taxon-utils之翻译指定分类水平主要分类的世系: translate

一、taxon-utils translate介绍

功能描述:

taxon-utils translate 指定的特定节点或者节点列表,使用构建的节点树文件,回溯到根节点,输出中间节点的路径(界,门,纲,目,科,属,种 ,示例

k:Bacteria,p:Firmicutes_A,c:Clostridia,o:Lachnospirales,f:Lachnospiraceae,g:14-2,s:14-2 sp001940225)以及提供对应的数字等级路径(3,64,222,873,2385,3766,11673),适用于微生物组数据分析。

命令行接口:

可选参数:

```
1 -c 整型 指定转化的列,默认为第二列;
2 -n 输出指定节点的世系
```

二、使用场景实例及其用法

示例演示:

示例文件在: data 目录

示例文件: classify.txt.gz, taxon.map.gz

```
1 $ zcat classify.txt.gz | head -n 6
```

```
A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:12943:1016 25457 150|149 0:22 25457:4
0:7 25458:5 0:78 |:| 3:4 3343:5 8109:2 25457:5 25460:1 25457:6 25693:5 0:48
25458:2 0:1 3343:2 14694:7 3343:10 3:5 0:12
       A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:12337:1031 18331 150|149 0:60 31294:5
0:25 18331:3 0:23 |:| 0:93 18331:3 0:19
      A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:16866:1047 8364 150|150 0:17 20367:2
35825:1 0:8 3:4 20616:5 3:1 4523:5 3:3 0:9 3:5 0:19 27173:2 0:12 27173:2 0:21
|:| 0:2 2878:3 24660:5 28576:3 30576:2 3:13 0:9 2483:17 27170:3 2483:2
27170:5 3:6 8364:3 3:7 8364:3 27172:2 8364:5 27172:6 171:5 0:15
       A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:22742:1047 23158 150|150 0:82 23158:4
0:30 |:| 0:116
       A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:28664:1063 559
                                                      150 | 150 0:22 559:3
0:7 171:5 0:79 |:| 0:116
       A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:20473:1094 25986 150|150 0:45 25986:3
0:68 |:| 0:116
```

注意事项: classify 文件为 Kraken2 分类的结果,第一列为标识符: C: 可以分类的序列, U: 不能分类的序列,第三列为分类的 Taxonomy ID,可以为 NCBI 分类号或者使用 GTDB 的自定义分类号,正常我们只需要第二列和第三列。

```
1 | $ zcat taxon.map.gz | head -n 6
```

```
1
                no rank root root
                superkingdom Archaea root
2
  2
         1
3
                superkingdom Bacteria
  3
         1
                                          root
         3
                phylum 4572-55 Bacteria
4 4
5
  5
         3
                phylum AABM5-125-24 Bacteria
                phylum AB1-6 Bacteria
6 6
```

运行命令:

```
1 | $ zcat classify.txt.gz | grep -P "^C" | cut -f2,3 | head -n 6
```

```
1 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:12943:1016 25457
2 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:12337:1031 18331
3 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:16866:1047 8364
4 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:22742:1047 23158
5 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:28664:1063 559
6 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:20473:1094 25986
```

将第二例翻译成物种世系格式:

```
1 | $ zcat classify.txt.gz | grep -P "^C" | cut -f2,3 | head -n 6 | taxon-utils translate -c 2 taxon.map.gz -
```

- A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:12943:1016 25457 k:Bacteria,p:Eremiobacterota,c:Eremiobacteria,o:UBP12,f:UBA5184,g:Palsa-1478,s:Palsa-1478 sp003140215 3,56,265,1390,3343,8109,25457
- 2 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:12337:1031 18331 k:Bacteria,p:Gemmatimonadota,c:Gemmatimonadetes,o:Gemmatimonadales,f:Gemmatimonadaceae,g:Fen-1231,s:Fen-1231 sp003171215 3,78,283,806,2237,5826,18331
- A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:16866:1047 8364 k:Bacteria,p:Actinobacteriota,c:Actinobacteria,o:Actinomycetales,f:Micrococca ceae,g:Pseudarthrobacter 3,9,171,559,2483,8364
- 4 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:22742:1047 23158 k:Bacteria,p:Proteobacteria,c:Alphaproteobacteria,o:Rhizobiales,f:Beijerincki aceae,g:Methylobacterium,s:Methylobacterium sp003173775 3,110,175,1021,1696,7507,23158
- 5 A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:28664:1063 559 k:Bacteria,p:Actinobacteriota,c:Actinobacteria,o:Actinomycetales 3,9,171,559
- A01050:204:HF7FGDSXY:4:1101:20473:1094 25986
 k:Bacteria,p:Actinobacteriota,c:Actinobacteria,o:Actinomycetales,f:Dermatophi
 laceae,g:Pedococcus,s:Pedococcus sp001426245
 3,9,171,559,1919,8203,25986

多输出两列,一列为主要分类水平: k,p,c,o,f,g,s 界门纲目科属种分类, 一列为对应的数值编号,比如:

k:Bacteria,p:Actinobacteriota,c:Actinobacteria,o:Actinomycetales,f:Dermatophilaceae,g:Pedococcus,s:Pedococcus sp001426245,分类之间使用 , 分割。

命令行参数 1: -n 指定需要翻译的数字编号, 比如: 25986。

- 1 | \$ taxon-utils translate -n taxon.map.gz 25986
- k:Bacteria,p:Actinobacteriota,c:Actinobacteria,o:Actinomycetales,f:Dermatophi
 laceae,g:Pedococcus,s:Pedococcus sp001426245
 3,9,171,559,1919,8203,25986

本文材料为 BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies) 课程 Linux Command Line Tools for Life Scientists 材料,版权归上海逻捷信息科技有限公司所有。

Last Update: 2020-08-10 11:56 AM