atlas-utils之对(Z)OTU排序: rank

一、atlas-utils rank介绍

功能描述:

atlas-utils rank 对给定(Z)OTU表进行排序,并输出指定数据的 (Z)OTU 或者物种分类,其余可归并到 others 分类。

命今行接口:

```
$ atlas-utils rank
Usage: tsv-utils rank [options] <tsv>
Options:
-r INT top catalogs.
-m merge remain to others level.
-a merge above_ to others level.
```

可选参数:

```
-r整数 显示指定的行数;-m合并剩下的行到一起;-a将above_level的分类合并至Others分类;
```

二、使用场景实例及其用法

示例演示:

示例文件: zotu_table.txt

```
$ cat zotu_table.txt | head -n 10
```

```
B-1
                   B-2 C-1
#OTU ID A-1 A-2
                             C-2
                       1829 3608
ZOTU_1 0
        0
                   278
             87
        447 1268 1583 52
ZOTU_2 223
                            69
        0
             162
                  159
ZOTU_3 0
                       1116
                           2021
ZOTU_4 0
        0
             99
                  50
                       1250 2172
                       1216
                           2143
ZOTU_5 0
        0
              1
                   8
        2
                  16
                       1155 1938
ZOTU_6 1
             9
             73
                  41
ZOTU_7 0
        0
                       1044 1883
        0
ZOTU_8 0
             1353 1231 2
                             1
ZOTU_9 0
             1172
                   1022 1
                             2
```

运行命令:

对 zotu_table.txt 进行排序。

```
$ atlas-utils rank zotu_table.txt | head -n 10
```

#OTU ID A-1 A-2 B-1 B-2 C-1 C-2 ZOTU_1 0 0 87 278 1829 3608 ZOTU 4 0 0 99 50 1250 2172
ZOTU 4 0 0 99 50 1250 2172
ZOTU_5 0 0 1 8 1216 2143
ZOTU_3 0 0 162 159 1116 2021
ZOTU_6 1 2 9 16 1155 1938
ZOTU_7 0 0 73 41 1044 1883
ZOTU_10 0 0 0 0 889 1650
ZOTU_2 223 447 1268 1583 52 69
ZOTU_13 0 0 1 0 795 1513

参数选项1: 设置 -r 参数, 指定显示的行数。

\$ atlas-utils rank -r 10 zotu_table.txt

#OTU ID	A-1	A-2	B-1	B-2	C-1	C-2
ZOTU_1	0	0	87	278	1829	3608
ZOTU_4	0	0	99	50	1250	2172
ZOTU_5	0	0	1	8	1216	2143
ZOTU_3	0	0	162	159	1116	2021
ZOTU_6	1	2	9	16	1155	1938
ZOTU_7	0	0	73	41	1044	1883
ZOTU_10	0	0	0	0	889	1650
ZOTU_2	223	447	1268	1583	52	69
Z0TU_13	0	0	1	0	795	1513
ZOTU_12	0	0	1	0	886	1503

参数选项2: 设置 -m 参数, 将剩余的合并在一起。

#OTU ID	A-1	A-2	B-1	B-2	C-1	C-2		
ZOTU_1	0	0	87	278	1829	3608		
ZOTU_4	0	0	99	50	1250	2172		
ZOTU_5	0	0	1	8	1216	2143		
ZOTU_3	0	0	162	159	1116	2021		
ZOTU_6	1	2	9	16	1155	1938		
ZOTU_7	0	0	73	41	1044	1883		
ZOTU_10	0	0	0	0	889	1650		
ZOTU_2	223	447	1268	1583	52	69		
ZOTU_13	0	0	1	0	795	1513		
Others	2.728e+	04	2.391e+0	04	1.71e+04	1	1.579e+04	9850

注意事项:针对 above_level level为分类水平,是指那些可以至少分类到 kindom 水平,但是又高于当前分类水平的分类,此类在执行 rank -a 操作会被归并到 others 分类。

本文材料为 BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies) 课程 Linux Command Line Tools for Life Scientists 材料,版权归 上海逻捷信息科技有限公司 所有。

Last Update: 2020-09-09 11:56 AM