

tsv-utils之计算文件的行数-tsv-utils nlines

一、tsv-utils nlines介绍

功能描述：

`tsv-utils nlines` 计算文件的行数，可添加输出结果的注释信息。

命令行接口：

```
1 $ tsv-utils nlines
2
3 Usage: tsv-utils nlines [options] <text>
4 Options:
5   -a STR print auxiliary information. ie: sample_id;
6   -i      flag to ignore lines start with '#';
```

可选参数：

```
1 -a 字符串    添加注释标签；
2 -i          忽略以'#'开头的行；
```

二、使用场景实例及其用法

示例演示：

示例文件：`kofams.txt`

```
1 $ cat kofams.txt | head -n 6
```

```
1 #seqid ko      threshold      score  eval   domain_coverage
   query_coverage definition      type
2 Y1_g_00002      K03686  415.90  500.5  1.4e-150      0.50  0.98
   molecular chaperone DnaJ
3 Y1_g_00003      K04043  830.13  895.1  7.1e-270      0.79  0.99
   molecular chaperone DnaK
4 Y1_g_00004      K03687  30.90   186.6  1.1e-55 0.43  0.92  molecular
   chaperone GrpE
5 Y1_g_00005      K03705  67.20   310.9  2.3e-93 0.79  0.98  heat-
   inducible transcriptional repressor
6 Y1_g_00006      K02495  263.57  311.1  2.2e-93 0.71  0.97  oxygen-
   independent coproporphyrinogen III oxidase [EC:1.3.98.3]
```

运行命令：

参数使用**1**： 设置参数 `-a`，添加注释信息, 设置参数 `-i`，忽略以'#'开头的行。

```
1 $ tsv-utils nlines -i -a "Y1" kofams.txt
```

```
1 Y1      1413
```

本文材料为 **BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies)** 课程 **Linux Command Line Tools for Life Scientists** 材料，版权归 上海逻捷信息科技有限公司 所有。

Last Update: 8/30/2020 7:11:08 PM