tsv-utils之指定的文件列进行注释: subset

一、tsv-utils subset介绍

功能描述:

tsv-utils subset 根据列表中的元素,对文件中的指定列进行操作,取交集或者补集。

命令行接口:

可选参数:

```
1 -c 整数 指定目标列,默认为第一列;
2 -r 设定该参数则为选取补集,默认为取交集;
3 -k 设定使用命令行参数字符串选取列;
```

二、使用场景实例及其用法

经典使用案例

1. 16S扩增子数据分析: 去除线粒体/叶绿体污染以及其它污染序列后获取的序列标识符, 从原始 **ZOTU** 表抽取无污染的 **ZOTU** , 并生成新的 **ZOTU** 表。

示例演示

示例文件: zotu_table.txt, zotu_identifiers.txt

```
1 | $ cat zotu_identifiers.txt | head -n6
2 ZOTU_19
3 ZOTU_5
4 ZOTU_9
   ZOTU_12
6 ZOTU_7
7
   ZOTU_18
9 \ cat zotu_table.txt | head -n6
10 #OTU ID A-1 A-2 B-1 B-2
                                C-1
                                       C-2
11 ZOTU_1 0
              0
                    87
                          278
                                1829
                                       3608
12 ZOTU_2 223
              447 1268 1583 52
                                       69
13 ZOTU_3 0
              0
                   162 159
                                       2021
                                1116
14 ZOTU_4 0
              0
                          50
                     99
                                 1250
                                       2172
              0
15 ZOTU_5 0
                         8
                                 1216
                     1
                                       2143
```

示例1: 根据ZOTU列表文件生成子 ZOTU 表

1	\$ tsv-uti	ls subset -c	1 zot	u_table.	txt zot	u_identifiers.txt head -n6
2	#OTU ID A	-1 A-2	B-1	B-2	C-1	C-2
3	ZOTU_1 0	0	87	278	1829	3608
4	ZOTU_2 2	23 447	1268	1583	52	69
5	ZOTU_3 0	0	162	159	1116	2021
6	ZOTU_4 0	0	99	50	1250	2172
7	ZOTU_5 0	0	1	8	1216	2143

示例2:根据ZOTU字符串抽取 ZOTU 丰度表,使用 -k 参数通过字符串传递列表;

```
1 $ tsv-utils subset -c 1 -k zotu_table.txt ZOTU_1,ZOTU_2

2 #OTU ID A-1 A-2 B-1 B-2 C-1 C-2

3 ZOTU_1 0 0 87 278 1829 3608

4 ZOTU_2 223 447 1268 1583 52 69
```

示例3:根据ZOTU字符串不包含列表标识符的 ZOTU 丰度信息,使用 -r 求补集;

1	\$ tsv-utils s	ubset -c	1 -r	zotu_table.txt		zotu_identifiers.txt head -		
2	#OTU ID A-1	A-2	B-1	B-2	C-1	C-2		
3	ZOTU_608	29	38	0	0	0	0	
4	ZOTU_629	0	0	18	8	0	0	
5	ZOTU_654	0	0	0	0	5	17	
6	ZOTU_656	22	5	0	0	0	0	
7	ZOTU_674	10	21	0	0	0	0	

本文材料为 BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies) 课程 Linux Command Line Tools for Life Scientists 材料,版权归上海逻捷信息科技有限公司所有。

Last Update: Friday, August 28, 2020