# tsv-utils之矩格式转换: matrix2melt

## 一、tsv-utils matrix2melt 介绍

#### 功能描述:

tsv-utils matrix2melt 根据提供的 ID 映射表抽取矩阵中的数值,可用于估计分组中的 ID 之间的距离,比如Anosim作图;

#### 命令行接口:

```
1 | $ tsv-utils matrix2melt
2 |
3 | Usage: tsv-utils matrix2melt <matrix> <map>
```

## 二、使用场景实例及其用法

#### 示例演示:

示例文件: bray\_curtis.txt, mapping\_file.txt

```
1 | $ cat bray_curtis.txt
```

```
    1
    bray_curtis
    A-1
    A-2
    B-1
    B-2
    C-1
    C-2

    2
    A-1
    0
    0.110
    0.986
    0.986
    0.990
    0.991

    3
    A-2
    0.110
    0
    0.976
    0.976
    0.990
    0.990

    4
    B-1
    0.986
    0.976
    0
    0.134
    0.872
    0.874

    5
    B-2
    0.986
    0.976
    0.134
    0
    0.868
    0.870

    6
    C-1
    0.990
    0.990
    0.872
    0.868
    0
    0.0601

    7
    C-2
    0.991
    0.990
    0.874
    0.870
    0.0601
    0
```

```
1 $ cat mapping_file.txt | head -n6
```

```
1 #SampleID Description
2 A-1 A
3 A-2 A
4 B-1 B
5 B-2 B
6 C-1 C
```

### 运行命令:

1 \$ tsv-utils matrix2melt bray\_curtis.txt mapping\_file.txt

```
1 A 0.110
2 B 0.134
3 C 0.0601
```

本文材料为 **BASE** (Biostack Applied bioinformatic SEies ) 课程 **Linux Command Line Tools for Life Scientists** 材料,版权归 上海逻捷信息科技有限公司 所有。

Last Update: 8/31/2020 8:52:04 PM