

# atlas-utils之对ZOTU表进行按照样本数目进行分割：partition

## 一、atlas-utils partition介绍

功能描述：

`atlas-utils partition` 根据样本编号对 `ZOTU` 表进行拆分，返回分割的样本数目。

命令行接口：

```
1 $ atlas-utils partition
2
3 Usage: atlas-utils partition [options] <otutab> <prefix>
4
5 Options:
6   -n samples per partition: default: [30];
```

可选参数：

```
1   -n 每个样品的大小，默认为30；
```

## 二、使用场景实例及其用法

示例演示：

示例文件：

```
1 $ cat zotu_table.txt | head
```

1	#OTU_ID	A-1	A-2	B-1	B-2	C-1	C-2
2	ZOTU_1	0	0	87	278	1829	3608
3	ZOTU_2	223	447	1268	1583	52	69
4	ZOTU_3	0	0	162	159	1116	2021
5	ZOTU_4	0	0	99	50	1250	2172
6	ZOTU_5	0	0	1	8	1216	2143
7	ZOTU_6	1	2	9	16	1155	1938
8	ZOTU_7	0	0	73	41	1044	1883
9	ZOTU_8	0	0	1353	1231	2	1
10	ZOTU_9	0	0	1172	1022	1	2

运行命令：

将 `zotu` 表按样本编号切割，指定参数 `-n` 为 `2`，每两个样本一个文件

```
1 $ ls
```

```
1 zotu_table.txt
```

```
1 | $ atlas-utils partition -n 2 zotu_table.txt sample
```

```
1 | 3
```

```
1 | $ ls
```

```
1 | sample.1.txt sample.2.txt sample.3.txt zotu_table.txt
```

本文材料为 **BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies )** 课程 **Linux Command Line Tools for Life Scientists** 材料，版权归 上海逻捷信息科技有限公司 所有。

Last Update: 2020-09-11 11:56 AM