atlas-utils之构建Unique序列丰度表：unique_table

一、atlas-utils barcode介绍

功能描述：

`atlas-utils unique_table` 使用**USEATCH unique**子命令构建**Unique**序列丰度表。

命令行接口：

```
$ atlas-utils unique_table

Usage: atlas-utils uniques_table  <mapping_file> <maps>
```

二、使用场景实例及其用法

示例演示：

示例文件：`mapping_file.txt`, `A-1.map.txt`

```
$ cat mapping_file.txt
```

```
#SampleID       Description
A-1     A
A-2     A
B-1     B
B-2     B
C-1     C
C-2     C
```

```
$ cat A-1.map.txt | head
```

```
A-1_36;sample=A-1;      ZOTU_464
A-1_34;sample=A-1;      ZOTU_38
A-1_66;sample=A-1;      ZOTU_42
A-1_15;sample=A-1;      ZOTU_42
A-1_41;sample=A-1;      ZOTU_113
A-1_67;sample=A-1;      ZOTU_45
A-1_48;sample=A-1;      ZOTU_554
A-1_45;sample=A-1;      ZOTU_391
A-1_68;sample=A-1;      ZOTU_16
A-1_60;sample=A-1;      ZOTU_236
```

运行命令：

构建**Unique**序列丰度表。

```
$ atlas-utils unique_table mapping_file.txt  A-1.map.txt | head
```

```
#OTU table     A-1     A-2     B-1     B-2     C-1     C-2
ZOTU_464       24      0       0       0       0       0
ZOTU_38 346    0       0       0       0       0
ZOTU_42 310    0       0       0       0       0
ZOTU_113       136     0       0       0       0       0
ZOTU_45 296    0       0       0       0       0
ZOTU_554       27      0       0       0       0       0
ZOTU_391       28      0       0       0       0       0
ZOTU_16 860    0       0       0       0       0
ZOTU_236       63      0       0       0       0       0
```

本文材料为 **BASE** (**B**iostack **A**pplied bioinformatic **SE**ies) 课程 **Linux Command Line Tools for Life Scientists** 材料， 版权归 **上海逻捷信息科技有限公司** 所有。

Last Update: 2020-09-09 11:56 AM