R 语言编程:基于 tidyverse

第 11 讲 数据操作 1: 选择列修改列

张敬信

2022年3月25日

哈尔滨商业大学

用 dplyr 包实现各种数据操作,通常的数据操作无论多么复杂,往往都可以分解为 5 种基本数据操作的组合:

- select() -- 选择列
- filter()/slice() 筛选行
- arrange() 对行排序
- mutate() —— 修改列/创建新列
- summarize() —— 汇总

它们都可以与

• group_by() -- 分组

连用,以改变数据操作的作用域:

作用在整个数据框,还是分别作用在数据框的每个分组

这些函数组合使用就足以完成各种数据操作,它们的相同之处是:

- 第1个参数是数据框,方便管道操作
- 根据列名访问数据框的列, 且列名不用加引号
- 返回结果是一个新数据框,不改变原数据框

从而,可以方便地实现:

将多个简单操作,依次用管道连接,实现复杂的数据操作

- · 若要同时对所选择的多列应用函数,还有强大的 across()函数,它支持各种**选择列语法**,搭配 mutate()和 summarise()使用,产生非常强大同时修改/汇总多列的效果;
- 类似地, if_any(), if_all()函数, 搭配 filter()使用, 产生 强大的根据多列的值筛选行的效果。

一. 选择列

- 选择列,包括对数据框做**选择列、调整列序、重命名列**。
- 以虚拟的学生成绩数据来演示,包含随机生成的20个 NA:

```
library(readxl)
df = read xlsx("datas/ExamDatas_NAs.xlsx")
df
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name sex chinese math english moral science
#> <chr> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1 六 1 班 何娜 女
                          87
                                92
                                    79 9
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                          95 77 75
                                            NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                          79
                                87
                                       66
                                             9
#> # ... with 47 more rows
```

1. 选择列语法

(1) 用列名或索引选择列

```
df %>%
 select(name, sex, math) # 或者 select(2, 3, 5)
#> # A tibble: 50 x 3
#> name sex math
#> <chr> <chr> <dhl>
#> 1 何娜 女 92
#> 2 黄才菊 女 77
#> 3 陈芳妹 女 87
#> # ... with 47 more rows
```

(2) 借助运算符选择列

- 用: 选择连续的若干列
- 用! 选择变量集合的余集 (反选)
- & 和 | 选择变量集合的交或并
- ・ c() 合并多个选择

(3) 借助选择助手函数

- 选择指定列:
 - everything(): 选择所有列
 - last_col(): 选择最后一列,可以带参数,如 last_col(5) 选择倒数 第 6 列

选择列名匹配的列:

- starts_with(): 以某前缀开头的列名
- · ends_with(): 以某后缀结尾的列名
- · contains(): 包含某字符串的列名
- matches(): 匹配正则表达式的列名
- num_range(): 匹配数值范围的列名,如 num_range("x", 1:3)匹配 x1, x2, x3

· 结合函数选择列:

• where(): 应用一个函数到所有列,选择返回结果为 TRUE 的列,比如与 is.numeric 等函数连用

2. 一些选择列的示例

```
df %>%
 select(starts_with("m"))
#> # A tibble: 50 x 2
#> math moral
#> <dbl> <dbl>
#> 1 92
#> 2 77 NA
#> 3 87 9
#> # ... with 47 more rows
```

```
df %>%
 select(ends_with("e"))
#> # A tibble: 50 x 3
#> name chinese science
#> <chr> <dbl> <dbl>
#> 1 何娜
              87
                     10
#> 2 黄才菊 95
#> 3 陈芳妹 79
                     10
#> # ... with 47 more rows
```

```
df %>%
 select(contains("a"))
#> # A tibble: 50 x 4
#> class name math moral
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl>
#> 1 六 1 班 何娜
                 92
#> 2 六 1 班 黄才菊 77
                         NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 87
                          9
#> # ... with 47 more rows
```

• 根据正则表达式匹配选择列:

```
df %>%
 select(matches("m.*a"))
#> # A tibble: 50 x 2
#> math moral
#> <dbl> <dbl>
#> 1 92 9
#> 2 77 NA
#> 3 87 9
#> # ... with 47 more rows
```

• 根据条件 (逻辑判断) 选择列, 例如选择所有数值型的列:

```
df %>%
 select(where(is.numeric))
#> # A tibble: 50 x 5
   chinese math english moral science
#>
      <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
#>
#> 1
        87
             92
                    79
                                 10
#> 2
        95 77
                    75
                          NA
#> 3 79 87
                 66
                          9
                                 10
#> # ... with 47 more rows
```

• 自定义返回 TRUE 或 FALSE 的判断函数,支持 purrr 风格公式

```
df[, 4:8] %>% # 选择列和 > 3000 的列
  select(where(\sim sum(.x, na.rm = TRUE) > 3000))
#> # A tibble: 50 x 2
#> chinese math
#> <dbl> <dbl>
#> 1 87 92
#> 2 95 77
#> 3 79 87
#> # ... with 47 more rows
```

```
df %>% # 选择唯一值数目 < 10 的列
select(where(~ n_distinct(.x) < 10))
#> # A tibble: 50 x 4
#> class sex moral science
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> 

#> 1 六 1 班 女 9 10

#> 2 六 1 班 女 NA 9

#> 3 六 1 班 女 9 10

#> #> ** ... with 47 more rows
```

3. 用"-"删除列

```
df %>%
 select(-c(name, chinese, science))
#> # A tibble: 50 x 5
#> class sex math english moral
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 女
             92 79
#> 2 六 1 班 女
             77 75 NA
#> 3 六 1 班 女
             87 66 9
#> # ... with 47 more rows
# 或者 select(-ends with("e"))
```

```
df %>%
    select(math, everything(), -ends_with("e"))
#> # A tibble: 50 x 5
#> math class sex english moral
#> <dbl> <chr> <chr> <dbl> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <br/>#> 1 92 六 1 班 女 79 9
#> 2 77 六 1 班 女 75 NA
#> 3 87 六 1 班 女 66 9
#> # ... with 47 more rows
```

注意: -ends_with()要放在 everything()后面,否则删除的列就全回来了。

4. 调整列的顺序

• 列是根据被选择的顺序排列:

```
df %>%
 select(ends with("e"), math, name, class, sex)
#> # A tibble: 50 x 6
#> name chinese science math class sex
#> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <chr> <chr>
#> 1 何娜 87
                   10 92 六 1 班 女
#> 2 黄才菊 95 9 77 六 1 班 女
#> 3 陈芳妹 79 10 87 六 1 班 女
#> # ... with 47 more rows
```

• everything()返回未被选择的所有列,将某一列移到第一列时很方便:

```
df %>%
 select(math, everything())
#> # A tibble: 50 x 8
     math class name sex chinese english moral science
#>
#> <dbl> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 92 六 1 班 何娜 女
                                87
                                        79
#> 2 77 六 1 班 黄才菊 女
                                95
                                       75
                                             NA
#> 3 87 六 1 班 陈芳妹 女
                                79
                                        66
                                              9
                                                    16
#> # ... with 47 more rows
```

relocate(.data, ..., .before, .after): 将选择的列移到某列之前或之后

```
df %>% # 将数值列移到 name 列的后面
 relocate(where(is.numeric), .after = name)
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name chinese math english moral science sex
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1 六 1 班 何娜
                  87 92 79 9
                                        10 女
#> 2 六 1 班 黄才菊
              95 77 75 NA 9女
#> 3 六 1 班 陈芳妹 79 87
                             66 9
                                       10 女
#> # ... with 47 more rows
```

5. 重命名列

set_names(): 为所有列设置新列名

```
df %>%
 set names(" 班级", " 姓名", " 性别", " 语文",
         "数学". "英语". "品德". "科学")
#> # A tibble: 50 x 8
#> 班级 姓名 性别 语文 数学 英语 品德 科学
#> <chr> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 女
                   87 92 79 9
                                       10
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                 95 77 75 NA 9
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                 79 87 66 9
                                       10
#> # ... with 47 more rows
```

• rename(): 只修改部分列名, 格式为: 新名 = 旧名

```
df %>%
 rename(数学 = math, 科学 = science)
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name sex chinese 数学 english moral 科学
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 女
                    87 92 79 9
                                           10
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                    95 77 75 NA 9
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                    79 87 66 9
                                           10
#> # ... with 47 more rows
```

• rename_with(.data, .fn, .cols): 用函数.fn 变化选中列的列 名

```
df %>% # 为所选列名增加前缀
 rename with(~ paste0("new_", .x), matches("m"))
#> # A tibble: 50 x 8
#> class new_name sex chinese new_math english new_moral
#> <chr> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1 六 1 班 何娜 女
                       87
                              92 79
#> 2 六 1 班 黄才菊 女 95 77 75
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                    79 87 66
#> # ... with 47 more rows
```

6. 强大的 across()函数

• across()人如其名,让零个/一个/多个函数**穿过**所选择的列,即**同时 对所选择的多列应用若干函数**,基本格式为:

```
across(.cols = everything(), .fns = NULL, ..., .names)
```

- .cols 根据**选择列语法**选定的列;
- .fns 为应用到选定列上的函数¹:
 - · NULL: 不对列作变换;
 - 一个函数, 如 mean;
 - 一个 purrr 风格的匿名函数, 如 ~ .X * 10
 - 多个函数或匿名函数构成的列表
- · .names 设置输出列的列名样式,默认为 {col}_{fn}

¹这些函数内部可以使用 cur_column()和 cur_group()以访问当前列和分组键值.

- · across()支持各种选择列语法,与 mutate()和 summarise()连 用,产生非常强大的同时修改/(多种)汇总多列效果;
- across()也能与 group_by(), count()和 distinct()连用, 此时.fns 为 NULL, 只起选择列的作用。
- · across()函数的引入,使得可以弃用那些限定列范围的后缀:
 - across(everything(), .fns): 在所有列范围内, 代替后缀 _all
 - across(where(), .fns): 在满足条件的列范围内, 代替后缀 _if
 - across(.cols, .fns): 在给定的列范围内,代替后缀_at

注: f将长度为n的向量,映射为长度为n的向量

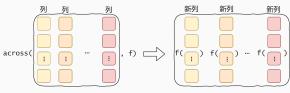


图 1: across 函数示意图

• across()包含了**分解思维**:想要同时修改多列,只需要选出多列,把 对一列做的事情写成函数,剩下的交给 across()就行了。

二. 修改列

修改列,即修改数据框的列,计算新列。

1. 创建新列

· mutate() 创建或修改列², 返回原数据框并增加新列, 默认加在最后一 列,参数.before..after 可以设置新列的位置。

```
df %>% # 只给新列 1 个值,循环使用
 mutate(new col = 5, .before = chinese)
#> # A tibble: 50 x 9
#> class name sex new col chinese math english moral s
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> 
#> 1 六 1 班 何娜 女
                          5
                               87 92 79
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                               95 77 75
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                          5
                               79 87
                                           66
#> # ... with 47 more rows
```

NA

²transmute() 只返回增加的新列.

• 正常是以长度等于行数的向量赋值:

```
df %>%
 mutate(new_col = 1:n())
#> # A tibble: 50 x 9
#> class name sex chinese math english moral science r
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 女
                         87 92
                                                 16
                                     79
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                       95 77
                                 75
                                          NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                       79
                              87
                                 66
                                          9
                                                 16
#> # ... with 47 more rows
```

注: n() 返回当前分组的样本数, 未分组则为总行数。

2. 计算新列

• 用数据框的现有列计算新列,若修改当前列,只需要赋值给原列名

```
df %>%
 mutate(total = chinese + math + english + moral + science)
#> # A tibble: 50 x 9
#> class name sex chinese math english moral science t
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 女
                      87 92 79 9
                                             16
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                                              9
                 95 77 75 NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                                             16
                 79 87 66 9
#> # ... with 47 more rows
```

注意: 不能用 sum(), 它会将整个列的内容都加起来, 类似的还有 mean().

• 在同一个 mutate()中可以同时创建或计算多个列,它们是从前往后依 次计算, 所以可以使用前面新创建的列

```
df %>%
 mutate(med = median(math, na.rm = TRUE),
       label = math > med.
       label = as.numeric(label))
#> # A tibble: 50 x 10
#> class name sex chinese math english moral science
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 女
                         87
                              92
                                    79 9
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                      95 77 75
                                         NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                      79 87
                                66 9
#> # ... with 47 more rows
```

16

Ç

16

3. 修改多列

结合 across()和选择列语法可以应用函数到多列,从而实现同时修改多列。

(1) 应用函数到所有列

• 将所有列转化为字符型

```
df %>%
 mutate(across(everything(), as.character))
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name sex chinese math english moral science
#> <chr> <chr> <chr> <chr> <chr> <chr> <chr> <chr>
#> 1 六 1 班 何娜 女 87
                            92
                                 79
                                             10
#> 2 六 1 班 黄才菊 女 95
                        77 75
                                       <NA>
                                             9
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女 79
                            87
                                 66
                                             10
#> # ... with 47 more rows
```

(2) 应用函数到满足条件的列

• 对所有数值列做归一化

```
df %>%
 mutate(across(where(is.numeric), Rescale))
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name sex chinese math english moral science
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl>
#> 1 六 1 班 何娜
              女 0.843 0.974 1 0.875
#> 2 六 1 班 黄才菊 女 1 0.776 0.926 NA 0.83
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女 0.686 0.908 0.759 0.875 1
#> # ... with 47 more rows
```

(3) 应用函数到指定的列

• 将 iris 中的列名包含 length 和 width 的列的测量单位从厘米变成毫米:

```
as_tibble(iris) %>%
  mutate(across(contains("Length") | contains("Width"),
                 \sim .x * 10))
#> # A tibble: 150 x 5
     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Specie
#>
#>
            <dbl>
                         <dbl>
                                       <dbl>
                                                    <dbl> <fct>
#> 1
               51
                            35
                                          14
                                                        2 setosa
#> 2
               49
                            30
                                          14
                                                        2 setosa
#> 3
               47
                            32
                                          13
                                                        2 setosa
#> # ... with 147 more rows
```

4. 替换 NA

(1) replace na()

实现用某个值替换一列中的所有 NA 值,该函数接受一个命名列表,其成分为 列 名 = 替换值。

• 替换具体的列的缺失值

```
starwars %>%
 replace na(list(hair color = "UNKNOWN",
               height = round(mean(.$height, na.rm = TRUE)
#> # A tibble: 87 x 14
#> name height mass hair_color skin_color eye_color b
#> <chr> <int> <dbl> <chr> <chr>
                                        <chr>
#> 1 Luke Sk~ 172 77 blond fair blue
#> 2 C-3P0
         167 75 UNKNOWN gold yellow
#> 3 R2-D2 96 32 UNKNOWN white, blue red
\#>\#\dots with 84 more rows, and 5 more variables: homeworld <
```

· 所有浮点列的缺失值用其均值替换:

```
starwars %>%
 mutate(across(where(is.double),
             ~ replace na(.x, mean(.x, na.rm = TRUE))))
#> # A tibble: 87 x 14
#> name height mass hair_color skin_color eye color b
#> <chr> <int> <dbl> <chr> <chr> <chr>
#> 1 Luke Sk~ 172 77 blond fair blue
#> 2 C-3PO 167 75 <NA> gold yellow
#> 3 R2-D2 96 32 <NA> white, blue red
#> # ... with 84 more rows, and 5 more variables: homeworld <
#> # films <list>, vehicles <list>, starships <list>
```

(2) fill()

・用前一个 (或后一个) 非缺失值填充 NA

load("datas/gap_data.rda")

knitr::kable(gap_data, align="c")

site	species	sample_num	bees_present
Bilpin	A. longiforlia	1	TRUE
NA	NA	2	TRUE
NA	NA	3	TRUE
NA	A. elongata	1	TRUE
NA	NA	2	FALSE
NA	NA	3	TRUE
Grose Vale	A. terminalis	1	FALSE
NA	NA	2	FALSE
NA	NA	2	TRUE

```
gap_data %>% # 默认用上一个值填充
 fill(site, species)
#> # A tibble: 9 x 4
#> site species sample_num bees_present
#> <chr> <chr>
                             <dbl> <lgl>
#> 1 Bilpin A. longiforlia
                                 1 TRUE
#> 2 Bilpin A. longiforlia
                                 2 TRUE
#> 3 Bilpin A. longiforlia
                                3 TRUF
#> # ... with 6 more rows
```

5. 重新编码

(1) 两类别情形: if_else(): 做二分支判断进而重新编码

```
df %>%
 mutate(sex = if_else(sex == " 男", "M", "F"))
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name sex chinese math english moral science
#> <chr> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 F
                         87 92 79 9
#> 2 六 1 班 黄才菊 F
                      95 77 75 NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 F
                      79 87
                                66 9
#> # ... with 47 more rows
```

(2) **多类别情形**: case_when(): 做多分支判断进而重新编码,避免使用很多if_else() 嵌套

```
df %>%
 mutate(math = case when(math >= 75 ~ "High",
                     math >= 60 ~ "Middle",
                     TRUE ~ "Low"))
#> # A tibble: 50 x 8
#> class name sex chinese math english moral science
#> <chr> <chr> <chr> <dbl> <chr> <dbl> <dbl> <dbl> <dbl> <
#> 1 六 1 班 何娜 女
                         87 High 79 9
#> 2 六 1 班 黄才菊 女
                  95 High 75
                                          NA
#> 3 六 1 班 陈芳妹 女
                      79 High 66 9
#> # ... with 47 more rows
```

16

16

case_when()中用的是公式形式,

- 左边是返回 TRUE 或 FALSE 的表达式或函数
- · 右边是若左边表达式为 TRUE, 则重新编码的值, 也可以是表达式或函数
- · 每个分支条件将从上到下的计算, 并接受第一个 TRUE 条件
- 最后一个分支直接用 TRUE 表示若其他条件都不为 TRUE 时怎么做

(3) 更强大的重新编码函数

sjmisc 包提供了 rec(x, rec, append, ...), 基本实现了 SPSS 重新编码的功能 - x: 为数据框 (或向量);

- append: 默认为 TRUE,则返回包含重编码新列的数据框, FALSE则只 返回重编码的新列;
- rec: 设置重编码模式:
 - 重编码对:每个重编码对用 ";" 隔开,例如 rec="1=1; 2=4; 3=2; 4=3"
 - 多值: 多个旧值 (逗号分隔) 重编码为一个新值, 例如 rec="1,2=1; 3,4=2"
 - 值范围: 用冒号表示值范围, 例如 rec="1:4=1; 5:8=2"
 - 数值型值范围: 带小数部分的数值向量, 值范围内的所有值将被重新编码, 例如 rec="1:2.5=1; 2.6:3=2" ³

³注意 2.55 因未包含在值范围将不被重新编码

- "min" 和 "max": 最小值和最大值分别用 min 和 max 表示,例如 rec =
 "min:4=1;5:max=2" (min 和 max 也可以作为新值,如 5:7=max,表示将 5~7 编码为 max(x))
- "else": 所有未设定的其他值,用 else 表示,例如 rec="3=1; 1=2; else=3"
- "copy": else 可以结合 copy 一起使用,表示所有未设定的其他值保持原样(从原数值 copy),例如 rec="3=1; 1=2; else=copy"
- NAs: NA 既可以作为旧值,也可以作为新值,例如 rec="NA=1;
 3:5=NA"
- "rev": 设置反转值顺序
- 非捕获值:不匹配的值将设置为 NA,除非使用 else 和 copy.

```
library(sjmisc)
rec(df, math,
   rec = "min:59= 不及格; 60:74= 中; 75:85= 良; 85:max= 优",
   append = FALSE) %>%
                          # 频率表
 frq()
#>
#> math_r <character>
#> # total N=50 valid N=50 mean=3.28 sd=1.26
#>
#> Value | N | Raw % | Valid % | Cum. %
#> -Inf | 3 | 6.00 | 6.00 | 6
#> 不及格 | 14 | 28.00 | 28.00 | 34
#> 良 | 10 | 20.00 | 20.00 | 54
#> 优 | 12 | 24.00 | 24.00 | 78
#> 中 | 11 | 22.00 | 22.00 | 100
#> <NA> | 0 | 0.00 | <NA> |
                               <NA>
```

本篇主要参阅 (张敬信, 2022), (Hadley Wickham, 2017), (Desi Quintans, 2019), 以及包文档,模板感谢 (黄湘云, 2021), (谢益辉, 2021).

参考文献

Desi Quintans, J. P. (2019). Working in the Tidyverse. HIE Advanced R workshop.

Hadley Wickham, G. G. (2017). *R for Data Science*. O' Reilly, 1 edition. ISBN 978-1491910399.

张敬信 (2022). R 语言编程: 基于 tidyverse. 人民邮电出版社, 北京.

谢益辉 (2021). rmarkdown: Dynamic Documents for R.

黄湘云 (2021). Github: R-Markdown-Template.