauche par la transposée des modes :

$$U_r^{\mathsf{T}} U \dot{z}(t) = U_r^{\mathsf{T}} A U_r z(t) + U_r^{\mathsf{T}} B u(t)$$

Comme $U_r^{\mathsf{T}} U_r = I_r$, alors le modèle réduit est :

$$\begin{cases} \dot{z}(t) = A_r z(t) + B_r u(t) \\ y(t) = C_r z(t) + D u(t) \end{cases}$$

$$A_r = U_r^{\mathsf{T}} A U_r$$

Avec: $B_r = U_r^{\mathsf{T}} B$
 $C_r = C U_r$

On peut appliquer la même correction statique que pour la méthode de réduction modale

```
A m = U' * A * U;
B m = U' * B;
C m = C * U;
Ar = A m(1:r, 1:r);
Br = B m(1:r, :);
Cr = C m(:, 1:r);
As = A m(r+1:end, r+1:end);
Bs = B m(r+1:end, :);
Cs = C m(:, r+1:end);
if ~isempty(As)
Dr = D - Cs * (As \setminus Bs);
else
Dr = D;
end
```

Premières conclusions Modal vs. POD

Efficacité et pertinence

Réduction modale :

- Très efficace si le système est linéaire, stable, et que les modes propres sont bien séparés et dominants.
- Facile à interpréter physiquement (chaque mode correspond à une vibration propre, une fréquence propre).
- Mais peut être moins adaptée aux systèmes fortement non-linéaires.

• **POD** :

- Très efficace pour des systèmes où on dispose de données représentatives (simulations, expériences).
- Peut capturer des comportements complexes, y compris non linéaires ou couplés, si les snapshots sont bien choisis.
- Optimise la représentation en capturant la majeure partie de l'énergie (variance) dans un petit nombre de modes.
- Peut donc réduire la dimension plus efficacement en pratique dans beaucoup de cas complexes.

Réduction équilibrée (Balanced Truncation) (1/11)

Principe

- Calcul des Grammiens de contrôlabilité et observabilité
- Transformation pour les équilibrer et tronquer les états les moins influents
- Avantages
- Garantit une borne d'erreur
- Maintient stabilité et robustesse
- 🛕 Limites
- Calcul intensif pour grands systèmes
- Moins adapté aux systèmes non linéaires

Réduction équilibrée (2/11)

La réduction équilibrée vise à identifier les **états les plus importants** pour le transfert entrée \rightarrow sortie. Elle utilise :

- la contrôlabilité (quelle quantité d'énergie il faut injecter pour atteindre un état)
- l'observabilité (quelle quantité d'information on peut extraire de l'état via les sorties).
- La méthode consiste à **équilibrer** le système afin que contrôlabilité et observabilité soient **égales et diagonales**, puis à tronquer les états associés aux plus faibles valeurs.

Réduction équilibrée (3/11)

Étape 1 : calcul des grammiens de contrôlabilité et d'observabilité

Ce sont deux matrices symétriques définies comme les solutions des **équations de Lyapunov** :

• Grammien de contrôlabilité

$$AW_c + W_c A^\mathsf{T} + BB^\mathsf{T} = 0$$

• Grammien d'observabilité :

$$A^{\mathsf{T}}W_o + W_o A + C^{\mathsf{T}}C = 0$$

Ils mesurent respectivement :

- l'effort nécessaire pour contrôler les états,
- la quantité d'information sur chaque état qui se reflète dans la sortie.

% Compute the controllability and observability Gramians Wc = lyap(A, B * B'); Wo = lyap(A', C' * C);

Réduction équilibrée (4/11)

• Etape 2 : diagonalisation conjointe : transformation équilibrée On cherche une base dans laquelle les deux grammiens deviennent égaux et diagonaux :

$$T^{-1}W_c T^{-\top} = T^{\top}W_O T = \Sigma = \operatorname{diag}(\sigma_1, ..., \sigma_n)$$

- Les σ_i sont appelés **valeurs singulières de Hankel** : elles mesurent l'importance des états.
- Les états avec petites valeurs de σ_i sont **peu contrôlables et peu observables**.

Réduction équilibrée (5/11)

• Etape 3 : Calcul de T

On forme la matrice :

$$M = W_c W_O$$

• On effectue la SVD de M:

$$M = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$$

• On construit *T*:

$$T = U \Sigma U^{\mathsf{T}}$$

• On calcule T^{-1}

```
% Perform balancing
transformation
[U, S, V] = svd(Wc * Wo);
S = sqrt(diag(S));
T = U * diag(S) * U';
T_inv = inv(T);
```

Réduction équilibrée (6/11)

• Mise en forme équilibrée

$$\hat{x} = T^{-1}x$$

Le système équilibré est alors :

$$\begin{cases} \hat{x} = \hat{A}\hat{x} + \hat{B}u \\ y = \hat{C}\hat{x} + Du \end{cases}$$

Où:

$$\hat{A} = T^{-1}AT$$

$$\hat{B} = T^{-1}B$$

$$\hat{C} = CT$$

Réduction équilibrée (7/11)

Etape 3 : Réduction

- On tronque les états associés aux plus petites valeurs singulières (les moins contrôlables et observables).
- Le système réduit à r valeurs singulières est alors :

$$\begin{cases} \dot{\hat{x}}_r = \hat{A}_{11}\hat{x}_r + \hat{B}_1 u \\ y = \hat{C}_1\hat{x}_r + Du \end{cases}$$

où \hat{A}_{11} correspond à la sous-matrice de \hat{A} conservant les r premiers modes.

• La somme des valeurs singulières « supprimées » donne une estimation de la taille maximale de l'erreur.

```
% Truncate the balanced
model
Ar = A_bal(1:order, 1:order);
Br = B_bal(1:order, :);
Cr = C_bal(:, 1:order);
```

Réduction équilibrée (8/11)

• En pratique il vaut mieux Calculer la décomposition de Cholesky pour trouver X_c et X_o tels que :

$$W_c \approx X_c X_c^{\mathsf{T}} \quad W_o \approx X_o X_o^{\mathsf{T}}$$

• On calcule alors la SVD de:

$$M = X_o^{\mathsf{T}} X_c = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$$

On obtient la matrice de transformation :

$$T = X_C V \Sigma^{-1/2}, \qquad T^{-1} = \Sigma^{-1/2} U^T X_O^T$$

```
% Factorisation de Cholesky
Rc = chol(Wc, 'lower');
Ro = chol(Wo, 'lower');
% Calcul de la matrice M et SVD
M = Ro' * Rc;
[U,Sigma,V] = svd(M);
% Transformation d'équilibrage
Sigma sqrt inv = diag(1./
sqrt(diag(Sigma)));
```

T = Rc * V * Sigma sqrt inv;

T_inv = Sigma_sqrt_inv * U' * Ro';

Réduction équilibrée (9/11)

Coûteux pour les systèmes de grande dimension (nécessite la résolution de Lyapunov)

Solution : On remplace les Grammiens exacts par des approximateurs de Grammiens construits à partir de simulations temporelles du système.

Pour W_c : on simule le système en réponse à des impulsions ou des signaux d'entrée riches, puis on empile les **trajectoires d'états** (snapshots).

$$X_c = \left[x(t_1), x(t_2), \dots, x(t_{N_c}) \right] \in \mathbb{R}^{n \times N_c}$$

Pour W_O : on simule le **système adjoint** en réponse à des impulsions de sortie (ou signaux riches), et on empile aussi les snapshots adjoints.

$$X_o = \left[z(t_1), z(t_2), \dots, z(t_{N_o}) \right] \in \mathbb{R}^{n \times N_o}$$

où z(t) est l'état du système adjoint : $\dot{z}(t) = A^{\mathsf{T}}z(t) + C^{\mathsf{T}}v(t)$

```
u_func = @(t) ones(m,1); % Impulsion
unité
x0 = zeros(n,1);
[~, x_snap] = ode15s(@(t,x) A*x +
B*u_func(t), tspan, x0);
X = x_snap'; % (n x N)

u_adj_func = @(t) ones(p,1);
x0_adj = zeros(n,1);
[~, x_adj_snap] = ode15s(@(t,x) A'*x +
C'*u_adj_func(t), tspan, x0_adj);
Y = x_adj_snap'; % (n x N)
```

Réduction équilibrée (10/11)

On approxime alors:

$$W_c \approx X_c X_c^{\mathsf{T}}$$

$$W_o \approx X_o X_o^{\mathsf{T}}$$

Ces approximations sont de rang faible (car Nc, No \ll n)

On réalise une **décomposition en valeurs singulières (SVD)** sur la matrice croisée :

$$X_o^{\mathsf{T}} X_c = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$$

avec Σ contenant les valeurs singulières d'Hankel approximées.

On construit la base équilibrée réduite :

$$T = X_c V \Sigma^{-1/2}$$
$$S = X_o U \Sigma^{-1/2}$$

et on définit l'état réduit : $\hat{x} = T^{T}x$

```
M = Y' * X; % (N x N)
[U, S, V] = svd(M, 'econ'); %
Économie mémoire
```

```
S_root_inv = diag(1 ./
sqrt(diag(S(1:r,1:r))));
Phi = X * V(:,1:r) * S_root_inv;
Psi = Y * U(:,1:r) * S_root_inv;
```

Réduction équilibrée (11/11)

Modèle réduit

• On projette les matrices d'état comme suit :

$$A_r = T^{\mathsf{T}} A T$$

$$B_r = T^{\mathsf{T}} B$$

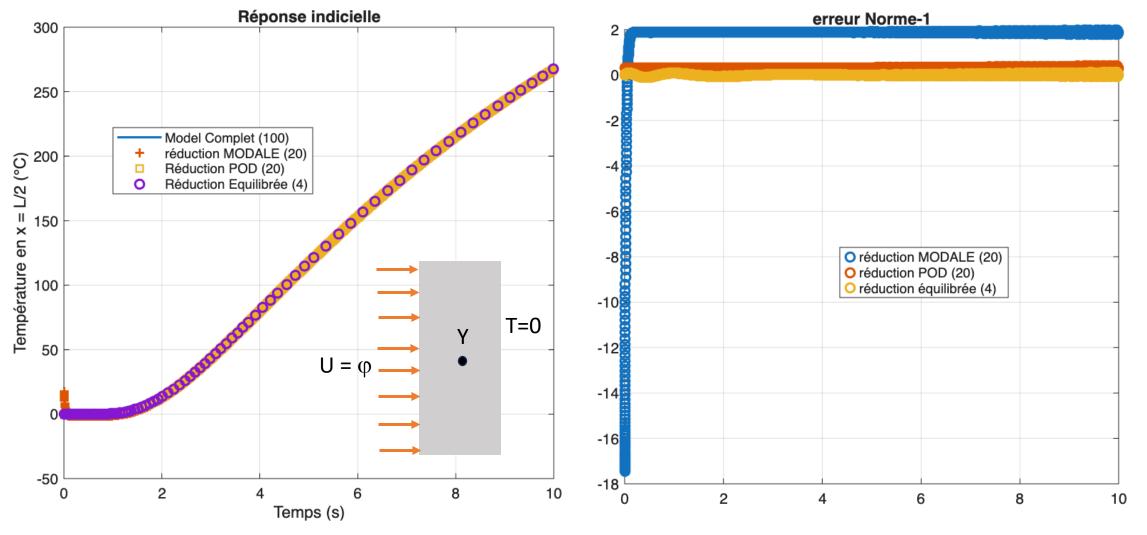
$$C_r = C T$$

$$D_r = D$$

On garde ensuite les r premiers modes selon les plus grandes valeurs singulières Σ

```
Ar = Psi' * A * Phi;
Br = Psi' * B;
Cr = C * Phi;
Dr = D;
```

Illustration



Principe

- Identification à partir des données d'entrée et de sortie
- Algorithmes N4SID, MOESP
- <a>Avantages
- Très adapté aux systèmes expérimentaux
- Permet l'obtention directe d'un modèle état-espace réduit
- 🛕 Limites
- Sensible au bruit de mesure
- Nécessite des données riches et persistantes

Contexte

- La méthode d'identification de sous-espace est principalement utilisée quand on dispose :
 - de données expérimentales (entrées et sorties mesurées)
 - et qu'on souhaite construire un modèle d'état de la forme :

$$\begin{cases} \hat{x}_{k+1} = A_r \, \hat{x}_k + B_r \, u_k \\ y_k = C_r \, \hat{x}_k + D_r \, u_k \end{cases}$$

• Elle est aussi exploitée pour **réduire un modèle** d'ordre élevé à un modèle d'ordre plus faible, en extrayant uniquement les modes significatifs à partir des données.

Principe général

- Collecte des données : On mesure des séquences d'entrée u_k et de sortie y_k sur une fenêtre temporelle.
- Construction de matrices de Hankel : On forme des matrices empilées contenant les données d'entrée et de sortie passées et futures. Ces matrices de Hankel capturent la dynamique du système.
- Projection sur un sous-espace : Par une méthode basée sur la décomposition en valeurs singulières (SVD), on extrait un sous-espace dominant qui représente l'espace d'états (observable et contrôlable).
- Estimation des matrices d'état : À partir du sous-espace identifié, on estime les matrices A,B,C,D du modèle d'état.
- Réduction de l'ordre : La SVD permet de choisir la dimension du modèle en conservant les valeurs singulières significatives, donc un modèle réduit.

Étape 1. Collecte des données

- On mesure les signaux :
 - Entrées u_0, u_1, \dots, u_N
 - Sorties y_0, y_1, \dots, y_N
 - *N* la longueur des données
 - i > r l'horizon d'observation (nombre de lignes dans la matrice Hankel)

Étape 2. Construction des matrices de Hankel

• On construit des matrices de Hankel pour l'entrée et la sortie :

$$Y_{p} = \begin{bmatrix} y_{1} & y_{2} & \cdots & y_{k} \\ y_{2} & y_{3} & \cdots & y_{k+1} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ y_{i} & y_{i+1} & \cdots & y_{i+k-1} \end{bmatrix} U_{p} = \begin{bmatrix} u_{1} & u_{2} & \cdots & u_{k} \\ u_{2} & u_{3} & \cdots & u_{k+1} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ u_{i} & u_{i+1} & \cdots & yu_{i+k-1} \end{bmatrix}$$

```
avec j = N - 2i + 1
```

```
[m, N] = size(u); % nb entrées, durée
[p, Ny] = size(y);

j = N - 2*i + 1; % longueur des blocs

% Construction des matrices de Hankel
Up = hankel_blocks(u, i, j);
Yp = hankel_blocks(y, i, j);
Uf = hankel_blocks(u(:, i:N), i, j);
Yf = hankel_blocks(y(:, i:N), i, j);
```

Étape 3. Factorisation en valeurs singulières (SVD)

• On forme la matrice de Hankel combinée entréesortie :

$$Z = \begin{bmatrix} U_p \\ Y_p \end{bmatrix}$$

• Puis on fait la SVD:

$$Z = U \Sigma V^{\mathsf{T}}$$

• Les valeurs singulières significatives permettent de choisir l'ordre du modèle réduit (en regardant leur décroissance). % Projection orthogonale : orthogonaliser Yf par rapport à Up Z = [Up; Yp]; % matrice de données passées

$$[^{\sim}, ^{\sim}, V] = svd(Z, 'econ');$$

Étape 4. Estimation de l'espace des états observés

• On garde les (m+p)i premiers vecteurs de droite de V, qui forment une base orthonormée de l'espace image de Z. Ces vecteurs décrivent l'espace généré par les données passées.

$$L = V((m+p)i)$$

• On construit le projecteur orthogonal :

Proj =
$$I - LL^T$$

- qui permet de projeter n'importe quel vecteur orthogonalement à l'espace généré par \mathbb{Z} .
- Ce projecteur agit sur les colonnes (donc il est à droite dans les multiplications Yf * Proj)

```
[~, ~, V] = svd(Z, 'econ');
L = V(:, 1:(m + p) * i); % base
pour projection
Proj = eye(j) - L * L';
```

On projette les sorties futures Y_f orthogonalement au passé :

$$Y_f^{\perp} = Y_f \cdot \text{Proj}$$

Ce qui revient à éliminer la partie de Y_f qui est corrélée au passé, pour ne garder que l'information nouvelle (due aux états du système).

Puis on fait la SVD :

$$Y_f^{\perp} = U \Sigma V^{\top}$$

- On tronque U, Σ et V à l'ordre r
- On obtient la matrice d'observabilité tronquée :

$$\Gamma = U_r \, \Sigma_r^{1/2}$$

On obtient le vecteur des états :

$$X = \sum_{r}^{1/2} V_r^T$$

```
Yf ortho = Yf * Proj;
[U, S, V] = svd(Yf_ortho, 'econ');
U1 = U(:,1:r);
S1 = S(1:r,1:r);
V1 = V(:,1:r);
Gamma = U1 * sqrt(S1);
X = sqrt(S1) * V1';
```

Identification des matrices du modèle réduit

• On cherche les matrices A_r , B_r , C_r et D_r du modèle réduit :

$$\begin{cases} \hat{x}_{k+1} = A_r \hat{x}_k + B_r u_k \\ y_k = C_r \hat{x}_k + D_r u_k \end{cases}$$

- On utilise la méthode des moindres carrés :
- Pour estimer A_r et B_r on utilise la relation entre les états décalés dans le temps :

$$X_+ = A_r X + B_r U$$

avec X_+ l'état au pas suivant, X l'état actuel, et U l'entrée actuelle.

```
% Estimate the state-space
matrices
X1 = X(:, 1:end-1);
X2 = X(:, 2:end);
U1 = u(:, i : i + j - 2);
```

• En concaténant X et U dans une matrice $\mathbf{H} = \begin{bmatrix} X \\ U \end{bmatrix}$, on pose :

$$X_{+} = \begin{bmatrix} A_r & B_r \end{bmatrix} \begin{bmatrix} X \\ U \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} A_r & B_r \end{bmatrix} H$$

et on calcule :

$$[A_r \quad B_r] = X_+ (H^T H)^{-1} H^T$$

% Estimate the state-space matrices from least square H = [X1; U1]; AB = X2 * pinv(H); Ar = AB(:, 1:n); Br = AB(:, n+1:end);

• Pour estimer C_r et D_r , on utilise la relation sortie :

$$Y = C_r X + D_r U$$

Soit:

$$Y = \begin{bmatrix} C_r & D_r \end{bmatrix} \begin{bmatrix} X \\ U \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} C_r & D_r \end{bmatrix} H$$

• et on calcule :

$$[C_r \quad D_r] = Y (H^T H)^{-1} H^T$$

```
U1 = u(:, i : i + j - 1);

CD = y(:, i : i + j - 1) * pinv([X;

U1]);

Cr = CD(:, 1:n);

Dr = CD(:, n+1:end);
```

Comparaison des méthodes

Méthode	Avantages	Limites
Réduction modale	Intuitive, physique	Linéaire uniquement
POD	Basée données, efficace	Risque de sur-ajustement
Réduction équilibrée	Erreur bornée, stabilité	Calcul coûteux
Sous-espace	Identification directe	Sensible au bruit