# **Union Find**

## Il problema Union Find

Mantenere una collezione di insiemi disgiunti contenenti elementi distinti (es. interi 1, ..., n) durante l'esecuzione di una sequenza di operazioni del seguente tipo:

- makeSet(x): crea il nuovo insieme  $x = \{x\}$  di nome x
- find(x): restituisce il nome dell'insieme contenente l'elemento x
- union(A, B): unisce gli insiemi A, B in un unico insieme, di nome A, e distrugge i vecchi insiemi A e B

#### Important

Con n elementi possono essere eseguite al più n-1 union

## QuickFind

Usiamo una foresta di alberi di altezza 1 per rappresentare gli insiemi disgiunti. In ogni albero:

- Radice = nome dell'insieme
- Foglie= elementi (incluso l'elemento (nella radice) rappresentativo)

```
makeset(elem e):
    crea un nuovo albero, composto da due nodi: una radice ed una foglia.
    Memorizza l'elemento e sia nella foglia che nella radice
union(name a, name b):
    considera l'albero A corrispondente all'insieme di nome a, e l'albero B
    corrispondente all'insieme di nome b. Sostituisce tutti i puntatori dalle
foglie di B alla radice di B con i puntatori alla radice di A. Cancella la
vecchia radice di B
find(elem e) -> name:
```

accede alla foglia x corrispondente all'elemento e. Da tale nodo segue il puntatore al padre, che è la radice dell'albero, e restituisce il nome memorizzato nella radice.

#### Complessità operazioni?

```
makeSet(x): O(1)

union(A,B): O(n)

Uniportant

E se eseguo una sequenza arbitraria di operazioni?

union(n-1,$n$)
union(n-2,$n-1$) union(n-3,$n-2$) . . . union(2,$3$) union(1,$2$)

\Theta(n^2)
```

## Quick Find con euristica union by size

*IDEA*: fare in modo che un nodo non cambi troppo spesso padre

Nell'unione degli insiemi A e B attacchiamo gli elementi dell'insieme di cardinalità minore a quello di cardinalità maggiore, e se necessario modifichiamo la radice dell'albero ottenuto (per aggiornare il nome)

```
makeSet(elem e):
    crea un nuovo albero, composto da due nodi: una radice ed una foglia.
    Memorizza l'elemento e sia nella foglia che nella radice.
    Inizializza la cardinalità del nuovo insieme a 1,
    assegnando il valore size(x)=1 alla radice x

find(elem e) -> name:
    accede alla foglia x corrispondente all'elemento e. Da tale nodo segue il
puntatore al padre, che è la radice dell'albero, e restituisce il nome
memorizzato nella radice.

union(name a, name b)
```

considera l'albero A corrispondente all'insieme di nome a, e l'albero B corrispondente all'insieme di nome b,

Se size(A) >= size(B), muovi tutti i puntatori dalle foglie di B alla radice di A, e cancella la vecchia radice di B.

Altrimenti (size(B) > size(A)) memorizza nella radice di B il nome di A, muovi tutti i puntatori dalle foglie di A alla radice di B,

e cancella la vecchia radice A. In entrambi i casi assegna al nuovo insieme la somma delle cardinalità dei due insiemi originali (size(A) + size(B))

#### Complessità operazioni?

makeSet(x): O(1)

find(x): O(1)

union(A, B):

- O(n) (nel caso peggiore)
- O(logn) (ammoritizzata)

Vogliamo dimostrare che se eseguiamo m find, n makeSet e le al più n-1 union, il tempo richiesto dall'intera sequenza è al più O(m + nlogn).

Quando eseguiamo una union, per ogni nodo che cambia padre pagheremo tempo costante. Osserviamo ora che ogni nodo può cambiare al più O(logn) padri, poiché ogni volta che un nodo cambia padre la cardinalità dell'insieme al quale apparterrà è almeno doppia rispetto a quella dell'insieme cui apparteneva:

- all'inizio un nodo è in un insieme di dimensione almeno 1
- poi se cambia padre in un insieme di almeno dimensione 2
- all'\$i\$-esimo cambio è in un insieme di dimensione almeno  $2^i$

Il tempo speso per un singolo nodo sull'intera sequenza di n union è O(logn)

## QuickUnion

Usiamo una foresta di alberi di altezza 1 per rappresentare gli insiemi disgiunti. In ogni albero:

- Radice = elemento rappresentativo dell'insieme
- Foglie= elementi (escluso l'elemento (nella radice) rappresentativo)

### Complessità operazioni?

makeSet(x): O(1)

find(x): O(n)

union(A, B): O(1)

#### Important

particolari sequenze di union possono generare un albero di altezza lineare, e quindi la find è molto inefficiente (costa n-1 nel caso peggiore) . Se eseguiamo n makeSet, n-1 union come sopra, seguite da m find, il tempo richiesto dall'intera sequenza di operazioni è O(n+n-1+mn)=O(mn)

## **Quick Union con euristica union by size**

*IDEA*: fare in modo che per ogni insieme l'albero corrispondente abbia altezza piccola.

Nell'unione degli insiemi A e B rendiamo la radice dell'albero con meno nodi figlia della radice dell'albero con più nodi

#### Lemma

Con la union by size, dato un albero QuickUnion con size (numero di nodi) s e altezza h vale che  $s \geq 2^h$ .

L'operazione find richiede tempo O(logn). L'intera sequenza di operazioni costa O(n + mlogn).



**Euristica compressione cammini** 

*IDEA*: quando eseguo find(x) e attraverso il cammino da x alla radice, comprimo il cammino, ovvero rendo tutti i nodi del cammino figli della radice.

Intuizione: find(x) ha un costo ancora lineare nella lunghezza del cammino attraversato, ma prossime find costeranno di meno

#### Teorema (Tarjan&van Leeuwen)

Usando in QuickUnion le euristiche di union by rank (o by size) e compressione dei cammini, una qualsiasi sequenza di n makeSet, n-1 union e m find hanno un costo di  $O(n+m\ \alpha(n+m,n))$ .

 $\alpha(n+m,n)$  è la funzione inversa di Ackermann