

# biostack-suits-docs: Docs for tools in biostack-suits

## 1. 命令行工具介绍

1	tsv-utils	cut	-d -f2,3	zotu_table.txt	>
	zotu_table.subset.txt				
2					
3		Subcommand	Parameter option		Output
	filename				
4	Binary file		Parameter option	Input file	Redirect
	stdout				

命令程序主要有几部分组成:

1	Binary file	可执行文件
2	Subcommand	子命令(可选)
3	Parameter option	参数选项
4	Input file	输入文件
5	Redirect output	输出重定向符号
6	Output filename	输入文件列表

**注意事项:** 注意保留不同组成部分之间的空格。

- 2. [tsv-utils](#): tools for manipulate tsv files.
- 3. [fastx-utils](#): tools for manipulate fasta/q files.
- 4. [atlas-utils](#): tools for microbiome data analysis.
- 5. [taxon-utils](#): tools for taxonomy data manipulation.