1 Os valores iniciais

```
semente = 431

m = 600

\lambda = 2.33

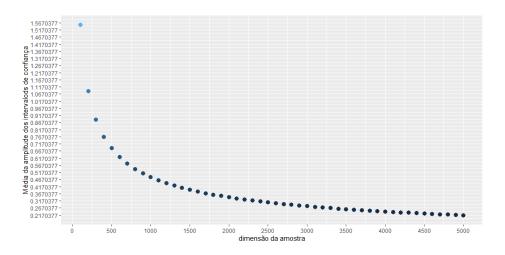
1-\alpha = 0.999
```

2 O código em R

```
#definir valores iniciais
       mam = 600
lambda = 2.33
dim = 100
Z = 3.29
        set.seed(seed)
9 #gerar os dados
10 • for (i in 1:50){
11 • for(j in 1:nam){
11 ÷
               data <- rexp(dim*i,lambda)
if(j == 1){</pre>
                   X <- mean(data)
int <- (1/X)*2*Z/sqrt(dim*i)
14
15
16 *
                }else{
17
18
19 *
                    X <- c(X, mean(data))</pre>
                    int = append(int, (1/X[j])*2*Z/sqrt(dim*i))
meanint
                               <- mean(int)
            x <- i*dim
}else{
               meanint <- append(meanint,mean(int))</pre>
               x \leftarrow append(x, i*dim)
         #fazer a data frame
31
32
33
        data <- data.frame(x, meanint)</pre>
         #plot do gráfico
        ibipary(ggplot2)
ggplot(data, aes(x, meanint, color = meanint)) +
geom_point(shape = 16, size = 3, show.legend = FALSE) +
scale_y_continuous(breaks = seq(min(meanint), max(meanint)+0.05, by = 0.05)) +
scale_x_continuous(breaks = round(seq(min(x)-100, max(x), by = 500),1)) +
labs(x = "dimensão da amostra", y = "Média da amplitude dos intervalods de confiança")
34
35
36
       #limpar os dados
rm(list = ls())
```

Download ficheiros R

3 O gráfico de dispersão



4 Comentários sobre os resultados obtidos

Os resultados são os esperados, conseguimos ver uma diminuição dos valores do intervalo de confiança á medida que a dimensão da amostra aumenta proporcional a $\frac{1}{\sqrt{n}}$.