

## Centro de Investigación en Matemáticas, A.C. Inferencia Estadística

#### Ayudantías de Modelos Estadísticos

José Miguel Saavedra Aguilar

#### 1. Introducción a Inferencia Estadística

#### 1.1. Ejemplo 1

Para una v.a.  $X \sim \exp$ , graficamos la función de densidad para distintas tasas  $\lambda = 5, 2, 0.5$ .

```
# Creamos un vector de 100 puntos en el soporte.
# En nuestro caso, tomamos de 0 a 10.
x <- seq(0, 10, length = 100)</pre>
```

```
# y es la función de densidad elegida evaluada en los puntos de x
# Para obtener la función de densidad, se toma "d"+nombre de la distribución,
# por ejemplo dnorm o dexp
y1 <- dexp(x, rate = 5)
y2 <- dexp(x, rate = 0.5)
y3 <- dexp(x, rate = 2)</pre>
```

Ahora, graficamos las respectivas funciones de distribución de X.

```
# f es la función de distribución asociada evaluada en los puntos de x
# Para obtener la función de densidad, se toma "p"+nombre de la distribución,
# por ejemplo pnorm o pexp.
f1 <- pexp(x, rate = 5)
f2 <- pexp(x, rate = 0.5)
f3 <- pexp(x, rate = 2)</pre>
```

Para  $\lambda = 0.5$ , simulamos una muestra aleatoria de tamaño n = 100 datos de X.

```
# Tomamos n=100 y simulamos n datos pseudoaleatorios de la distribución elegida # Para obtener los datos aleatorios, se toma "r"+nombre de la distribución, # por ejemplo rnorm o rexp n <- 100 z <- rexp(n, rate = 0.5)
```

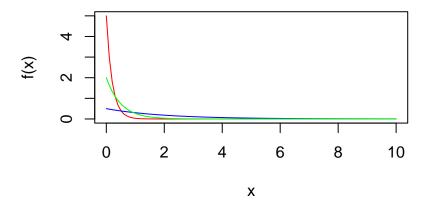


Figura 1: Densidad de una v.a. exponencial para distintas medias

Ordenamos los puntos simulados en  $x_{(1)}, x_{(2)}, \dots, x_{(n)}$ . Les asociamos  $k_i$  definido por

$$k_i = \frac{i}{n+1} \tag{1}$$

```
#Ahora vamos a ordenar los datos como indica la tarea.
z2 <- sort(z)
# Inicializamos k =i/n+1
k <- numeric()

for (i in 1:n) {
    k[i] <- i / (n + 1)
}</pre>
```

Para conocer más sobre la función de distribución empírica, pueden consultar Wikipedia.

## 2. Ejemplos de Knitr

Se ejemplifica el uso de knitr. Es recomendable consultar el libro de Yihui Xie [2] para mayor información.

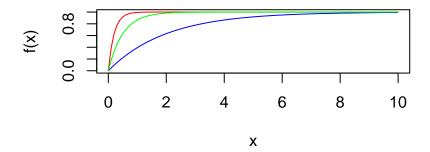


Figura 2: Distribución exponencial para distintas medias

### 2.1. Ejemplo 2

Una variable aleatoria discreta X tiene función de masa de probabilidad:

## Histogram of z

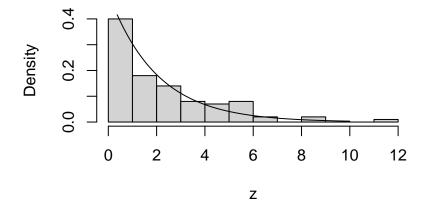


Figura 3: Histograma de una m.a. Exponencial con  $\lambda=0.5$ 

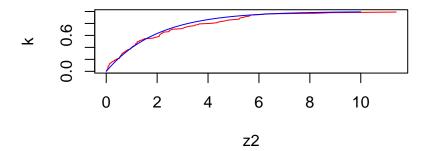


Figura 4: Comparación entre la función de densidad empírica y la teórica a partir de la muestra

Utilicen el teorema de la transformación inversa para generar una muestra aleatoria de tamaño 1000 de la distribución de X. Construyan una tabla de frecuencias relativas y comparen las probabilidades empíricas con las teóricas. Repitan considerando la función de R sample.

```
#Ejemplo 2
set.seed(157017)
prob \leftarrow c(.1, 0.3, 0.5, 0.7, 1)
frec <- findInterval(runif(1000), prob)</pre>
table(frec) / 1000
## frec
       0
             1
                    2
                          3
## 0.125 0.168 0.224 0.185 0.298
set.seed(157017)
frecSample <- sample(x = 0:4, size = 1000, replace = TRUE,</pre>
                      prob = c(0.1, 0.2, 0.2, 0.2, 0.3))
table(frecSample) / 1000
## frecSample
       0
                    2
                          3
             1
## 0.103 0.195 0.224 0.185 0.293
```

#### 2.2. Ejemplo 3

Obtengan una muestra de 10,000 números de la siguiente distribución discreta:

$$p(x) = \frac{2x}{k(k+1)}, x = 1, 2, \dots, k$$

para k = 100

```
#Ejemplo 3
p <- function(n) {
  values <- sample(1:100, n, replace = TRUE)
  prob <- (2 * values) / (100 * 101)
  return(prob)
}
head(p(10000), n = 30)

## [1] 0.0091089109 0.0172277228 0.0106930693 0.0011881188 0.0112871287
## [6] 0.0164356436 0.0001980198 0.0065346535 0.0196039604 0.0061386139
## [11] 0.0116831683 0.0108910891 0.0106930693 0.0194059406 0.0077227723
## [16] 0.0108910891 0.0186138614 0.0186138614 0.0182178218 0.0003960396
## [21] 0.0091089109 0.0142574257 0.0166336634 0.0172277228 0.0081188119
## [26] 0.0037623762 0.0011881188 0.0196039604 0.0061386139 0.0150495050</pre>
```

#### 2.3. Ejemplo 4

Una compañía de seguros tiene 1000 asegurados, cada uno de los cuales presentará de manera independiente una reclamación en el siguiente mes con probabilidad p=0.09245. Suponiendo que las cantidades de los reclamos hechos son variables aleatorias Gamma(7000,1), hagan simulación para estimar la probabilidad de que la suma de los reclamos exceda \$500,000.

```
#Ejemplo 4
mayor <- 0
for (i in 1:10000){
   reclamaciones <- sum(rbinom(1000, 1, 0.09245))
   montos <- sum(rgamma(reclamaciones, 7000, 1))
   if (montos > 500000) {
      mayor <- mayor + 1
   }
}
mayor / 10000</pre>
## [1] 0.9897
```

#### 3. Tarea 3

#### 3.1. Ejercicio 1

Simula las siguientes muestras Poisson, todas con  $\lambda=3$ , pero de distintos tamaños, n=10,20,40,80,200. Para cada muestra de estas tres calcula los tres estimadores de momentos dados en las notas en la pág. 3,  $\lambda_1$ ,  $\lambda_2$  y  $\lambda_3$ .

```
est1 <- function(x) {
    mean(x)
}

est2 <- function(x) {
    n <- length(x)
    sum((x - mean(x))^2) / n
}

est3 <- function(x) {
    n <- length(x)
    -0.5 + sqrt(.25 + sum(x^2) / n)
}</pre>
```

```
## [1] " n | est1, est2, est3"

## [1] " 10 | 2.900, 2.690, 2.869"

## [1] " 20 | 2.900, 3.690, 3.014"

## [1] " 40 | 3.025, 2.774, 2.989"

## [1] " 80 | 3.188, 3.152, 3.183"

## [1] "200 | 3.140, 3.770, 3.226"
```

#### 3.2. Ejercicio 2

Simula una muestra de n=15 variables aleatorias independientes  $X_1,...,X_n$ , idénticamente distribuidas como normales con media  $\mu=60$  y parámetro de escala $\sigma=5$ .

```
n1 <- 15
x1 <- rnorm(n1, mean = 60, sd = 5)
k1 <- 1:n1 / (n1)
```

Calcula los estimadores de momentos de  $\mu$  y  $\sigma$  basados en ecuaciones de los primeros dos momentos, los primeros no centrados y los segundos momentos centrados. Denota a estos estimadores como  $\hat{\mu}$ y  $\hat{\sigma}$ .

```
estMu <- function(x) {
    mean(x)
}

estSigma <- function(x) {
    n <- length(x)
    sqrt(sum((x - mean(x))^2) / n)
}

mu1 <- estMu(x1)
sigma1 <- estSigma(x1)
k1 <- 1 : n1 / (n1)</pre>
```

En una misma figura, grafica la función de distribución teórica con línea continua, la distribución estimada con guiones y la función de distribución empírica, graficando puntos de las siguientes coordenadas

$$\left(x_i, \frac{i}{n+1}\right)$$

para i = 1, ..., n.

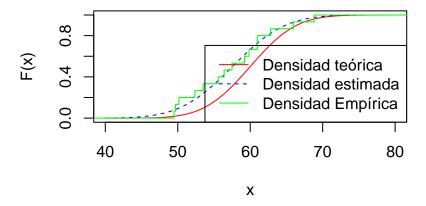


Figura 5: Funciones de distribución teórica, empírica y estimada,  $n=15\,$ 

Repite lo mismo pero ahora para n = 30 y luego para n = 100.

```
mu2 <- estMu(x2)
sigma2 <- estSigma(x2)
mu3 <- estMu(x3)</pre>
```

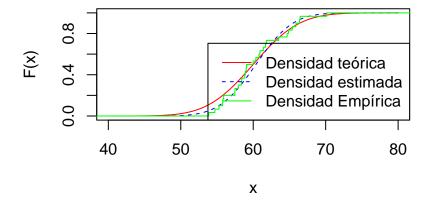


Figura 6: Funciones de distribución teórica, empírica y estimada,  $n=30\,$ 

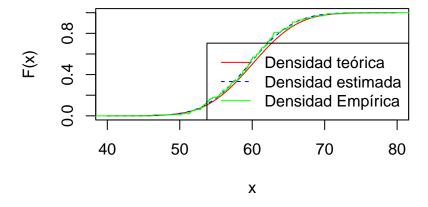


Figura 7: Funciones de distribución teórica, empírica y estimada, n=100

#### 4. Bootstrap no paramétrico

Para esta ayudantía, nos basamos en el libro [1]. Haremos bootstrap no paramétrico para estimar los cuantiles 0.025 y 0.975 de una v.a. exponencial. Sea  $X \sim \exp(\lambda = 5)$ . Iniciamos con una muestra aleatoria de X con n = 300.

```
n <- 300
lambda <- 5
x <- rexp(300, rate = lambda)</pre>
```

Para el bootstrap, tomaremos K=100 muestras de tamaño m=30, de las cuales obtendremos el cuantil empírico  $0.025\ q_1^k$  y  $0.975\ q_2^k$ .

```
r <- mean(x)
k <- 100
m <- 30
q1 <- 0.025
q2 <- 0.975

q1Est <- numeric(k)
q2Est <- numeric(k)

for (i in 1:k){
    z <- sample(x,size = m, replace = FALSE)
    q1Est[i] <- quantile(z,q1)
    q2Est[i] <- quantile(z,q2)
}</pre>
```

Finalmente, mostramos la estimación de la media y la desviación estándar de los cuantiles  $\overline{q_1}$ ,  $\overline{q_2}$ , sd  $(q_1)$ , sd  $(q_2)$  obtenida por bootstrap no paramétrico.

```
Q1 <- mean(q1Est)
Q2 <- mean(q2Est)

S1 <- sd(q1Est)
S2 <- sd(q2Est)

print(sprintf("La media del cuantil %1.3f es %2.3f", q1, Q1))

## [1] "La media del cuantil 0.025 es 0.014"

print(sprintf("La media del cuantil %1.3f es %2.3f", q2, Q2))

## [1] "La media del cuantil 0.975 es 0.679"
```

```
print(sprintf("La desviación estándar del cuantil %1.3f es %2.3f", q1, S1))
## [1] "La desviación estándar del cuantil 0.025 es 0.009"
print(sprintf("La desviación estándar del cuantil %1.3f es %2.3f", q2, S2))
## [1] "La desviación estándar del cuantil 0.975 es 0.176"
```

## 5. Bootstrap paramétrico

Haremos bootstrap paramétrico para estimar el cuantil 0.025 y 0.975 de una muestra exponencial. Sea  $X \sim \exp(\lambda = 5)$ . Recordemos

$$\mathbb{E}\left[X\right] = \frac{1}{\lambda}$$

Por lo que el estimador de  $\lambda$  por el método de momentos es:

$$\hat{\lambda} = \frac{1}{\mathbb{E}[X]} \tag{2}$$

Iniciamos con una muestra aleatoria de X con n=300.

```
n <- 300
lambda <- 5
x <- rexp(300, rate = lambda)</pre>
```

Para el bootstrap, tomaremos K=100 muestras de tamaño m=30, de las cuales obtendremos el estimador por el método de momentos de cada muestra  $\hat{\lambda}_k$ , para posteriormente encontrar los cuantiles teórico  $0.025~q_1^k~y~0.975~q_2^k$ ..

```
r <- mean(x)
k <- 100
m <- 30
q1 <- 0.025
q2 <- 0.975

q1Est <- numeric(k)
q2Est <- numeric(k)

for (i in 1:k){
    z <- rexp(m, rate = 1 / r)
    rBoot <- mean(z)</pre>
```

```
q1Est[i] <- qexp(q1, rate = 1 / rBoot)
q2Est[i] <- qexp(q2, rate = 1 / rBoot)
}</pre>
```

Finalmente, mostramos la estimación de la media y la desviación estándar de los cuantiles  $\overline{q_1}$ ,  $\overline{q_2}$ , sd  $(q_1)$ , sd  $(q_2)$  obtenida por bootstrap paramétrico.

```
Q1 <- mean(q1Est)
Q2 <- mean(q2Est)
S1 <- sd(q1Est)
S2 <- sd(q2Est)
print(sprintf("La media del cuantil %1.3f es %2.3f", q1, Q1))
## [1] "La media del cuantil 0.025 es 0.005"
print(sprintf("La media del cuantil %1.3f es %2.3f", q2, Q2))
## [1] "La media del cuantil 0.975 es 0.753"
print(sprintf("La desviación estándar del cuantil %1.3f es %2.3f", q1, S1))
## [1] "La desviación estándar del cuantil %1.3f es %2.3f", q2, S2))
## [1] "La desviación estándar del cuantil %1.3f es %2.3f", q2, S2))
## [1] "La desviación estándar del cuantil %1.3f es %2.3f", q2, S2))</pre>
```

# 6. Intervalos de confianza a partir de bootstrap paramétrico

Haremos bootstrap paramétrico para estimar intervalos del 95 % de confianza de los cuantiles 0.025 y 0.975 de una muestra exponencial. Sea  $X \sim \exp(\lambda = 5)$ . Recordemos

$$\mathbb{E}\left[X\right] = \frac{1}{\lambda}$$

Por lo que el estimador de  $\lambda$  por el método de momentos es:

$$\hat{\lambda} = \frac{1}{\mathbb{E}[X]} \tag{3}$$

Iniciamos con una muestra aleatoria de X con n = 300.

```
n <- 300
lambda <- 5
x <- rexp(300, rate = lambda)</pre>
```

Para el bootstrap, tomaremos K=100 muestras de tamaño m=30, de las cuales obtendremos el estimador por el método de momentos de cada muestra  $\hat{\lambda}_k$ , para posteriormente encontrar los cuantiles teórico 0.025  $q_1^k$  y 0.975  $q_2^k$ ..

```
r <- mean(x)
k <- 100
m <- 30
q1 <- 0.025
q2 <- 0.975

q1Est <- numeric(k)
q2Est <- numeric(k)

for (i in 1:k){
    z <- rexp(m, rate = 1 / r)
    rBoot <- mean(z)
    q1Est[i] <- qexp(q1, rate = 1 / rBoot)
    q2Est[i] <- qexp(q2, rate = 1 / rBoot)
}</pre>
```

Ahora, mostramos los intervalos de confianza por el método normal de los cuantiles  $\overline{q_1}$ ,  $\overline{q_2}$ , sd  $(q_1)$ , sd  $(q_2)$  obtenidos por bootstrap paramétrico.

```
Q1 <- mean(q1Est)
Q2 <- mean(q2Est)

S1 <- sd(q1Est)  # R uses ddof=1 by default for unbiased standard deviation
S2 <- sd(q2Est)

T1L <- Q1 - S1 * qnorm(0.975)
T1R <- Q1 + S1 * qnorm(0.975)

T2L <- Q2 - S2 * qnorm(0.975)

T2R <- Q2 + S2 * qnorm(0.975)

q1_real <- qexp(q1, rate = lambda)</pre>
```

```
q2_real <- qexp(q2, rate = lambda)
print("Por el método normal:")
## [1] "Por el método normal:"
print(sprintf("El intervalo de confianza para el cuantil %.3f es (%.5f, %.5f)", q1, T1L, T1R))
## [1] "El intervalo de confianza para el cuantil 0.025 es (0.00303, 0.00637)"
if (T1L < q1_real && q1_real < T1R) {</pre>
 print(sprintf("El cuantil %.3f está en el intervalo de confianza", q1))
} else {
 print(sprintf("El cuantil %.3f no está en el intervalo de confianza", q1))
## [1] "El cuantil 0.025 está en el intervalo de confianza"
print(sprintf("El intervalo de confianza para el cuantil %.3f es (%.5f, %.5f)", q2, T2L, T2R))
## [1] "El intervalo de confianza para el cuantil 0.975 es (0.44117, 0.92873)"
if (T2L < q2_real && q2_real < T2R) {</pre>
  print(sprintf("El cuantil %.3f está en el intervalo de confianza", q2))
} else {
  print(sprintf("El cuantil %.3f no está en el intervalo de confianza", q2))
## [1] "El cuantil 0.975 está en el intervalo de confianza"
```

Finalmente, mostramos los intervalos de confianza por el método pivotal de los cuantiles  $\overline{q_1}$ ,  $\overline{q_2}$ , sd  $(q_1)$ , sd  $(q_2)$  obtenidos por bootstrap paramétrico.

```
q1_N <- qexp(q1, rate = 1 / r)
q2_N <- qexp(q2, rate = 1 / r)

q1_R <- quantile(q1Est, 0.025)
q1_L <- quantile(q1Est, 0.975)
q2_R <- quantile(q2Est, 0.025)
q2_L <- quantile(q2Est, 0.975)</pre>
```

```
P1L <- 2 * q1_N - q1_L
P1R <- 2 * q1_N - q1_R
P2L \leftarrow 2 * q2_N - q2_L
P2R \leftarrow 2 * q2_N - q2_R
print("Por el método pivotal:")
## [1] "Por el método pivotal:"
print(sprintf("El intervalo de confianza para el cuantil %.3f es (%.5f, %.5f)", q1, P1L, P1R))
## [1] "El intervalo de confianza para el cuantil 0.025 es (0.00273, 0.00601)"
if (P1L < q1_real && q1_real < P1R) {</pre>
 print(sprintf("El cuantil %.3f está en el intervalo de confianza", q1))
} else {
  print(sprintf("El cuantil %.3f no está en el intervalo de confianza", q1))
## [1] "El cuantil 0.025 está en el intervalo de confianza"
print(sprintf("El intervalo de confianza para el cuantil %.3f es (%.5f, %.5f)", q2, P2L, P2R))
## [1] "El intervalo de confianza para el cuantil 0.975 es (0.39764, 0.87631)"
if (P2L < q2_real && q2_real < P2R) {</pre>
 print(sprintf("El cuantil %.3f está en el intervalo de confianza", q2))
} else {
  print(sprintf("El cuantil %.3f no está en el intervalo de confianza", q2))
## [1] "El cuantil 0.975 está en el intervalo de confianza"
```

#### Referencias

- [1] L. Wasserman, All of Statistics. Springer New York, 2004. [Online]. Available: https://doi.org/10.1007/978-0-387-21736-9
- [2] Y. Xie, Dynamic Documents with R and knitr, Second Edition, 2nd ed., ser. Chapman & Hall/CRC The R Series. Philadelphia, PA: Chapman & Hall/CRC, Jun. 2015.