tsv-utils 之计算相对丰度: abundance

一、tsv-utils abundance 介绍

功能描述:

tsv-utils abundance 通过输入数值型制表符文件计算相对丰度。

命令行接口:

```
1 | $ tsv-utils abundance
2 | 3 | Usage: tsv-utils abundance <tsv> | 4 |
```

二、使用场景实例及其用法

使用场景经典案例:

1. 扩增子数据分析,比如 16s 微生物多样性根据 ZOTU 的数值表,计算 ZOTU 的相对丰度。

示例演示:

示例文件: zotu_table.txt

```
1 $ cat zotu table.txt | head
                         B-2
3 #OTU ID A-1
             A-2 B-1
                               C-1
                                      C-2
4 ZOTU_1 0
             0
                   87
                         278
                                1829
                                      3608
             447 1268 1583 52
5 ZOTU_2 223
                                      69
6 ZOTU_3 0
             0
                   162
                         159
                                1116
                                    2021
                  99
1
7 ZOTU_4 0 0
8 ZOTU_5 0 0
                         50
                                1250
                                      2172
8 ZOTU_5 U
9 ZOTU_6 1 2
70TU 7 0 0
                         8
                                1216 2143
                   9
                         16
                               1155 1938
                  73 41
1353 1231
10 ZOTU_7 0
                               1044 1883
11 ZOTU_8 0
             0
                                2
                                      1
12 ZOTU_9 0
                    1172
                          1022
```

运行命令:

```
$ tsv-utils abundance zotu_table.txt | head
2
                               C-1 C-2
3 #OTU ID A-1
             A-2
                    B-1
                         B-2
              0
                    0.4627 1.551 9.528 10.79
  ZOTU_1 0
   ZOTU_2 0.8106 1.835
                    6.743 8.831 0.2709 0.2064
6 ZOTU_3 0 0
                    0.8615 0.887 5.814 6.045
7 ZOTU_4 0
              0
                   0.5265 0.2789 6.512 6.497
8 ZOTU_5 0 0
                                           6.41
                   0.005318
                               0.04463 6.335
9 ZOTU_6 0.003635
                   0.008211 0.04786 0.08926 6.017 5.797
                   0.3882 0.2287 5.439 5.633
10 ZOTU_7 0 0
11 ZOTU_8 0
             0
                   7.195 6.867 0.01042 0.002991
                    6.233 5.701 0.005209
12 ZOTU_9 0
             0
                                           0.005983
```

本文材料为 BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies) 课程 Linux Command Line Tools for Life Scientists 材料,版权归上海逻捷信息科技有限公司所有.

Last Update: Friday, August 28, 2020