

# fastx-utils之修饰序列的名字: label

## 一、fastx-utils label介绍

功能描述:

`fastx-utils label` 修饰序列的名字, 比如添加样本信息, “;sample=X1”。

命令行接口:

```
1 $ fastx-utils label
2
3 Usage: fastx-utils label [options] <fasta/q> <label>
4 Options:
5   -b label before sequence name(left side).
```

可选参数:

```
1 -b      标签在序列之前（左侧）；
```

## 二、使用场景实例及其用法

使用场景经典案例:

1. 扩增子数据分析, 添加序列的样本注释信息;

示例演示:

示例文件: `sequence.fastq`

```
1 $ cat sequence.fastq | head -n8
```





