

Diseño de Experimentos

Diseños completamente aleatorizados DCA: Introducción

UTB

Universidad Tecnológica de Bolívar

Posgrado UTB 2022



- *Identificar dentro de la familia de los diseños experimentales con un sólo factor, aquellos utilizados para comparar tratamientos, construyendo sus modelos estadísticos y su Anova para probar las hipótesis respectivas y validar los supuestos del modelo propuesto.*



- *Identificar dentro de la familia de los diseños experimentales con un sólo factor, aquellos utilizados para comparar tratamientos, construyendo sus modelos estadísticos y su Anova para probar las hipótesis respectivas y validar los supuestos del modelo propuesto.*



- *Diferenciar las diferentes pruebas de rangos múltiples en diseños de experimentos con un sólo factor.*

Experimentos con un solo factor



- En este tipo de diseño se considera un *sólo factor de interés* y el objetivo es:

Experimentos con un solo factor



- En este tipo de diseño se considera un *sólo factor de interés* y el objetivo es:



- *Comparar más de dos tratamientos (niveles del factor), con el fin de elegir la mejor alternativa (mejor tratamiento) que conduzca a optimizar una característica de calidad o variable respuesta (Y)*

Experimentos con un solo factor



- En este tipo de diseño se considera un *sólo factor de interés* y el objetivo es:



- *Comparar más de dos tratamientos (niveles del factor), con el fin de elegir la mejor alternativa (mejor tratamiento) que conduzca a optimizar una característica de calidad o variable respuesta (Y)*



- *La comparación se hace con las medias poblacionales de los tratamientos con respecto a la variable respuesta Y.*

Experimentos con un solo factor



- *Suponga que el factor de estudio tiene k niveles o tratamientos.*

Experimentos con un solo factor



- *Suponga que el factor de estudio tiene k niveles o tratamientos.*



- *La hipótesis fundamental a probar cuando se comparan los k tratamientos es:*

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_k = \mu$$

$$H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j.$$

Experimentos con un solo factor



- *Suponga que el factor de estudio tiene k niveles o tratamientos.*



- *La hipótesis fundamental a probar cuando se comparan los k tratamientos es:*

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_k = \mu$$

$$H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j.$$



- *Con la cual se quiere decidir si los tratamientos son estadísticamente iguales de efectivos en cuanto a sus medias poblacionales, contra la alternativa de que al menos dos de ellos tienen efectos diferentes.*

Experimentos con un solo factor



- *Para resolver este problema se obtiene una muestra representativa de mediciones en cada uno de los tratamientos con base: en las medias y varianzas muestrales,*

Experimentos con un solo factor



- *Para resolver este problema se obtiene una muestra representativa de mediciones en cada uno de los tratamientos con base: en las medias y varianzas muestrales,*



- *y se construye un estadístico de prueba para decidir el resultado de dicha comparación.*

Experimentos con un solo factor



- *Para resolver este problema se obtiene una muestra representativa de mediciones en cada uno de los tratamientos con base: en las medias y varianzas muestrales,*



- *y se construye un estadístico de prueba para decidir el resultado de dicha comparación.*
 - *Si no se rechaza H_0 , se concluye que no hay diferencia estadística significativa entre los tratamientos en sus niveles medios con respecto a la variable respuesta (Y).*

Experimentos con un solo factor



- *Para resolver este problema se obtiene una muestra representativa de mediciones en cada uno de los tratamientos con base: en las medias y varianzas muestrales,*



- *y se construye un estadístico de prueba para decidir el resultado de dicha comparación.*
 - *Si no se rechaza H_0 , se concluye que no hay diferencia estadística significativa entre los tratamientos en sus niveles medios con respecto a la variable respuesta (Y).*
 - *Si se rechaza H_0 , se concluye que al menos un par de los tratamientos son diferentes entre sí,*

Experimentos con un solo factor



- *Para resolver este problema se obtiene una muestra representativa de mediciones en cada uno de los tratamientos con base: en las medias y varianzas muestrales,*



- *y se construye un estadístico de prueba para decidir el resultado de dicha comparación.*
 - *Si no se rechaza H_0 , se concluye que no hay diferencia estadística significativa entre los tratamientos en sus niveles medios con respecto a la variable respuesta (Y).*
 - *Si se rechaza H_0 , se concluye que al menos un par de los tratamientos son diferentes entre sí,*
 - *y faltaría investigar precisamente cuales de ellos son los causantes de las diferencias detectadas.*

Familia de diseños para comparar tratamientos



- *Los diseños experimentales más utilizados para comparar tratamientos son:*

Familia de diseños para comparar tratamientos



- *Los diseños experimentales más utilizados para comparar tratamientos son:*



- *Diseño completos al azar (DCA)*

Familia de diseños para comparar tratamientos



- *Los diseños experimentales más utilizados para comparar tratamientos son:*







- *Diseño completos al azar (DCA)*



- *Diseño en bloque completos al azar (DBCA)*

Familia de diseños para comparar tratamientos

-  *Los diseños experimentales más utilizados para comparar tratamientos son:*

-  *Diseño completos al azar (DCA)*
-  *Diseño en bloque completos al azar (DBCA)*
-  *Diseño en cuadro latino (DCL)*

Familia de diseños para comparar tratamientos



- *Los diseños experimentales más utilizados para comparar tratamientos son:*



- *Diseño completos al azar (DCA)*



- *Diseño en bloque completos al azar (DBCA)*



- *Diseño en cuadro latino (DCL)*



- *Diseño en cuadro grecolatino (DCGL)*

Familia de diseños para comparar tratamientos



- *Los diseños experimentales más utilizados para comparar tratamientos son:*



- *Diseño completos al azar (DCA)*



- *Diseño en bloque completos al azar (DBCA)*



- *Diseño en cuadro latino (DCL)*



- *Diseño en cuadro grecolatino (DCGL)*



- *Se diferencian en el número de factores de bloque que incorporan o controlan de forma explícita durante el experimento.*

Familia de diseños para comparar tratamientos



Tabla 1. Diseños de experimentos con un sólo factor

Diseño	Factores de bloqueo	ANOVA con	Modelo estadístico
DCA	0	un criterio	$Y_i = \mu + \tau_i + \varepsilon_i$
DBCA	1	dos criterios	$Y_{ij} = \mu + \tau_i + \gamma_j + \varepsilon_{ij}$
DCL	2	tres criterios	$Y_{ijk} = \mu + \tau_i + \gamma_j + \delta_k + \varepsilon_{ijk}$
DCGL	3	cuatro criterios	$Y_{ijkl} = \mu + \tau_i + \gamma_j + \delta_k + \varphi_l + \varepsilon_{ijkl}$

Familia de diseños para comparar tratamientos



Las hipótesis a probar son:

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_k = \mu$$

$$H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$

Familia de diseños para comparar tratamientos



Las hipótesis a probar son:

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_k = \mu$$

$$H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$



Se usa la técnica estadística llamada Analisis de Varianza (ANOVA) con uno, dos, tres o cuatro criterios de clasificación, dependiendo del número de factores de bloques incorporados al diseño para probar la hipótesis.

Familia de diseños para comparar tratamientos



- *Las hipótesis a probar son:*

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_k = \mu$$

$$H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$



- *Se usa la técnica estadística llamada Analisis de Varianza (ANOVA) con uno, dos, tres o cuatro criterios de clasificación, dependiendo del número de factores de bloques incorporados al diseño para probar la hipótesis.*



- *Los diseños tienen almenos dos fuentes de variabilidad: los tratamientos o niveles del factor de interés y el error aleatorio. Se agrega una nueva fuente de variabilidad por cada factor de bloque que se controla directamente.*



- **Aditividad:** *los factores o componentes del modelo estadístico son aditivos, es decir, la variable respuesta es la suma de los efectos del modelo estadístico.*

Supuestos acerca del modelo estadístico



- **Aditividad:** *los factores o componentes del modelo estadístico son aditivos, es decir, la variable respuesta es la suma de los efectos del modelo estadístico.*



- **Linealidad:** *la relación existente entre los factores o componentes del modelo estadístico es del tipo lineal.*

Supuestos acerca del modelo estadístico



- **Aditividad:** *los factores o componentes del modelo estadístico son aditivos, es decir, la variable respuesta es la suma de los efectos del modelo estadístico.*



- **Linealidad:** *la relación existente entre los factores o componentes del modelo estadístico es del tipo lineal.*



- **Normalidad:** *los valores resultado del experimento provienen de una distribución de probabilidad Normal con media μ y variancia (finita) σ^2 .*



- **Independencia:** *los resultados observados en el experimento son independientes entre sí.*



- **Independencia:** *los resultados observados en el experimento son independientes entre sí.*



- **Variancias Homogéneas (Homocedasticidad):** *las diversas poblaciones generadas por la aplicación de dos o más tratamientos tienen variancias homogéneas (variancia común).*

-  El modelo estadístico para el diseño DCA


$$\begin{aligned} Y_i &= \mu_i + \varepsilon_i \\ &= \mu + \tau_i + \varepsilon_i, \quad i = 1, 2, \dots, K \end{aligned}$$

revela las creencias respecto a la relación entre los tratamientos y las observaciones (H_1)

-  El modelo estadístico para el diseño DCA

$$\begin{aligned} Y_i &= \mu_i + \varepsilon_i \\ &= \mu + \tau_i + \varepsilon_i, \quad i = 1, 2, \dots, K \end{aligned}$$

revela las creencias respecto a la relación entre los tratamientos y las observaciones (H_1)

-  Si no hay diferencias entre las medias de los tratamientos se usa el modelo

$$Y_i = \mu + \varepsilon_i, \quad i = 1, 2, \dots, K$$

que establece que todas las observaciones pertenecen a la misma población con media μ (H_0)

Diseño completamente al azar DCA



- Todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo sin ninguna restricción.

Diseño completamente al azar DCA



- Todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo sin ninguna restricción.



- En un DCA se tienen K poblaciones o tratamientos, independientes y con medias desconocidas $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_K$, y varianzas también desconocidas pero que se suponen iguales $\sigma_1^2, \sigma_2^2, \dots, \sigma_K^2$ ($= \sigma^2$)

Diseño completamente al azar DCA



- Todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo sin ninguna restricción.



- En un DCA se tienen K poblaciones o tratamientos, independientes y con medias desconocidas $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_K$, y varianzas también desconocidas pero que se suponen iguales $\sigma_1^2, \sigma_2^2, \dots, \sigma_K^2$ ($= \sigma^2$)



- Las población pueden ser:

Diseño completamente al azar DCA



- Todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo sin ninguna restricción.



- En un DCA se tienen K poblaciones o tratamientos, independientes y con medias desconocidas $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_K$, y varianzas también desconocidas pero que se suponen iguales $\sigma_1^2, \sigma_2^2, \dots, \sigma_K^2$ ($= \sigma^2$)



- Las población pueden ser:
 - K métodos de producción,

Diseño completamente al azar DCA



- Todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo sin ninguna restricción.



- En un DCA se tienen K poblaciones o tratamientos, independientes y con medias desconocidas $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_K$, y varianzas también desconocidas pero que se suponen iguales $\sigma_1^2, \sigma_2^2, \dots, \sigma_K^2$ ($= \sigma^2$)



- Las población pueden ser:
 - K métodos de producción,
 - K tratamientos,

Diseño completamente al azar DCA



- Todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo sin ninguna restricción.



- En un DCA se tienen K poblaciones o tratamientos, independientes y con medias desconocidas $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_K$, y varianzas también desconocidas pero que se suponen iguales $\sigma_1^2, \sigma_2^2, \dots, \sigma_K^2$ ($= \sigma^2$)



- Las población pueden ser:
 - K métodos de producción,
 - K tratamientos,
 - K grupos, etc.

Diseño completamente al azar DCA



- Los datos generados por un DCA para comparar dichas poblaciones, se pueden escribir como en la tabla 2.

Diseño completamente al azar DCA



- Los datos generados por un DCA para comparar dichas poblaciones, se pueden escribir como en la tabla 2.



- El elemento Y_{ij} es la j -ésima observación que se hizo en el tratamiento i ; n_i son las repeticiones observadas en el tratamiento i .



Tabla 2. Tratamientos				
T_1	T_2	T_3	\dots	T_K
Y_{11}	Y_{21}	Y_{31}	\dots	Y_{K1}
Y_{12}	Y_{22}	Y_{32}	\dots	Y_{K2}
Y_{13}	Y_{23}	Y_{33}	\dots	Y_{K3}
\vdots	\vdots	\vdots	\vdots	\vdots
Y_{1n_1}	Y_{2n_2}	Y_{3n_3}	\dots	Y_{Kn_K}

(1)



- El nombre de análisis de varianza (ANOVA) viene del hecho de que se utilizan cocientes de varianzas para probar la hipótesis de igualdad de medias.



- El nombre de análisis de varianza (ANOVA) viene del hecho de que se utilizan cocientes de varianzas para probar la hipótesis de igualdad de medias.
- La variación total se separa en dos partes:



- El nombre de análisis de varianza (ANOVA) viene del hecho de que se utilizan cocientes de varianzas para probar la hipótesis de igualdad de medias.
- La variación total se separa en dos partes:
 - la variabilidad debida a los *tratamientos* y



- El nombre de análisis de varianza (ANOVA) viene del hecho de que se utilizan cocientes de varianzas para probar la hipótesis de igualdad de medias.
- La variación total se separa en dos partes:
 - la variabilidad debida a los *tratamientos* y
 - la debida al *error*.



- El nombre de análisis de varianza (ANOVA) viene del hecho de que se utilizan cocientes de varianzas para probar la hipótesis de igualdad de medias.
- La variación total se separa en dos partes:
 - la variabilidad debida a los *tratamientos* y
 - la debida al *error*.
- Si la primera predomina “claramente” sobre la segunda se concluye que los tratamientos tienen efecto (las medias son diferentes).

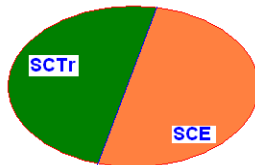


- El nombre de análisis de varianza (ANOVA) viene del hecho de que se utilizan cocientes de varianzas para probar la hipótesis de igualdad de medias.
- La variación total se separa en dos partes:
 - la variabilidad debida a los *tratamientos* y
 - la debida al *error*.
- Si la primera predomina “claramente” sobre la segunda se concluye que los tratamientos tienen efecto (las medias son diferentes).
- Si los tratamientos contribuyen igual o menos que el error, se concluye que las medias son iguales (ver Figura 1).

Diseño completamente al azar DCA



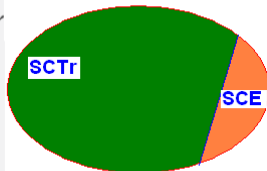
No hay efecto de los tratamientos



$$SCT = SCTr + SCE$$



Hay efecto de los tratamientos



$$SCT = SCTr + SCE$$

Diseño completamente al azar DCA

- Las cantidades de interés son las siguientes:


- Las cantidades de interés son las siguientes:
 - $Y_{i.}$ = Suma de las observaciones del i -ésimo tratamiento.

- Las cantidades de interés son las siguientes:
 - $Y_{i.}$ = Suma de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $\overline{Y}_{i.}$ = Media de las observaciones del i -ésimo tratamiento.

- Las cantidades de interés son las siguientes:
 - $Y_{i.}$ = Suma de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $\overline{Y}_{i.}$ = Media de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $Y_{..}$ = Suma o total de las $N = n_1 + n_2 + \cdots + n_K$ observaciones.

- Las cantidades de interés son las siguientes:
 - $Y_{i.}$ = Suma de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $\overline{Y}_{i.}$ = Media de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $Y_{..}$ = Suma o total de las $N = n_1 + n_2 + \cdots + n_K$ observaciones.
 - $\overline{Y}_{..}$ = Media global o promedio de todas las observaciones.

- Las cantidades de interés son las siguientes:
 - $Y_{i.}$ = Suma de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $\bar{Y}_{i.}$ = Media de las observaciones del i -ésimo tratamiento.
 - $Y_{..}$ = Suma o total de las $N = n_1 + n_2 + \dots + n_K$ observaciones.
 - $\bar{Y}_{..}$ = Media global o promedio de todas las observaciones.
- Note que el punto indica la suma sobre el correspondiente subíndice.


$$Y_{i.} = \sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}; \quad \bar{Y}_{i.} = \frac{\sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}}{n_i}; \quad Y_{..} = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}; \quad \bar{Y}_{..} = \frac{Y_{..}}{N} \quad (2)$$

- El objetivo es probar las hipótesis de igualdad de respuestas medias dadas por:



$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_K = \mu$$

$$H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$

(3)

ANOVA en el DCA

- El objetivo es probar las hipótesis de igualdad de respuestas medias dadas por:



$$\begin{aligned} H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_K = \mu \\ H_1 : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j \end{aligned} \quad (3)$$

- o en forma equivalente



$$\begin{aligned} H_0 : \tau_1 = \tau_2 = \cdots = \tau_K = 0 \\ H_1 : \tau_i \neq 0, \quad \text{para algún } i \end{aligned} \quad (4)$$

ANOVA en el DCA

- El objetivo es probar las hipótesis de igualdad de respuestas medias dadas por:



$$\begin{aligned} H_0 &: \mu_1 = \mu_2 = \cdots = \mu_K = \mu \\ H_1 &: \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j \end{aligned} \quad (3)$$

- o en forma equivalente



$$\begin{aligned} H_0 &: \tau_1 = \tau_2 = \cdots = \tau_K = 0 \\ H_1 &: \tau_i \neq 0, \quad \text{para algún } i \end{aligned} \quad (4)$$

- τ_i : efecto medio del i -ésimo tratamiento sobre la variable respuesta.

- El objetivo es probar las hipótesis de igualdad de respuestas medias dadas por:



$$\begin{aligned} H_0 : \mu_1 &= \mu_2 = \cdots = \mu_K = \mu \\ H_1 : \mu_i &\neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j \end{aligned} \quad (3)$$

- o en forma equivalente

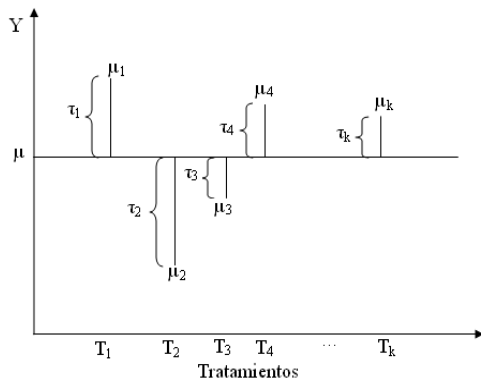



$$\begin{aligned} H_0 : \tau_1 &= \tau_2 = \cdots = \tau_K = 0 \\ H_1 : \tau_i &\neq 0, \quad \text{para algún } i \end{aligned} \quad (4)$$

- τ_i : efecto medio del i -ésimo tratamiento sobre la variable respuesta.
- Si se acepta H_0 se confirma que los efectos sobre la respuesta de los k tratamientos son estadísticamente nulos y en caso de rechazar se estaría concluyendo que al menos un efecto es diferente de cero.



Figura 2 Representación de los efectos de tratamientos en el DCA



-  Para probar las hipótesis dada por (3) o (4) mediante ANOVA se decompone la variabilidad total de los datos en sus dos componentes: la debida a *tratamientos* y al *error aleatorio*

$$SCT = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{..})^2 = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}^2 - \frac{Y_{..}^2}{N}$$

donde $Y_{..}$ es la suma de los $N = \sum_{i=1}^K n_i$ datos del experimento.

- Sumando y restando adentro del paréntesis la media del i -ésimo tratamiento ($\overline{Y}_{i.}$) y desarrollando el cuadrado se tiene:

- Sumando y restando adentro del paréntesis la media del i -ésimo tratamiento $(\bar{Y}_{i.})$ y desarrollando el cuadrado se tiene:

-

$$SCT = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} [(Y_{ij} - \bar{Y}_{i.}) + (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})]^2$$

- Sumando y restando adentro del paréntesis la media del i -ésimo tratamiento $(\bar{Y}_{i.})$ y desarrollando el cuadrado se tiene:

- $$SCT = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} [(Y_{ij} - \bar{Y}_{i.}) + (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})]^2$$

- $$SCT = \sum_{i=1}^K n_i (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})^2 + \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{i.})^2$$

- Sumando y restando adentro del paréntesis la media del i -ésimo tratamiento $(\bar{Y}_{i.})$ y desarrollando el cuadrado se tiene:

- $$SCT = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} [(Y_{ij} - \bar{Y}_{i.}) + (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})]^2$$

- $$SCT = \sum_{i=1}^K n_i (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})^2 + \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{i.})^2$$

- $$SCT = \left(\sum_{i=1}^K \frac{Y_{i.}^2}{n_i} - \frac{Y_{..}^2}{N} \right) + \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{i.})^2 \quad (5)$$

- Sumando y restando adentro del paréntesis la media del i -ésimo tratamiento ($\bar{Y}_{i.}$) y desarrollando el cuadrado se tiene:

- $$SCT = \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} [(Y_{ij} - \bar{Y}_{i.}) + (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})]^2$$

- $$SCT = \sum_{i=1}^K n_i (\bar{Y}_{i.} - \bar{Y}_{..})^2 + \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{i.})^2$$

- $$SCT = \left(\sum_{i=1}^K \frac{Y_{i.}^2}{n_i} - \frac{Y_{..}^2}{N} \right) + \sum_{i=1}^K \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{i.})^2 \quad (5)$$

- El primer componente de 5 es la suma de los cuadrados de los tratamientos, $SCTr$; y el segundo es la suma de los cuadrados del error, SCE .

ANOVA en el DCA



Se puede escribir: $SCT = SCTr + SCE$.

ANOVA en el DCA



Se puede escribir: $SCT = SCTr + SCE$.

- Como hay un total de N observaciones, la SCT tiene $(N - 1)$ grados de libertad.

ANOVA en el DCA



Se puede escribir: $SCT = SCTr + SCE$.

- Como hay un total de N observaciones, la SCT tiene $(N - 1)$ grados de libertad.
- Hay K tratamientos o niveles del factor de interés, así $SCTr$ tiene $(K - 1)$ grados de libertad, mientras que la SCE tiene $(N - K)$.

ANOVA en el DCA



- Se puede escribir: $SCT = SCTr + SCE$.
- Como hay un total de N observaciones, la SCT tiene $(N - 1)$ grados de libertad.
- Hay K tratamientos o niveles del factor de interés, así $SCTr$ tiene $(K - 1)$ grados de libertad, mientras que la SCE tiene $(N - K)$.
- Los grados de libertad respectivos a los términos de la igualdad cumplen la relación similar dada por: $N - 1 = (K - 1) + (N - K)$.

ANOVA en el DCA




- Se puede escribir: $SCT = SCTr + SCE$.

- Como hay un total de N observaciones, la SCT tiene $(N - 1)$ grados de libertad.
- Hay K tratamientos o niveles del factor de interés, así $SCTr$ tiene $(K - 1)$ grados de libertad, mientras que la SCE tiene $(N - K)$.
- Los grados de libertad respectivos a los términos de la igualdad cumplen la relación similar dada por: $N - 1 = (K - 1) + (N - K)$.
- Las sumas de cuadrados divididas entre sus respectivos grados de libertad se llaman *cuadrados medios*. El cuadrado medio de tratamientos y el cuadrado medio del error se denotan por:





$$CMTr = \frac{SCTr}{K - 1} \quad \text{y} \quad CME = \frac{SCE}{N - K} \quad (6)$$


Diseño completamente al azar DCA

-  Cuando la hipótesis nula H_0 es verdadera, ambos cuadrados medios son estimadores insesgados varianza común σ^2 de los tratamientos que se comparan.

Diseño completamente al azar DCA

-  Cuando la hipótesis nula H_0 es verdadera, ambos cuadrados medios son estimadores insesgados de la varianza común σ^2 de los tratamientos que se comparan.

-  Los valores esperados de los cuadrados medios cuya demostración se muestra más adelante están dados por:


$$E(CME) = \sigma^2 \quad \text{y} \quad E(CMTr) = \sigma^2 + \frac{\sum_{i=1}^K n_i \tau_i^2}{K-1} \quad (7)$$

Diseño completamente al azar DCA

- Se construye el estadístico de prueba como sigue:

- Se construye el estadístico de prueba como sigue:
- SCE y $SCTr$ son variables aleatorias independientes, por lo que SCE/σ^2 y $SCTr/\sigma^2$ son dos variables aleatorias independientes con distribución *ji-cuadrada* con $(N - K)$ y $(K - 1)$ grados de libertad, respectivamente.

- Se construye el estadístico de prueba como sigue:
- SCE y $SCTr$ son variables aleatorias independientes, por lo que SCE/σ^2 y $SCTr/\sigma^2$ son dos variables aleatorias independientes con distribución *ji-cuadrada* con $(N - K)$ y $(K - 1)$ grados de libertad, respectivamente.
- Entonces, bajo el supuesto de que la hipótesis H_0 es verdadera, el estadístico



$$F_0 = \frac{CMT_r}{CME} \quad (8)$$

debe seguir una distribución F con $(K - 1)$ grados de libertad en el numerador y $(N - K)$ grados de libertad en el denominador.



- De las ecuaciones (7) y (8) se deduce que si:



- De las ecuaciones (7) y (8) se deduce que si:
 - F_0 es grande, se rechaza la hipótesis de que no hay efectos de tratamientos



- De las ecuaciones (7) y (8) se deduce que si:
 - F_0 es grande, se rechaza la hipótesis de que no hay efectos de tratamientos
 - F_0 es pequeño se confirma la validez de H_0 .



- De las ecuaciones (7) y (8) se deduce que si:
 - F_0 es grande, se rechaza la hipótesis de que no hay efectos de tratamientos
 - F_0 es pequeño se confirma la validez de H_0 .
- Para un nivel de significancia α prefijado, se rechaza H_0 si

$$F_0 > F_{\alpha, K-1, N-K}$$

donde $F_{\alpha, K-1, N-K}$ es el percentíl $(1 - \alpha) \times 100$ de la distribución F .



- De las ecuaciones (7) y (8) se deduce que si:
 - F_0 es grande, se rechaza la hipótesis de que no hay efectos de tratamientos
 - F_0 es pequeño se confirma la validez de H_0 .
- Para un nivel de significancia α prefijado, se rechaza H_0 si

$$F_0 > F_{\alpha, K-1, N-K}$$

donde $F_{\alpha, K-1, N-K}$ es el percentíl $(1 - \alpha) \times 100$ de la distribución F .

- También se rechaza H_0 si *valor p* $< \alpha$, donde el *valor p* es el área bajo la distribución $F_{K-1, N-K}$ a la derecha del estadístico F_0 , es decir, *valor p* $= P(F > F_0)$.



- Toda la información necesaria para calcular el estadístico F_0 hasta llegar al *valor p* se escribe en la llamada tabla de análisis de varianza (*ANOVA*) .

Anova para DCA				
Variabilidad	SC	g.l	CM	F-valor
Entre	SCTr	k-1	CMTr=SCTr/(k-1)	CMTr/CME
Dentro	SCE	N-k	CME=SCE/(N-k)	
Total	SCT	N-1		



MONTGOMERY C. DOUGLAS. Diseño y Análisis de Experimentos. Segunda Edición. LIMUSA WILEY



GUTIERREZ H y DE LA VARA R. Análisis y Diseño de Experimentos. Segunda Edición. Mc Graw Hill.



KUEHL ROBERT. Diseño de Experimentos. Segunda Edición. Thomson.



VICENTE M, GIRON P, NIETO C, PÉREZ T. Diseño de Experimentos. Pearson Prentice Hall.



DEVORE JAY. Probabilidad y Estadística para Ingeniería y Ciencias. Sexta Edición.



WALPOLE MYERS. Probabilidad y Estadística. Cuarta Edición. Mc Graw Hill.