Università degli studi di Catania

Corso di Laurea Magistrale in informatica Compilatori A.A 2014 - 2015

Antonio Fischetti W82-000021

Realizzazione di un web crawler in nodejs

Introduzione

Il progetto realizzato è un crawler, meglio conosciuto come web crawler, spider o robot. Si occupa di analizzare una lista di URL fornita in input, identificando tutti gli hyperlink(Url) contenuti nel documento ed salvando questi URL in un database, per poi successivamente visitarli in modo ricorsivo. Il web crawler che ho implementato è stato sviluppato utilizzando il linguaggio **nodeJS** ed un database non relazionale (**MongoDB**). Questo nasce da un progetto universitario dell'Università degli Studi di Catania. Lo scopo del progetto è quello di realizzare un crawler che analizzi gli URL a partire da seeds iniziali, memorizzando su file solo le pagine che contengono almeno una delle keyword date in input dall'utente.

Download ed Installazione (Mac Osx 10.10.3)

Prima di spiegare il funzionamento del progetto, mi soffermo sulla parte relativa all'installazione delle componenti utilizzate. E' stato necessario installare:

- Ambiente di sviluppo per **nodejs** disponibile su: http://nodejs.org
- Database non relazionale **mongodb** disponibile su: http://mongodb.com
- Libreria Mongoose di interfaccia tra db e nodejs disponibile su: http://mongoosejs.com
- Alcuni moduli npm di nodejs: "cheerio" "express" "async" "request" "mongoose" "String" "body parser" "fs" "events" "mk dir" i cui download sono disponibili da terminale. Es \$ npm install express.

Esecuzione del Database

Dopo aver correttamente installato **mongodb** nella nostra macchina, ed aver settato opportunamente tutti i file ed i path necessari, il database non relazionale deve essere mandato in esecuzione. Questo viene effettuato direttamente da terminale utilizzando il comando **mongod - - path** (il path di riferimento che abbiamo scelto durante la creazione del database).

Funzionamento del Crawler

Il software prende in input alcuni parametri :

- Uno o più seeds iniziali.
- Un tempo di esecuzione espresso in minuti.
- Una o più keywords.

curl --data "url1=http://it.wikipedia.org/wiki/Biologia_di_sintesi

&url2=http://en.wikipedia.org/wiki/Synthetic biology

&url3=http://syntheticbiology.org/

&url4=http://www.systemsbiology.org/

&url5=http://www.synbioproject.org/

&url6=http://www.synberc.org/what-is-synbio

&url7=https://synbio.mit.edu/

&url8=http://www.igem.org/Main Page

&url9=http://biobricks.org/

&url10=http://synbioconference.org/2014

&url11=http://synbio.berkeley.edu/

&url12=http://synbioconference.org/2015

&url13=http://www.globalengage.co.uk/synthetic-biology.html

&url14=http://www.embl.de/training/events/2015/SYN15-01/

&key1=PhD student&key2=synthetic biology&durata=60" http://localhost:8081/crawler

Questa richiesta al server (in questo caso in localhost) viene effettuata verso la porta 8081, che è in ascolto per la ricezione. Per avviare il servizio sul server basta aprire il terminale, posizionarsi all'interno della cartella che contiene il file **crawler.js** e avviarlo tramite il comando **node crawler.js**.

Nel nostro caso i seed iniziali sono quelli mostrati precedentemente, e le chiavi ricercate sono state <u>"PhD student & synthetic biology"</u> e "<u>Post doc & synthetic biology"</u>.

Quando viene effettuata la richiesta al server con i seed iniziali e le parole chiave da trovare, inizialmente viene creata una cartella che ha come nome, la stringa della simulazione (ad esempio Simulation1433164201801, che viene generata a partire dalla data in cui questa viene effettuata).

Quindi per ogni simulazione che andremo a fare, avremo diverse directory.

Successivamente vengono memorizzate all'interno del database, gli urls (seed) iniziali.

I campi del database sono:

- path (che contiene il path del file se questo è stato memorizzato, altrimenti il suo valore sarà '-1'
- *urlParse* (che contiene l'url da memorizzare nel database).
- *father* (contiene l'url padre, nel caso iniziale conterrà "Initial Seed Url").
- <u>simulation</u> (che contiene l'id della simulazione, utile se più richieste contemporanee vengono effettuate sul server).
- visited (Un flag che viene settato a 'yes' se l'url memorizzata sul db è stata schedulata, altrimenti 'no').
- depth (contiene la profondità per ogni Url trovato).

Dopo di che viene impostato un timeout che servirà a far capire al software quando è il momento di terminare il processo. (come visto in precedenza viene impostato dall'utente il numero di minuti della simulazione).

Descrizione delle funzioni del Crawler

Per lo sviluppo del Crawler ho utilizzato una gestione dei processi basata su una coda, precisamente **Async.queue**, un oggetto che permette di costruire una coda, impostando un **worker** da eseguire ogni volta che viene effettuata una push. Questo mi ha permesso di evitare la ricorsione dovuta al lavoro del crawler. Il worker si occupa di chiamare in modo asincrono le funzioni di:

- -getUrl (Restituisce una url ancora non visitata).
- -crawlingUrl (Effettua una richiesta all'url restituita dalla funzione getUrl, effettuare un controllo delle parole chiave contenute nell' html, e nel caso positivo salvare la pagina su un file txt, ed effettuare lo scapring della pagina, trovando url valide da essere inserite nel db).
- -saveUrlFound (Salvataggio su db di tutte le url valide trovate).

Effettuo lo scarping della pagina attraverso il metodo **cheerio.load(html)**, ottenendo tutti i tag **'a href'**, poichè nel linguaggio HTML questi contengono i collegamenti e quindi gli url ad altre pagine. Per ogni url trovata viene effettuato un controllo, utilizzando un regger (espressione regolare).

Simulazioni Effettuate

Le simulazioni sono state effettuate su una VPS con le seguenti caratteristiche:

- AMD Opteron(tm) Processor 4284 3GHZ
- 4 GB RAM

Seed Iniziali:

http://it.wikipedia.org/wiki/Biologia di sintesi

http://en.wikipedia.org/wiki/Synthetic_biology

http://syntheticbiology.org/

http://www.systemsbiology.org/

http://www.synbioproject.org/

http://www.synberc.org/what-is-synbio

https://synbio.mit.edu/

http://www.igem.org/Main_Page

http://biobricks.org/

http://synbioconference.org/2014

http://synbio.berkeley.edu/

http://synbioconference.org/2015

http://www.globalengage.co.uk/synthetic-biology.html

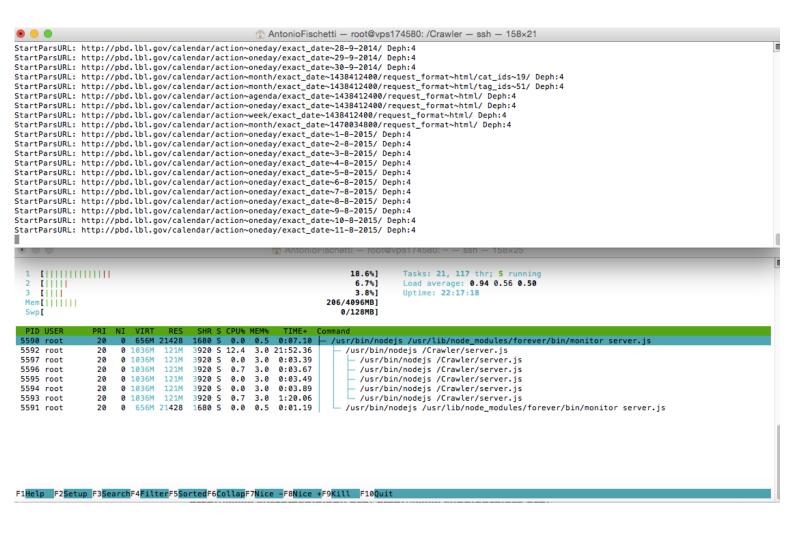
http://www.embl.de/training/events/2015/SYN15-01/

Keyword Iniziali:

- "PhD student" and "synthetic biology"
- "Post doc" and "synthetic biology"

Durata in ore della simulazione:

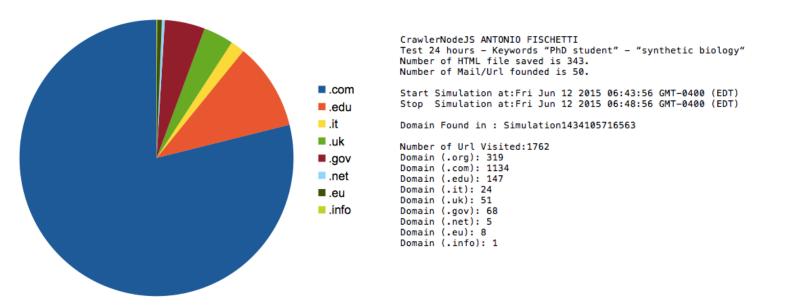
- 1 ora di CPU Time
- · 24 ore di CPU Time
- 7*24 ore di CPU Time



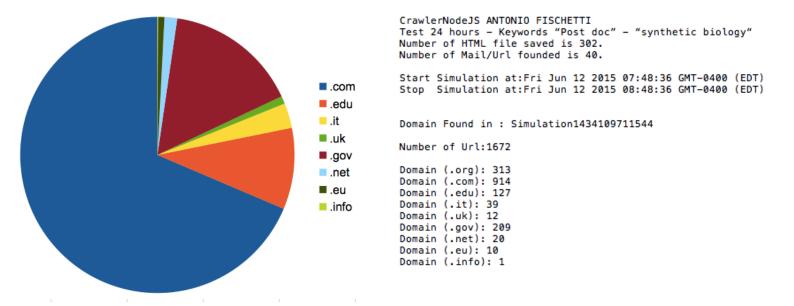
Statistiche delle simulazioni

Sono state effettuate 3 simulazioni per ogni coppia di Keyword iniziali. L'output ottenuto dall'esecuzione del crawler è stato passato al MailParser che ha permesso di estrarre le mail valide presenti che corrispondono agli URL analizzati nella quale è presente almeno una delle due parole chiave.

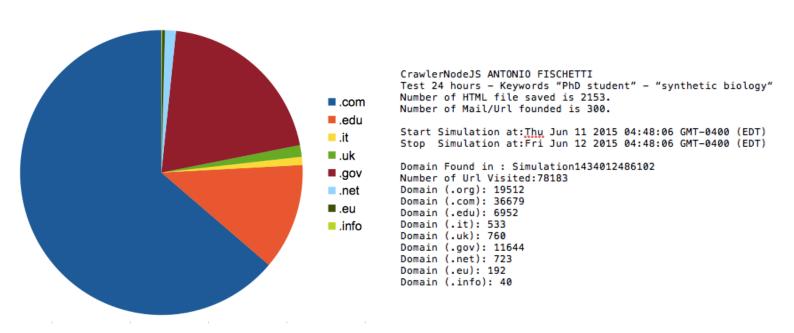
Simulazione 1 ora - Keys "PhD student" - "synthetic biology"



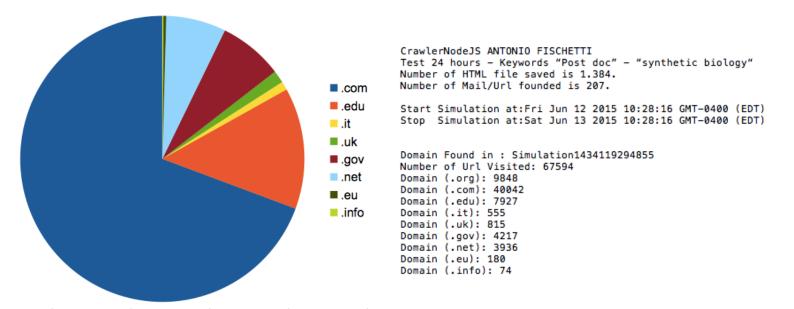
Simulazione 1 ora - Keys "Post doc" - "synthetic biology"



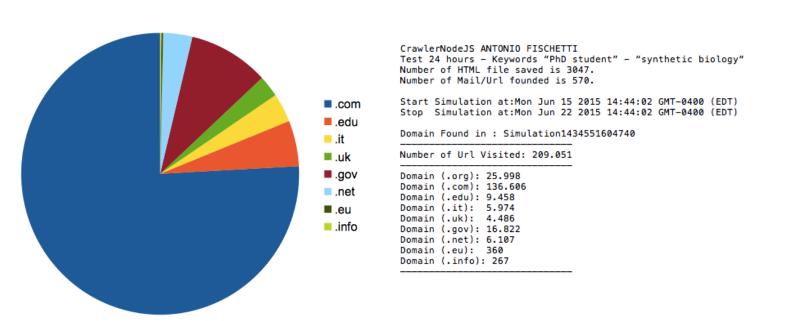
Simulazione 24 ore - Keys "PhD student" - "synthetic biology"



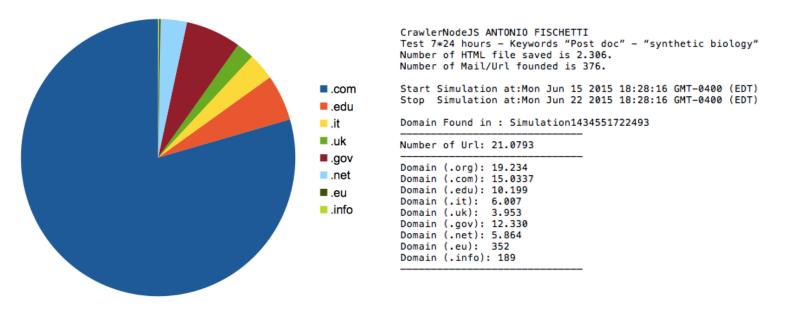
Simulazione 24 ore - Keys "Post doc" - "synthetic biology"



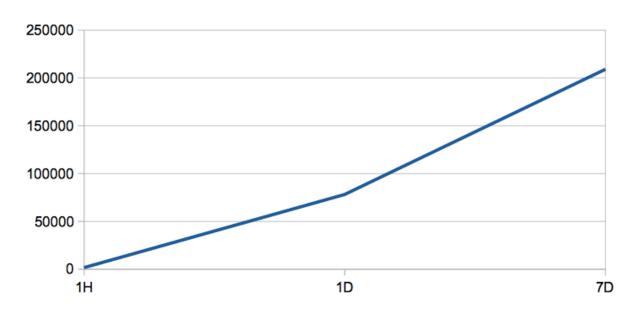
Simulazione 7*24 ore - Keys "PhD student" - "synthetic biology"



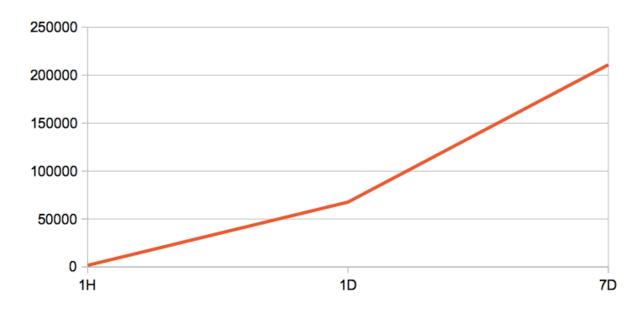
Simulazione 7*24 ore - Keys "Post doc" - "synthetic biology"

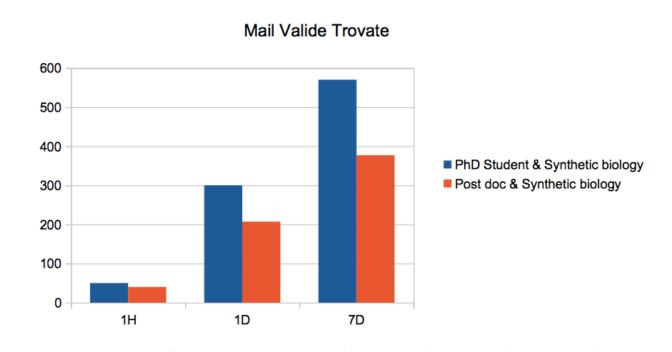


Url Visitate - Keywords "Phd Student" & "Synthetic biology"



Url Visitate - Keywords "Post doc" & "Synthetic biology"





Credits

Il Crawler è disponibile su Github alla pagina: http://github.com/Jacitano87/Crawler-Web-Nodejs

I Risultati ottenuti dalle varie simulazioni sono disponibili all'interno della directory "Risultati Crawler" - all'interno del progetto su Github.