

atlas-utils之获取对应的列： subsamples

一、atlas-utils subsamples介绍

功能描述：

`atlas-utils subsamples` 根据指定的列标识符（第一行中指定的名称），获取对应的列或者多列信息，强制包含第一列信息，比如从 **(Z)OTU** 表中抽取一部分样本的数值，形成新的 **(Z)OTU** 表；。

命令行接口：

```
1 $ atlas-utils subsamples
2
3 Usage: atlas-utils subsamples <otu-table> <samples| ',' >
```

二、使用场景实例及其用法

示例演示：

示例文件： `zotu_table.txt`

```
1 $ cat zotu_table.txt | head
```

```
1 #OTU ID A-1      A-2      B-1      B-2      C-1      C-2
2 ZOTU_1  0         0         87        278      1829     3608
3 ZOTU_2  223        447       1268      1583     52        69
4 ZOTU_3  0         0         162       159      1116     2021
5 ZOTU_4  0         0         99        50       1250     2172
6 ZOTU_5  0         0         1         8        1216     2143
7 ZOTU_6  1         2         9         16       1155     1938
8 ZOTU_7  0         0         73        41       1044     1883
9 ZOTU_8  0         0         1353      1231     2         1
10 ZOTU_9  0         0         1172      1022     1         2
```

运行命令：

获取指定 `A-1` 列的信息。

```
1 $ atlas-utils subsamples zotu_table.txt A-1 | head
```

```
1 #OTU ID A-1
2 ZOTU_1  0
3 ZOTU_2  223
4 ZOTU_3  0
5 ZOTU_4  0
6 ZOTU_5  0
7 ZOTU_6  1
8 ZOTU_7  0
9 ZOTU_8  0
10 ZOTU_9  0
```

获取多列的信息

```
1 | $ atlas-utils subsamples zotu_table.txt A-1,B-1 | head
```

```
1 | #OTU ID A-1      B-1
2 | ZOTU_1  0        87
3 | ZOTU_2  223      1268
4 | ZOTU_3  0        162
5 | ZOTU_4  0        99
6 | ZOTU_5  0        1
7 | ZOTU_6  1        9
8 | ZOTU_7  0        73
9 | ZOTU_8  0        1353
10 | ZOTU_9  0        1172
```

本文材料为 **BASE (Biostack Applied bioinformatic SEies)** 课程 **Linux Command Line Tools for Life Scientists** 材料，版权归 上海逻捷信息科技有限公司 所有。

Last Update: 2020-08-10 11:56 AM