

Introducción al Análisis de Datos con R

Rubén Fernández-Casal, Javier Roca-Pardiñas y Julián Costa

2019-10-01

Índice general

Prólogo	5
1 Introducción	7
1.1 El lenguaje y entorno estadístico R	7
1.2 Entorno de trabajo	9
1.3 Librerías	11
1.4 Una primera sesión	12
1.5 Objetos básicos	14
1.6 Área de trabajo	17
2 Estructuras de datos	19
2.1 Vectores	19
2.2 Matrices y arrays	24
2.3 Data frames	28
2.4 Listas	29
3 Gráficos	31
3.1 El comando plot	31
3.2 Funciones gráficas de bajo nivel	32
3.3 Ejemplos	32
3.4 Parámetros gráficos	36
3.5 Múltiples gráficos por ventana	36
3.6 Exportar gráficos	37
3.7 Otras librerías gráficas	38
4 Manipulación de datos	41
4.1 Lectura, importación y exportación de datos	41
4.2 Manipulación de datos	46
5 Análisis exploratorio de datos	51
5.1 Medidas resumen	51
5.2 Gráficos	58
6 Inferencia estadística	77
6.1 Normalidad	78
6.2 Contrastes	79
6.3 Regresión y correlación	83
6.4 Análisis de la varianza	91
7 Modelado de datos	95
7.1 Modelos de regresión	95
7.2 Fórmulas	96
7.3 Ejemplo: regresión lineal simple	96

8 Modelos lineales	97
8.1 Ejemplo	97
8.2 Ajuste: función <code>lm</code>	99
8.3 Predicción	102
8.4 Selección de variables explicativas	103
8.5 Regresión con variables categóricas	108
8.6 Interacciones	110
8.7 Diagnóstico del modelo	113
8.8 Métodos de regularización	118
8.9 Alternativas	122
9 Modelos lineales generalizados	129
9.1 Ajuste: función <code>glm</code>	129
9.2 Regresión logística	130
9.3 Predicción	133
9.4 Selección de variables explicativas	133
9.5 Diagnóstico del modelo	136
9.6 Alternativas	138
10 Regresión no paramétrica	139
10.1 Modelos aditivos	139
11 Programación	147
11.1 Funciones	147
11.2 Ejecución condicional	157
11.3 Bucles y vectorización	157
11.4 Aplicación: validación cruzada	161
12 Generación de informes	169
12.1 R Markdown	169
12.2 Spin	172
Referencias	173
Bibliografía complementaria	173
A Enlaces	175
A.1 RStudio	176
B Instalación de R	179
B.1 Instalación de R en Windows	180
C Interfaces gráficas	181
C.1 RStudio	181
C.2 RCommander	181
D Manipulación de datos con dplyr	187
D.1 El paquete <code>dplyr</code>	187
D.2 Operaciones con variables (columnas)	188
D.3 Operaciones con casos (filas)	189
D.4 Resumir valores con <code>summarise()</code>	190
D.5 Agrupar casos con <code>group_by()</code>	190
D.6 Operador <code>pipe %>%</code> (tubería, redirección)	190
E Compañías que usan R	193
E.1 Microsoft	193
E.2 RStudio	194

Prólogo

Este es un libro introductorio al análisis de datos con R.

Este libro ha sido escrito en R-Markdown empleando el paquete `bookdown` y está disponible en el repositorio Github: `rubenfcasal/intror`. Se puede acceder a la versión en línea a través del siguiente enlace:

<https://rubenfcasal.github.io/intror>.

donde puede descargarse en formato pdf.

Para ejecutar los ejemplos mostrados en el libro será necesario tener instalados los siguientes paquetes: `lattice`, `ggplot2`, `foreign`, `car`, `leaps`, `MASS`, `RcmdrMisc`, `lmtest`, `glmnet`, `mgcv`, `rmarkdown`, `knitr`, `dplyr`. Por ejemplo mediante el comando:

```
pkgs <- c("lattice", "ggplot2", "foreign", "car", "leaps", "MASS", "RcmdrMisc",
          "lmtest", "glmnet", "mgcv", "rmarkdown", "knitr", "dplyr")

install.packages(setdiff(pkgs, installed.packages()[,"Package"]), dependencies = TRUE)
# Si aparecen errores debidos a incompatibilidades entre las versiones de los paquetes,
# probar a ejecutar en lugar de lo anterior:
# install.packages(pkgs, dependencies=TRUE) # Instala todos...
```

Para generar el libro (compilar) serán necesarios paquetes adicionales, para lo que se recomendaría consultar el libro de “Escritura de libros con bookdown” en castellano.

Este obra está bajo una licencia de Creative Commons Reconocimiento-NoComercial-SinObraDerivada 4.0 Internacional (esperamos poder liberarlo bajo una licencia menos restrictiva más adelante...).



Capítulo 1

Introducción

El entorno estadístico R puede ser una herramienta de gran utilidad a lo largo de todo el proceso de obtención de información a partir de datos (normalmente con el objetivo final de ayudar a tomar decisiones).

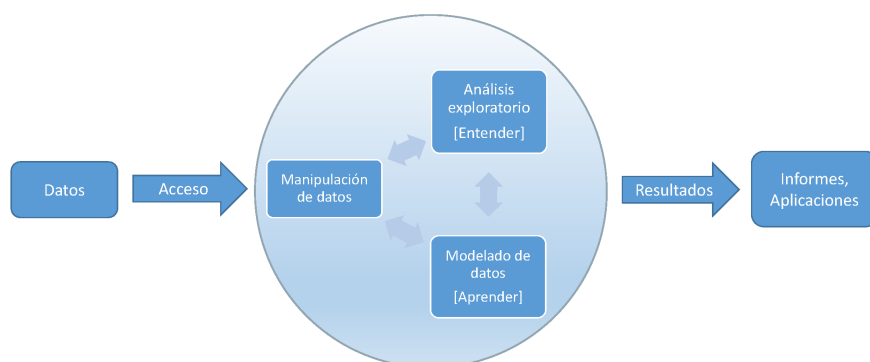


Figura 1.1: Etapas del proceso

1.1 El lenguaje y entorno estadístico R

R es un lenguaje de programación desarrollado específicamente para el análisis estadístico y la visualización de datos.

- El lenguaje R es interpretado (similar a Matlab o Python) pero orientado al análisis estadístico (fórmulas, modelos, factores,...).
 - derivado del S (Laboratorios Bell).
- R es un **Software Libre** bajo las condiciones de licencia GPL de GNU, con código fuente de libre acceso.
 - Además de permitir crear **nuevas funciones**, se pueden examinar y modificar las ya existentes.
- Multiplataforma, disponible para los sistemas operativos más populares (Linux, Windows, MacOS X, ...).

1.1.1 Principales características

Se pueden destacar las siguientes características del entorno R:

- Dispone de numerosos complementos (librerías, paquetes) que cubren “literalmente” todos los campos del análisis de datos.
- Repositorios:
 - CRAN (9705, 14972, ...)
 - Bioconductor (1289, 1741, ...),
 - GitHub, ...
- Existe una comunidad de usuarios (programadores) muy dinámica (multitud de paquetes adicionales).
- Muy bien documentado y con numerosos foros de ayuda.
- Puntos débiles (a priori): velocidad, memoria, ...

Aunque inicialmente fue un lenguaje desarrollado por estadísticos para estadísticos:

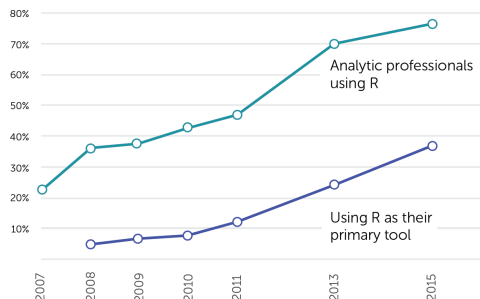


Figura 1.2: Rexer Data Miner Survey 2007-2015

Hoy en día es muy popular:

Rank	Language	Type	Score
1	Python	⊕ ☐ ☑	100.0
2	Java	⊕ ☐ ☑	96.3
3	C	☐ ☑ ☑	94.4
4	C++	☐ ☑ ☑	87.5
5	R	☐ ☑	81.5
6	JavaScript	⊕	79.4
7	C#	⊕ ☐ ☑ ☑	74.5
8	Matlab	☐ ☑	70.6
9	Swift	☐ ☑	69.1
10	Go	⊕ ☐ ☑	68.0

Figura 1.3: [IEEE Spectrum](<https://spectrum.ieee.org>) Top Programming Languages, 2019

R destaca especialmente en:

- Representaciones gráficas.

- Métodos estadísticos “avanzados”:
 - *Data Science: Statistical Learning, Data Mining, Machine Learning, Business Intelligence, ...*
 - Datos funcionales.
 - Estadística espacial.
 - ...
- Análisis de datos “complejos”:
 - Big Data.
 - Lenguaje natural (*Text Mining*).
 - Análisis de redes.
 - ...

1.1.2 Interfaces gráficas

El programa R utiliza una **interfaz de comandos** donde se teclean las instrucciones que se pretenden ejecutar (ver Figura 1.4).

Por ejemplo, para obtener una secuencia de números desde el 1 hasta el 10, se utilizará la sentencia:

```
1:10
```

obteniéndose el resultado

```
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

En el Apéndice B se detallan los pasos para la instalación de R, y en el Apéndice C los de otras interfaces gráficas.

1.2 Entorno de trabajo

1.2.1 Ventana de Consola

Al abrir el programa R, tal y como ya se ha visto, aparece la siguiente ventana de consola para trabajar de modo interactivo en modo comando (ver Figura 1.4).

En la ventana de consola cada línea en que el usuario puede introducir información se inicia con el carácter > que pone el sistema R.

- Para ejecutar las instrucciones que están en una línea, se pulsa la tecla de Retorno (y por defecto se imprime el resultado).

```
2+2
```

```
## [1] 4
```

```
1+2*4
```

```
## [1] 9
```

- Se pueden escribir varias instrucciones en una misma línea separándolas por “;”

```
2+2;1+2*4
```

```
## [1] 4
```

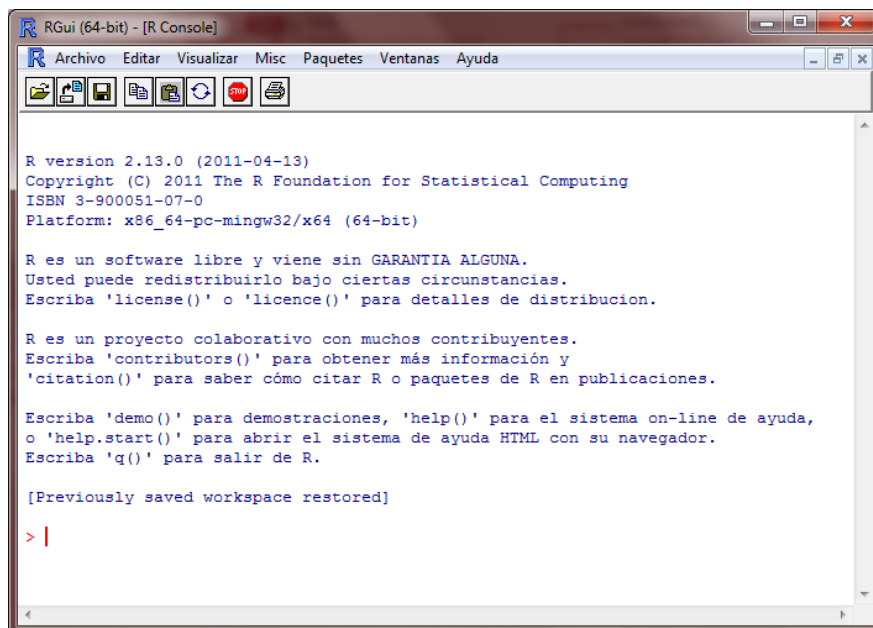


Figura 1.4: Consola de 'R' en Windows (modo MDI).

[1] 9

- Se pueden recuperar líneas de instrucciones introducidas anteriormente pulsando la tecla con la flecha ascendente del teclado, a fin de re-ejecutarlas o modificarlas.

1.2.2 Ventana de Script

La ventana consola ejecuta de forma automática cada línea de comando. Sin embargo, suele interesar guardar un conjunto de instrucciones en un único archivo de texto para formar lo que se conoce como un *script*. Las instrucciones del script se copian y pegan en la ventana de comandos para ser ejecutadas.

Para crear un fichero de script se selecciona el submenú *Nuevo script* dentro del menú *Archivo*. Otra posibilidad es utilizar directamente la combinación de teclas Ctrl+N.

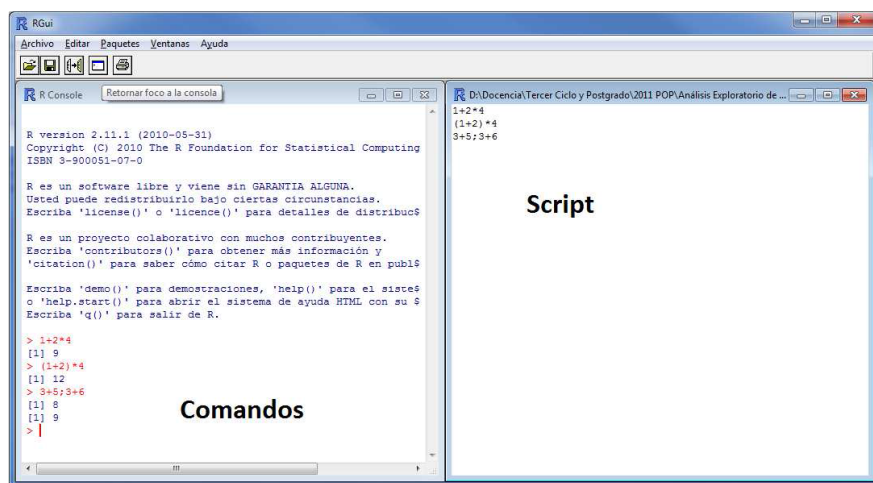


Figura 1.5: Ventanas de la consola y de *script* en Windows (modo MDI).

Para guardar este tipo de fichero se utiliza directamente el menú *Archivo > Guardar como...* y se elige a continuación la ubicación en el disco duro del ordenador.

De igual modo para abrir un script existente se hace a través del menú *Archivo > Abrir script...*

En el Apéndice A se incluyen enlaces a numerosos recursos para el aprendizaje de R, incluyendo manuales y libros, además de otros recursos para la obtención de ayuda.

1.2.3 Ayuda dentro del programa

Como ya se ha comentado con anterioridad, hay manuales de R a los que se puede acceder a través del menú *Ayuda > Manuales (en PDF)*

Puede empezarse utilizando `help.start()` o `demo()`.

Todas las funciones de R tienen su documentación integrada en el programa. Para obtener la ayuda de una determinada función se utilizará `help(función)` o de forma equivalente `?función`.

Por ejemplo, la ayuda de la función `rnorm` (utilizada para la generación de datos normales) se obtiene con el código

```
help(rnorm)
?rnorm
```

En muchas ocasiones no se conoce el nombre exacto de la función de la que queremos obtener la documentación. En estos casos, la función `help.search()` realiza búsquedas en la documentación en todos los paquetes instalados, estén cargados o no.

Por ejemplo, si no conocemos la función que permite calcular la mediana de un conjunto de datos, se puede utilizar

```
help.search("median")
```

Para más detalles véase `?help.search`

1.3 Librerías

1.3.1 Paquetes

Al iniciar el programa R se cargan por defecto una serie de librerías básicas con las que se pueden realizar una gran cantidad de operaciones básicas. Estas librerías conforman el llamado **paquete base**.

En otras ocasiones es necesario cargar otras librerías distintas a las anteriores. Esto se hace a través de los llamados paquetes (packages) que pueden ser descargados directamente de la web

<http://cran.r-project.org/web/packages/>

o directamente a través del menú **Paquetes**.

1.3.2 Instalación

La instalación de un paquete, bajo el sistema operativo Windows, se puede hacer de varias formas:

- Desde el menú *Paquetes > Instalar paquete(s)...*
- Desde la ventana de consola utilizando la instrucción

```
install.packages("nombre del paquete")
```

Este proceso sólo es necesario realizarlo la primera vez que se utilice el paquete.

1.3.3 Carga

Para utilizar un paquete ya instalado será necesario cargarlo, lo cual se puede hacer de varias formas:

- Desde el menú Paquetes > Cargar paquete(s)...
- Por consola, utilizando `library(nombre del paquete)`

Esta operación será necesario realizarla cada vez que se inicie una sesión de R.

Finalmente, la ayuda de un paquete se puede obtener con la sentencia

```
library(help = "nombre del paquete")
```

1.4 Una primera sesión

1.4.1 Inicio de una sesión

El programa R (bajo Windows) se arranca al hacer un doble-click sobre el icono del programa. Entonces aparecerá la ventana de consola donde se escribirán los comandos y los resultados serán mostrados inmediatamente por pantalla.

Veamos algún ejemplo:

```
3+5
```

```
## [1] 8
```

```
sqrt(16) # raíz cuadrada de 16
```

```
## [1] 4
```

```
pi # R reconoce el número pi
```

```
## [1] 3.141593
```

Nótese que en los comandos se pueden hacer comentarios utilizando el símbolo #.

Los resultados obtenidos pueden guardarse en objetos. Por ejemplo, al escribir

```
a <- 3 + 5
```

el resultado de la suma se guarda en `a`. Se puede comprobar si la asignación se ha realizado correctamente escribiendo el nombre del objeto

```
a
```

```
## [1] 8
```

La asignación anterior se puede hacer del siguiente modo ejemplo, al escribir

```
a <- 3 + 5; a
```

```
## [1] 8
```

Nota: Habitualmente no habrá diferencia entre la utilización de las asignaciones hechas con `=` y `<-` (aunque nosotros emplearemos el segundo). Las diferencias aparecen a nivel de programación y se tratarán en el Capítulo 11.

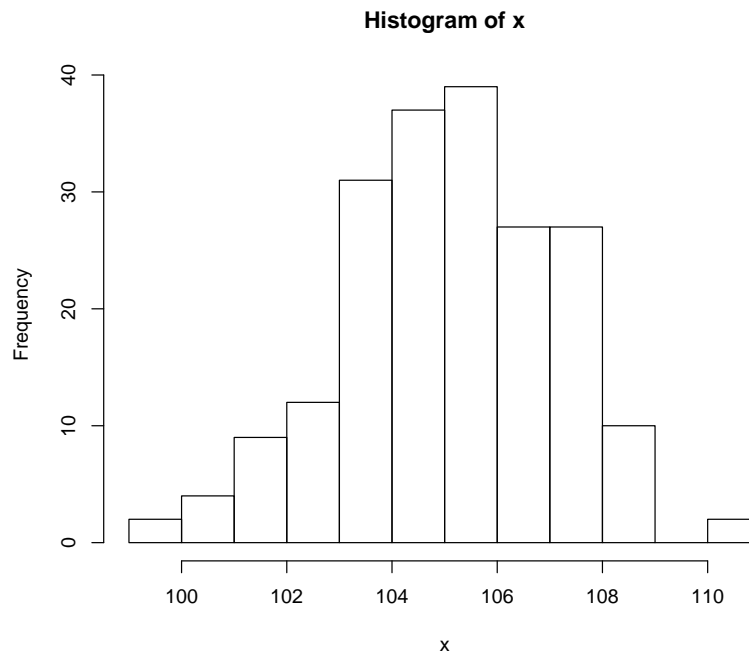
Veamos ahora un ejemplo un poco más avanzado. Con el siguiente código

- Se obtienen 200 datos simulados siguiendo una distribución gaussiana de media 105 y desviación típica 2
- Se hace un resumen estadístico de los valores obtenidos
- Se hace el correspondiente histograma y gráfico de cajas

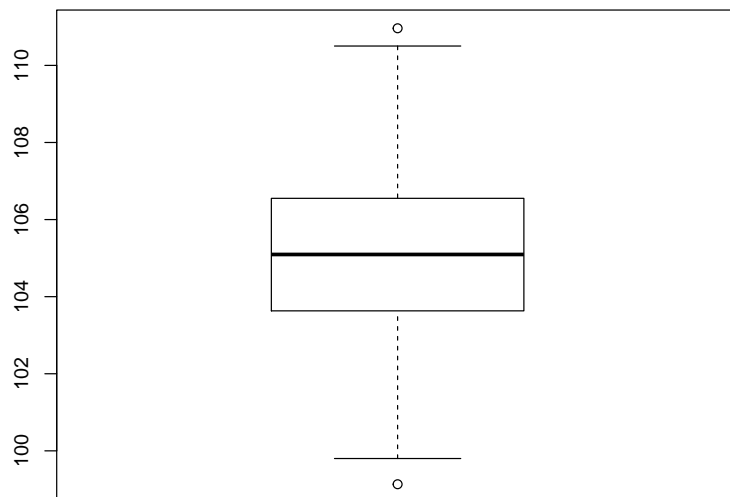
```
x <- rnorm(n = 200, mean = 105, sd = 2) #datos normales
summary(x) # resumen estadístico
```

```
##      Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
##   99.13 103.64 105.09 105.07 106.54 110.96
```

```
hist(x) # histograma
```



```
boxplot(x) # gráfico de cajas
```



Es importante señalar que R diferencia entre mayúsculas y minúsculas, de modo que los objetos `a` y `A` serán diferentes.

```
a <- 1:10 # secuencia de números
A <- "casa"
a
```

```
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```

```
A
```

```
## [1] "casa"
```

1.5 Objetos básicos

R es un lenguaje **orientado a objetos** lo que significa que las variables, datos, funciones, resultados, etc., se guardan en la memoria del ordenador en forma de *objetos* con un nombre específico.

Los principales tipos de valores básicos de R son:

- numéricos,
- cadenas de caracteres, y
- lógicos

1.5.1 Objetos numéricos

Los valores numéricos adoptan la notación habitual en informática: punto decimal, notación científica, ...

```
pi
```

```
## [1] 3.141593
```

```
1e3
```

```
## [1] 1000
```

Con este tipo de objetos se pueden hacer operaciones aritméticas utilizando el operador correspondiente.

```
a <- 3.4
```

```
b <- 4.5
```

```
a * b
```

```
## [1] 15.3
```

```
a / b
```

```
## [1] 0.7555556
```

```
a + b
```

```
## [1] 7.9
```

```
min(a, b)
```

```
## [1] 3.4
```

1.5.2 Objetos tipo carácter

Las cadenas de caracteres se introducen delimitadas por comillas (“nombre”) o por apóstrofes (‘nombre’).

```
a <- "casa grande"
```

```
a
```

```
## [1] "casa grande"
```

```
a <- 'casa grande'
```

```
a
```

```
## [1] "casa grande"
```

```
a <- 'casa "grande"'
```

```
a
```

```
## [1] "casa \"grande\""
```

1.5.3 Objetos lógicos

Los objetos lógicos sólo pueden tomar dos valores TRUE (numéricamente toma el valor 1) y FALSE (valor 0).

```
A <- TRUE
```

```
B <- FALSE
```

```
A
```

```
## [1] TRUE
```

```
B
```

```
## [1] FALSE
```

```
# valores numéricos
```

```
as.numeric(A)
```

```
## [1] 1
```

```
as.numeric(B)
```

```
## [1] 0
```

1.5.4 Operadores lógicos

Existen varios operadores en R que devuelven un valor de tipo lógico. Veamos algún ejemplo

```
a <- 2
```

```
b <- 3
```

```
a == b # compara a y b
```

```
## [1] FALSE
```

```
a == a # compara a y a
```

```
## [1] TRUE
```

```
a < b
```

```
## [1] TRUE
```

```
b < a
```

```
## [1] FALSE
```

```
! (b < a) # ! niega la condición
```

```
## [1] TRUE
```

```
2**2 == 2^2
```

```
## [1] TRUE
```

```
3*2 == 3^2
```

```
## [1] FALSE
```

Nótese la diferencia entre = (asignación) y == (operador lógico)

```
2 == 3
```

```
## [1] FALSE
```

```
# 2 = 3 # produce un error:
```

```
# Error en 2 = 3 : lado izquierdo de la asignación inválida (do_set)
```

Se pueden encadenar varias condiciones lógicas utilizando los operadores & (y lógico) y | (o lógico).

```
TRUE & TRUE
```

```
## [1] TRUE
```

```
TRUE | TRUE
```

```
## [1] TRUE
```

```
TRUE & FALSE
```

```
## [1] FALSE
```

```
TRUE | FALSE
```

```
## [1] TRUE
```



```
2 < 3 & 3 < 1

## [1] FALSE

2 < 3 | 3 < 1

## [1] TRUE
```

1.6 Área de trabajo

Como ya se ha comentado con anterioridad es posible guardar los comandos que se han utilizado en una sesión en ficheros llamados **script**. En ocasiones interesará además guardar todos los objetos que han sido generados a lo largo de una sesión de trabajo.

El **Workspace** o **Área de Trabajo** es el entorno en el que se puede guardar todo el trabajo realizado en una sesión. De este modo, la próxima vez que se inicie el programa, al cargar dicho entorno, se podrá acceder a lo objetos almacenados en él.

En primer lugar, para saber los objetos que tenemos en memoria se utiliza la función `ls`. Por ejemplo, supongamos que acabamos de iniciar una sesión de R y hemos escrito

```
a <- 1:10
b <- log(50)
```

Entonces al utilizar `ls` se obtendrá la siguiente lista de objetos en memoria

```
ls()

## [1] "a" "b"
```

También es posible borrar objetos a través de la función `rm`

```
rm(b)
ls()
```

```
## [1] "a"
```

Para borrar todos los objetos en memoria se puede utilizar `rm(list=ls())`

```
rm(list = ls())
```

```
## character(0)
```

`character(0)` (lista vacía) significa que no hay objetos en memoria.

1.6.1 Guardar y cargar resultados

Para guardar el área de trabajo (Workspace) con todos los objetos de memoria (es decir, los que figuran al utilizar `ls()`) se utiliza la función `save.image(nombre archivo)`.

```
rm(list = ls()) # primero borramos toda la memoria
x <- 20
y <- 34
z <- "casa"
save.image(file = "prueba.RData") # guarda area de trabajo en prueba.RData
```

La función `save` permite guardar los objetos seleccionados.

```
save(x, y, file = "prueba2.RData") # guarda los objetos x e y
```

Para cargar una área de trabajo ya existente se utiliza la función `load()`.

```
load("prueba2.RData") # carga área de trabajo
```

1.6.2 Directorio de trabajo

Por defecto R utiliza una carpeta de trabajo donde guardará toda la información. Dicha carpeta se puede obtener con la función

```
getwd()
```

```
## [1] "d:/"
```

El directorio de trabajo se puede cambiar utilizando `setwd(carpeta)`. Por ejemplo, para cambiar el directorio de trabajo a `c:\datos`, se utiliza el comando

```
setwd("c:/datos")  
# Importante la barra utilizada  
# NO funciona setwd("c:\datos")
```

Capítulo 2

Estructuras de datos

En los ejemplos que hemos visto hasta ahora los objetos de R almacenaban un único valor cada uno. Sin embargo, las estructuras de datos que proporciona R permiten almacenar en un mismo objeto varios valores. Las principales estructuras son:

- Vectores
- Matrices y Arrays
- Data Frames
- Listas

2.1 Vectores

Un vector es un conjunto de valores básicos del mismo tipo. La forma más sencilla de crear vectores es a través de la función `c()` que se usa para combinar (concatenar) valores.

```
x <- c(3, 5, 7)
x
```

```
## [1] 3 5 7
```

```
y <- c(8, 9)
y
```

```
## [1] 8 9
```

```
c(x, y)
```

```
## [1] 3 5 7 8 9
```

```
z <- c("Hola", "Adios")
z
```

```
## [1] "Hola" "Adios"
```

2.1.1 Generación de secuencias

Existen varias funciones que permiten obtener secuencias de números

```
x <- 1:5
x

## [1] 1 2 3 4 5
seq(1, 5, 0.5)

## [1] 1.0 1.5 2.0 2.5 3.0 3.5 4.0 4.5 5.0
seq(from=1, to=5, length=9)

## [1] 1.0 1.5 2.0 2.5 3.0 3.5 4.0 4.5 5.0
rep(1, 5)

## [1] 1 1 1 1 1
```

2.1.2 Generación secuencias aleatorias

A continuación se obtiene una simulación de 10 lanzamientos de un dado

```
sample(1:6, size=10, replace = T) #lanzamiento de un dado
```

```
## [1] 1 3 6 3 6 2 5 2 3 1
```

Para simular el lanzamiento de una moneda podemos escribir

```
resultado <- c(cara=1,cruz=0) # se le han asignado nombres al objeto
print(resultado)
```

```
## cara cruz
##      1      0
class(resultado)
```

```
## [1] "numeric"
attributes(resultado)
```

```
## $names
## [1] "cara" "cruz"
names(resultado)
```

```
## [1] "cara" "cruz"
lanz <- sample(resultado, size=10, replace = T)
lanz
```

```
## cara cruz cara cara cruz cara cruz cruz cara cruz
##      1      0      1      1      0      1      0      0      1      0
table(lanz)
```

```
## lanz
## 0 1
## 5 5
```

Otros ejemplos

```
rnorm(10) # rnorm(10, mean = 0, sd = 1)
```

```
## [1] -1.2260986 0.7000235 -0.6844091 -1.9278476 0.3442728 -2.7137350
## [7] 1.7216775 -0.5801234 -0.4646442 -0.1996467
runif(15, min = 2, max = 10)
```

```
## [1] 8.430526 7.892005 3.185115 7.059754 9.041696 9.047843 8.851946
## [8] 4.767540 4.053399 2.977448 7.903762 4.163080 6.134317 4.991602
## [15] 7.656488
```

El lector puede utilizar la función `help()` para obtener la ayuda de las funciones anteriores.

2.1.3 Selección de elementos de un vector

Para acceder a los elementos de un vector se indica entre corchetes el correspondiente vector de subíndices (enteros positivos).

```
x <- seq(-3, 3, 1)
x
```

```
## [1] -3 -2 -1 0 1 2 3
```

```
x[1] # primer elemento
```

```
## [1] -3
```

```
ii <- c(1, 5, 7)
```

```
x[ii] #posiciones 1, 5 y 7
```

```
## [1] -3 1 3
```

```
ii <- x>0; ii
```

```
## [1] FALSE FALSE FALSE FALSE TRUE TRUE TRUE
```

```
x[ii] # valores positivos
```

```
## [1] 1 2 3
```

```
ii <- 1:3
```

```
x[-ii] # elementos de x salvo los 3 primeros
```

```
## [1] 0 1 2 3
```

2.1.4 Ordenación de vectores

```
x <- c(65, 18, 59, 18, 6, 94, 26)
sort(x)
```

```
## [1] 6 18 18 26 59 65 94
```

```
sort(x, decreasing = T)
```

```
## [1] 94 65 59 26 18 18 6
```

Otra posibilidad es utilizar un índice de ordenación.

```
ii <- order(x)
```

```
ii # índice de ordenación
```

```
## [1] 5 2 4 7 3 1 6
```

```
x[ii] # valores ordenados
```

```
## [1] 6 18 18 26 59 65 94
```

La función `rev()` devuelve los valores del vector en orden inverso.

```
rev(x)
```

```
## [1] 26 94 6 18 59 18 65
```

2.1.5 Valores perdidos

Los valores perdidos aparecen normalmente cuando algún dato no ha sido registrado. Este tipo de valores se registran como `NA` (abreviatura de *Not Available*).

Por ejemplo, supongamos que tenemos registrado las alturas de 5 personas pero desconocemos la altura de la cuarta persona. El vector sería registrado como sigue:

```
altura <- c(165, 178, 184, NA, 175)
altura
```

```
## [1] 165 178 184 NA 175
```

Es importante notar que cualquier operación aritmética sobre un vector que contiene algún `NA` dará como resultado otro `NA`.

```
mean(altura)
```

```
## [1] NA
```

Para forzar a R a que ignore los valores perdidos se utiliza la opción `na.rm = TRUE`.

```
mean(altura, na.rm = TRUE)
```

```
## [1] 175.5
```

R permite gestionar otros tipos de valores especiales:

- `NaN` (*Not a Number*): es resultado de una indeterminación.
- `Inf`: R representa valores no finitos $\pm\infty$ como `Inf` y `-Inf`.

```
5/0 # Infinito
```

```
## [1] Inf
```

```
log(0) # -Infinito
```

```
## [1] -Inf
```

```
0/0 # Not a Number
```

```
## [1] NaN
```

2.1.6 Vectores no numéricos

Los vectores pueden ser no numéricos, aunque todas las componentes deben ser del mismo tipo:

```
a <- c("A Coruña", "Lugo", "Ourense", "Pontevedra")
a
```

```
## [1] "A Coruña" "Lugo" "Ourense" "Pontevedra"
letters[1:10] # primeras 10 letas del abecedario

## [1] "a" "b" "c" "d" "e" "f" "g" "h" "i" "j"
LETTERS[1:10] # lo mismo en mayúscula

## [1] "A" "B" "C" "D" "E" "F" "G" "H" "I" "J"
month.name[1:6] # primeros 6 meses del año en inglés

## [1] "January" "February" "March" "April" "May" "June"
```

2.1.7 Factores

Los factores se utilizan para representar datos categóricos. Se puede pensar en ellos como vectores de enteros en los que cada entero tiene asociada una etiqueta (*label*). Los factores son muy importantes en la modelización estadística ya que R los trata de forma especial.

Utilizar factores con etiquetas es preferible a utilizar enteros porque las etiquetas son auto-descriptivas.

Veamos un ejemplo. Supongamos que el vector `sexo` indica el sexo de una persona codificado como 0 si hombre y 1 si mujer

```
sexo <- c(0, 1, 1, 1, 0, 0, 1, 0, 1)
sexo
```

```
## [1] 0 1 1 1 0 0 1 0 1
```

```
table(sexo)
```

```
## sexo
## 0 1
## 4 5
```

El problema de introducir así los datos es que no queda reflejada la etiquetación de los mismos. Para ello guardaremos los datos en una estructura tipo factor:

```
sexo2 <- factor(sexo, labels = c("hombre", "mujer")); sexo2
```

```
## [1] hombre mujer mujer mujer hombre hombre mujer hombre mujer
## Levels: hombre mujer
```

```
levels(sexo2) # devuelve los niveles de un factor
```

```
## [1] "hombre" "mujer"
```

```
unclass(sexo2) # representación subyacente del factor
```

```
## [1] 1 2 2 2 1 1 2 1 2
## attr(,"levels")
## [1] "hombre" "mujer"
```

```
table(sexo2)
```

```
## sexo2
## hombre mujer
##      4      5
```

Veamos otro ejemplo, en el que inicialmente tenemos datos categóricos. Los niveles se toman automáticamente por orden alfabético

```
respuestas <- factor(c('si', 'si', 'no', 'si', 'si', 'no', 'no'))
respuestas
```

```
## [1] si si no si si no no
## Levels: no si
```

Si deseásemos otro orden (lo cual puede ser importante en algunos casos, por ejemplo para representaciones gráficas), habría que indicarlo expresamente

```
respuestas <- factor(c('si', 'si', 'no', 'si', 'si', 'no', 'no'), levels = c('si', 'no'))
respuestas
```

```
## [1] si si no si si no no
## Levels: si no
```

2.2 Matrices y arrays

2.2.1 Matrices

Las *matrices* son la extensión natural de los vectores a dos dimensiones. Su generalización a más dimensiones se llama *array*.

Las matrices se pueden crear concatenando vectores con las funciones `cbind` o `rbind`:

```
x <- c(3, 7, 1, 8, 4)
y <- c(7, 5, 2, 1, 0)
cbind(x, y) # por columnas
```

```
##      x y
## [1,] 3 7
## [2,] 7 5
## [3,] 1 2
## [4,] 8 1
## [5,] 4 0
```

```
rbind(x, y) # por filas
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
## x      3    7    1    8    4
## y      7    5    2    1    0
```

Una matriz se puede crear con la función `matrix` donde el parámetro `nrow` indica el número de filas y `ncol` el número de columnas. Por defecto, los valores se colocan por columnas.

```
matrix(1:8, nrow = 2, ncol = 4) # equivalente a matrix(1:8, nrow=2)
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]    1    3    5    7
## [2,]    2    4    6    8
```

Los nombres de los parámetros se pueden acortar siempre y cuando no haya ambigüedad, por lo que es habitual escribir

```
matrix(1:8, nr = 2, nc = 4)
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]    1    3    5    7
## [2,]    2    4    6    8
```


Si queremos indicar que los valores se escriban por filas

```
matrix(1:8, nr = 2, byrow = TRUE)
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]    1    2    3    4
## [2,]    5    6    7    8
```

2.2.2 Nombres en matrices

Se pueden dar nombres a las filas y columnas de una matriz.

```
x <- matrix(c(1, 2, 3, 11, 12, 13), nrow = 2, byrow = TRUE)
```

```
x
```

```
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    2    3
## [2,]   11   12   13
```

```
rownames(x) <- c("fila 1", "fila 2")
colnames(x) <- c("col 1", "col 2", "col 3")
```

```
x
```

```
##      col 1 col 2 col 3
## fila 1    1    2    3
## fila 2   11   12   13
```

Obtenemos el mismo resultado si escribimos

```
colnames(x) <- paste("col", 1:ncol(x), sep=" ")
```

Internamente, las matrices son vectores con un atributo especial: la *dimensión*.

```
dim(x)
```

```
## [1] 2 3
```

```
attributes(x)
```

```
## $dim
## [1] 2 3
##
## $dimnames
## $dimnames[[1]]
## [1] "fila 1" "fila 2"
##
## $dimnames[[2]]
## [1] "col 1" "col 2" "col 3"
```

2.2.3 Acceso a los elementos de una matriz

El acceso a los elementos de una matriz se realiza de forma análoga al acceso ya comentado para los vectores.

```
x <- matrix(1:6, 2, 3); x
```

```
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    3    5
## [2,]    2    4    6
```

```
x[1, 1]

## [1] 1
x[2, 2]

## [1] 4
x[2, ] # segunda fila

## [1] 2 4 6
x[, 2] # segunda columna

## [1] 3 4
x[1, 1:2] # primera fila, columnas 1ª y 2ª

## [1] 1 3
```

2.2.4 Ordenación por filas y columnas

En ocasiones, interesará ordenar los elementos de una matriz por los valores de una determinada columna o fila.

Por ejemplo, supongamos la matriz

```
x <- c(79, 100, 116, 121, 52, 134, 123, 109, 80, 107, 66, 118)
x <- matrix(x, ncol=4, byrow=T); x
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]  79  100  116  121
## [2,]  52  134  123  109
## [3,]  80  107   66  118
```

La matriz ordenada por los valores de la primera columna viene dada por

```
ii <- order(x[,1])
x[ii, ] # ordenación columna 1
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]  52  134  123  109
## [2,]  79  100  116  121
## [3,]  80  107   66  118
```

De igual modo, si queremos ordenar por los valores de la cuarta columna:

```
ii <- order(x[,4]); x[ii, ] # ordenación columna 4
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]  52  134  123  109
## [2,]  80  107   66  118
## [3,]  79  100  116  121
```

2.2.5 Operaciones con Matrices y Arrays

A continuación se muestran algunas funciones que se pueden emplear con matrices

Función	Descripción
<code>dim(), nrow(), ncol()</code>	número de filas y/o columnas
<code>diag()</code>	diagonal de una matrix
<code>*</code>	multiplicación elemento a elemento
<code>%*%</code>	multiplicación matricial de matrices
<code>cbind(), rbind()</code>	encadenamiento de columnas o filas
<code>t()</code>	transpuesta
<code>solve(A)</code>	inversa de la matriz A
<code>solve(A,b)</code>	solución del sistema de ecuaciones $Ax = b$
<code>qr()</code>	descomposición de Cholesky
<code>eigen()</code>	autovalores y autovectores
<code>svd()</code>	descomposición singular

2.2.6 Ejemplos

```
x <- matrix(1:6, ncol = 3)
x
```

```
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    3    5
## [2,]    2    4    6
```

```
t(x) # matriz transpuesta
```

```
##      [,1] [,2]
## [1,]    1    2
## [2,]    3    4
## [3,]    5    6
```

```
dim(x) # dimensiones de la matriz
```

```
## [1] 2 3
```

2.2.7 Inversión de una matriz

```
A <- matrix(c(2, 4, 0, 2), nrow = 2); A
```

```
##      [,1] [,2]
## [1,]    2    0
## [2,]    4    2
```

```
B <- solve(A)
B # inversa
```

```
##      [,1] [,2]
## [1,]  0.5  0.0
## [2,] -1.0  0.5
```

```
A %*% B # comprobamos que está bien
```

```
##      [,1] [,2]
## [1,]    1    0
## [2,]    0    1
```

2.3 Data frames

Los `data.frames` (*marcos de datos*) son el objeto más habitual para el almacenamiento de datos. En este tipo de objetos cada individuo de la muestra se corresponde con una fila y cada una de las variables con una columna. Para la creación de estas estructuras se utiliza la función `data.frame()`.

Este tipo de estructuras son en apariencia muy similares a las matrices, con la ventaja de que permiten que los valores de las distintas columnas sean de tipos diferentes. Por ejemplo, supongamos que tenemos registrados los siguientes valores

```
Producto <- c("Zumoz", "Queso", "Yogourt")
Seccion <- c("Bebidas", "Lácteos", "Lácteos")
Unidades <- c(2, 1, 10)
```

Los valores anteriores se podrían guardar en una única matriz

```
x <- cbind(Producto, Seccion, Unidades)
class(x)
```

```
## [1] "matrix"
```

```
x
```

```
##      Producto Seccion  Unidades
## [1,] "Zumoz"    "Bebidas" "2"
## [2,] "Queso"    "Lácteos" "1"
## [3,] "Yogourt" "Lácteos" "10"
```

Sin embargo, el resultado anterior no es satisfactorio ya que todos los valores se han transformado en caracteres. Una solución mejor es utilizar un `data.frame`, con lo cual se mantiene el tipo original de las variables.

```
lista.compra <- data.frame(Producto, Seccion, Unidades)
class(lista.compra)
```

```
## [1] "data.frame"
```

```
lista.compra
```

```
##      Producto Seccion Unidades
## 1      Zumoz Bebidas         2
## 2      Queso Lácteos         1
## 3  Yogourt Lácteos         10
```

A continuación se muestran ejemplos que ilustran la manera de acceder a los valores de un `data.frame`.

```
lista.compra$Unidades
```

```
## [1] 2 1 10
```

```
lista.compra[,3] # de manera equivalente
```

```
## [1] 2 1 10
```

```
lista.compra$Seccion
```

```
## [1] Bebidas Lácteos Lácteos
## Levels: Bebidas Lácteos
```

```
lista.compra$Unidades[1:2] # primeros dos valores de Unidades
```

```
## [1] 2 1
```

```
lista.compra[2,] # segunda fila
```

```
## Producto Seccion Unidades
## 2 Queso Lácteos 1
```

La función `summary()` permite hacer un resumen estadístico de las variables (columnas) del `data.frame`.

```
summary(lista.compra)
```

```
## Producto Seccion Unidades
## Queso :1 Bebidas:1 Min. : 1.000
## Yogourt:1 Lácteos:2 1st Qu.: 1.500
## Zumo :1 Median : 2.000
## Mean : 4.333
## 3rd Qu.: 6.000
## Max. :10.000
```

2.4 Listas

Las listas son colecciones ordenadas de cualquier tipo de objetos (en R las listas son un tipo especial de vectores). Así, mientras que los elementos de los vectores, matrices y arrays deben ser del mismo tipo, en el caso de las listas se pueden tener elementos de tipos distintos.

```
x <- c(1, 2, 3, 4)
y <- c("Hombre", "Mujer")
z <- matrix(1:12, ncol = 4)
datos <- list(A=x, B=y, C=z)
datos
```

```
## $A
## [1] 1 2 3 4
##
## $B
## [1] "Hombre" "Mujer"
##
## $C
## [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,] 1 4 7 10
## [2,] 2 5 8 11
## [3,] 3 6 9 12
```


Capítulo 3

Gráficos

R dispone de varias funciones que permiten la realización de gráficos. Estas funciones se dividen en dos grandes grupos

- Gráficos de **alto nivel**: Crean un gráfico nuevo.
 - `plot`, `hist`, `boxplot`, ...
- Gráficos de **bajo nivel**: Permiten añadir elementos (líneas, puntos, ...) a un gráfico ya existente
 - `points`, `lines`, `legend`, `text`, ...
 - El parámetro `add=TRUE` convierte una función de nivel alto a bajo.

Dentro de las funciones gráficas de alto nivel destaca la función `plot` que tiene muchas variantes y dependiendo del tipo de datos que se le pasen como argumento actuará de modo distinto.

3.1 El comando `plot`

Si escribimos `plot(x, y)` donde `x` e `y` son vectores, entonces R hará directamente el conocido como **gráfico de dispersión** que representa en un sistema coordenado los pares de valores (x, y) .

Por ejemplo, utilizando el siguiente código

```
data(cars)
plot(cars$speed, cars$dist)    # otra posibilidad plot(cars)
```

[Figura 3.1]

El comando `plot` incluye por defecto una elección automática de títulos, ejes, escalas, etiquetas, etc., que pueden ser modificados añadiendo parámetros gráficos al comando:

Parámetro	Descripción
<code>type</code>	tipo de gráfico:
~	p: puntos, l: líneas, b: puntos y líneas, n: gráfico en blanco, ...
<code>xlim, ylim</code>	límites de los ejes (e.g. <code>xlim=c(1, 10)</code> o <code>xlim=range(x)</code>)
<code>xlab, ylab</code>	títulos de los ejes
<code>main, sub</code>	título principal y subtítulo
<code>col</code>	color de los símbolos (véase <code>colors()</code>)
~	véase <code>col.axis</code> , <code>col.lab</code> , <code>col.main</code> , <code>col.sub</code>
<code>lty</code>	tipo de línea

Parámetro	Descripción
lwd	anchura de línea
pch	tipo de símbolo
cex	tamaño de los símbolos
bg	color de relleno (para pch = 21:25)

Para obtener ayuda sobre estos parámetros ejecutar `help(par)`.

Veamos algún ejemplo:

```
plot(cars, xlab = "velocidad", ylab = "distancia", main = "Título")
```

[Figura 3.2]

```
plot(cars, pch = 16, col = 'blue', main = 'pch=16')
```

[Figura 3.3]

3.2 Funciones gráficas de bajo nivel

Las principales funciones gráficas de bajo nivel son:

Función	Descripción
points y lines	agregan puntos y líneas
text	agrega un texto
mtext	agrega texto en los márgenes
segments	dibuja línea desde el punto inicial al final
abline	dibuja líneas
rect	dibuja rectángulos
polygon	dibuja polígonos
legend	agrega una leyenda
axis	agrega ejes
locator	devuelve coordenadas de puntos
identify	similar a locator

3.3 Ejemplos

```
plot(cars)
abline(h = c(20, 40), lty = 2) # líneas verticales discontinuas (lty=2)
# selecciona puntos y los dibuja en azul sólido
points(subset(cars, dist > 20 & dist < 40), pch = 16, col = 'blue')
```

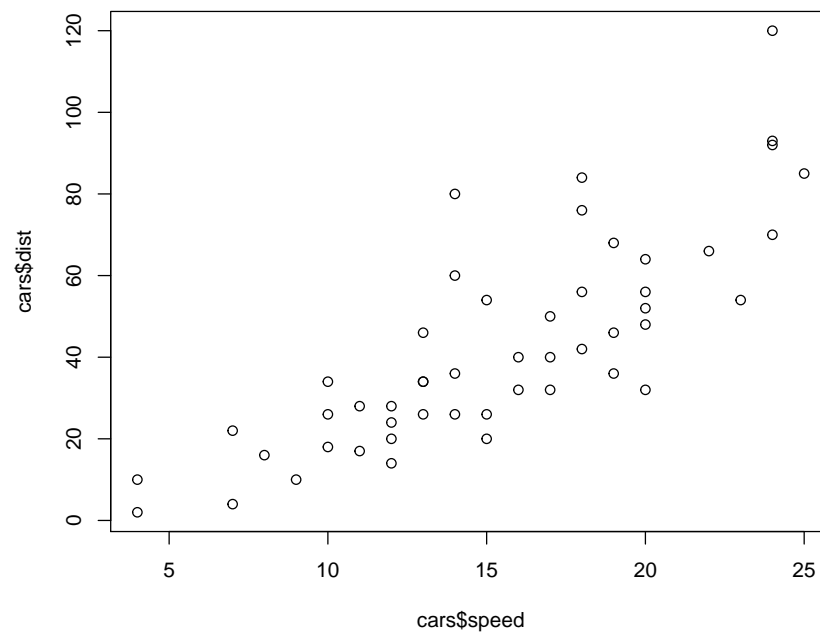



Figura 3.1: Gráfico de dispersión de distancia frente a velocidad

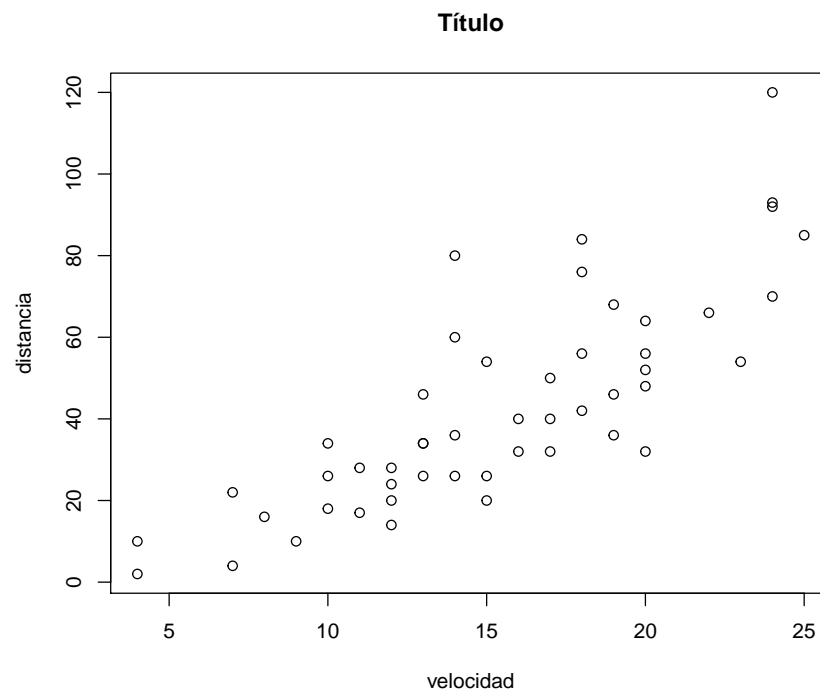


Figura 3.2: Gráfico de dispersión de distancia frente a velocidad, especificando título y etiquetas de los ejes

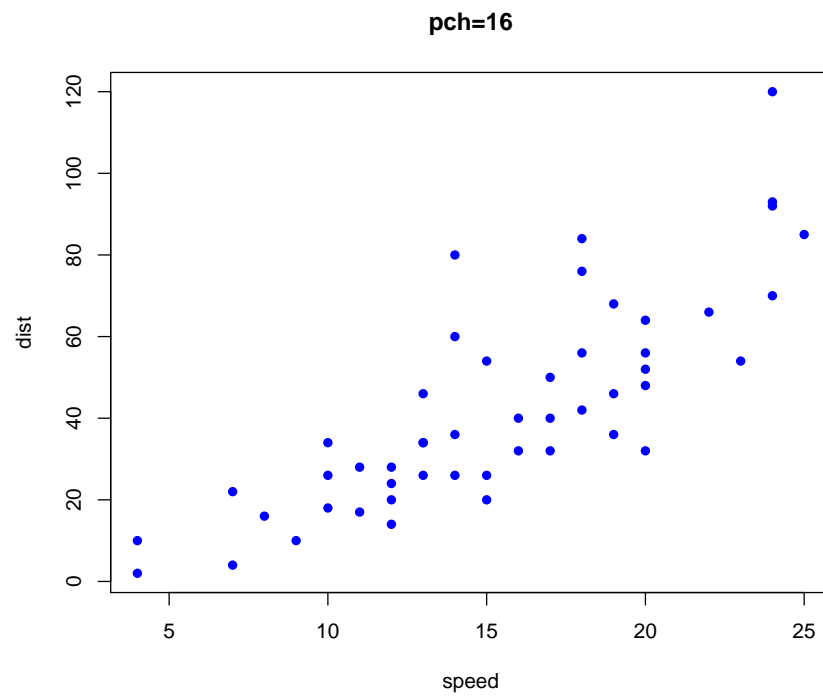
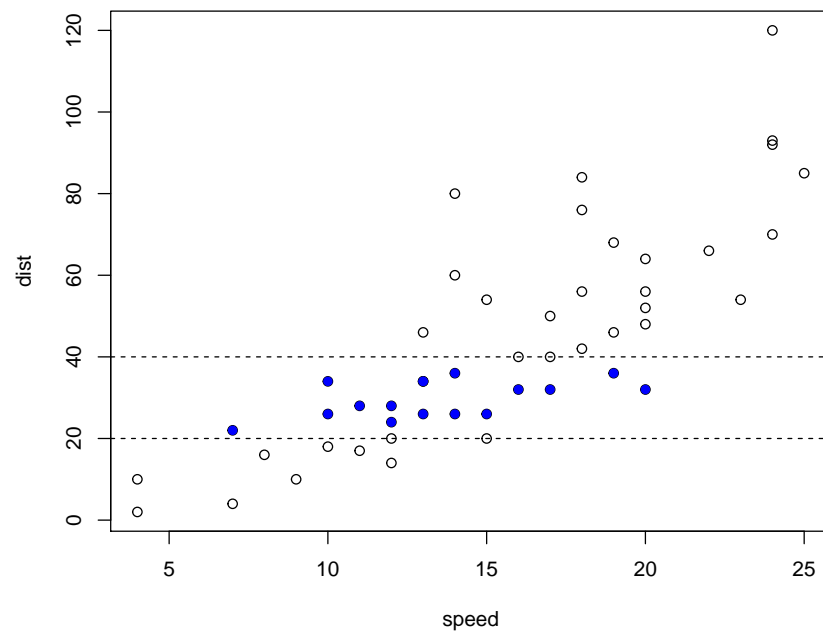


Figura 3.3: Gráfico de dispersión de distancia frente a velocidad, cambiando el color y el tipo de símbolo



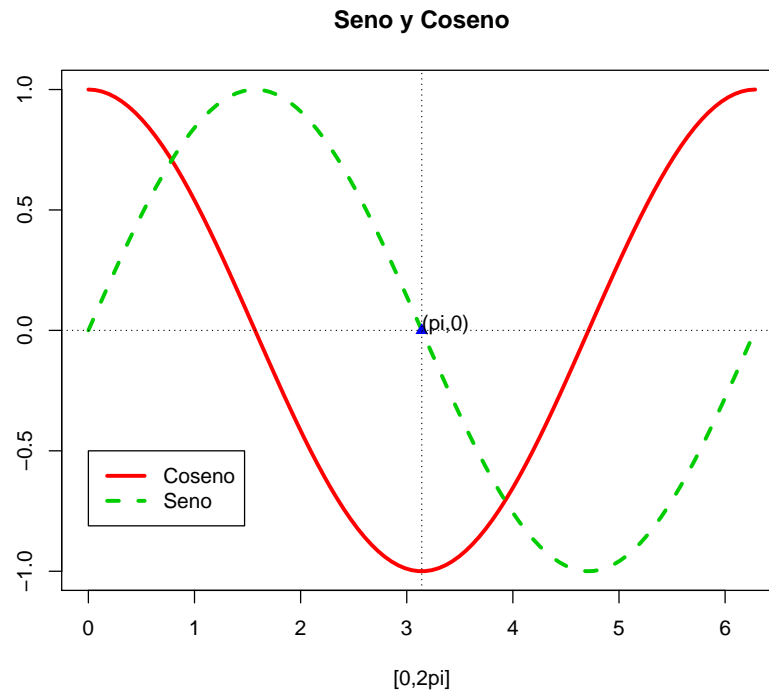
```
x <- seq(0, 2 * pi, length = 100)
y1 <- cos(x)
```

```

y2 <- sin(x)
plot( x, y1, type = "l", col = 2, lwd = 3, xlab = "[0,2pi]", ylab = "", main = "Seno y Coseno")
lines(x, y2, col = 3, lwd = 3, lty = 2)
points(pi, 0, pch = 17, col = 4)
legend(0, -0.5, c("Coseno", "Seno"), col = 2:3, lty = 1:2, lwd = 3)

abline(v = pi, lty = 3)
abline(h = 0, lty = 3)
text(pi, 0, "(pi,0)", adj = c(0, 0))

```

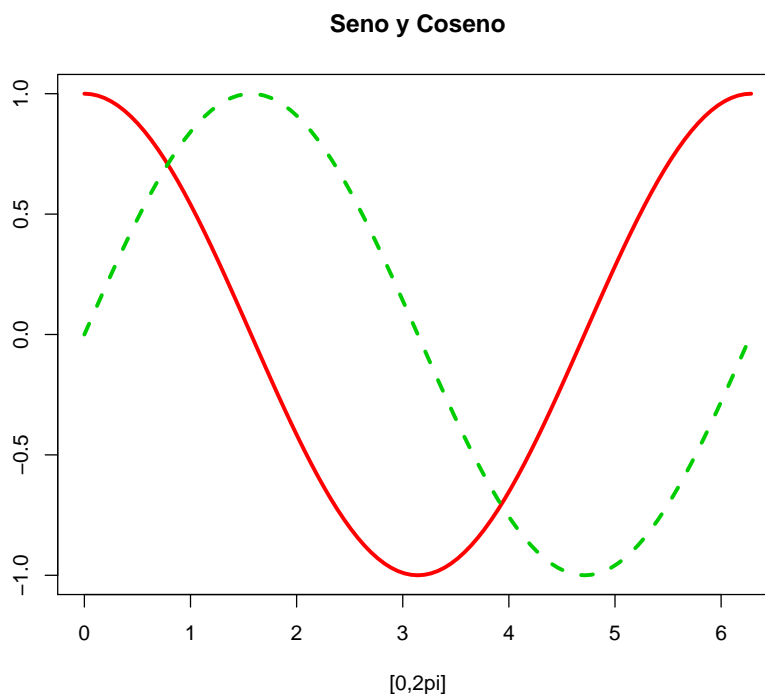


Alternativamente se podría usar `curve()`:

```

curve(cos, 0, 2*pi, col = 2, lwd = 3,
      xlab = "[0,2pi]", ylab = "", main = "Seno y Coseno")
curve(sin, col = 3, lwd = 3, lty = 2, add = TRUE)

```



3.4 Parámetros gráficos

Como ya hemos visto, muchas funciones gráficas permiten establecer (temporalmente) opciones gráficas mediante estos parámetros. Con la función `par()` se pueden obtener y establecer (de forma permanente) todas las opciones gráficas. Algunas más de estas opciones son:

Parámetro	Descripción
<code>adj</code>	justificación del texto
<code>axes</code>	si es FALSE no dibuja los ejes ni la caja
<code>bg</code>	color del fondo
<code>bty</code>	tipo de caja alrededor del gráfico
<code>font</code>	estilo del texto (1: normal, 2: cursiva, 3:negrita, 4: negrita cursiva)
<code>las</code>	orientación de los caracteres en los ejes
<code>mar</code>	márgenes
<code>mfcol</code>	divide la pantalla gráfica por columnas
<code>mfrow</code>	lo mismo que <code>mfcol</code> pero por filas

Ejecutar `help(par)` para obtener la lista completa.

3.5 Múltiples gráficos por ventana

En R se pueden hacer varios gráficos por ventana. Para ello, antes de ejecutar la función `plot`, se puede utilizar la función:

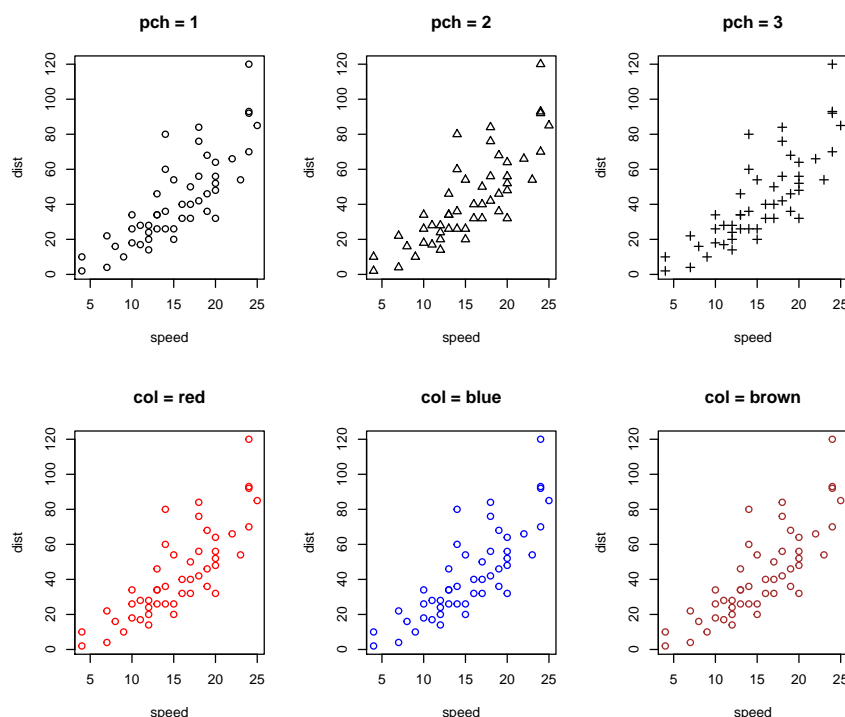
```
par(mfrow = c(filas, columnas))
```

Los gráficos se irán mostrando en pantalla por filas. En caso de que se quieran mostrar por columnas en la función anterior se sustituye `mfrow` por `mfcol`.

Por ejemplo, con el siguiente código se obtiene el gráfico de la siguiente transparencia.

```
par(mfrow = c(2, 3))
plot(cars, pch = 1, main = "pch = 1")
plot(cars, pch = 2, main = "pch = 2")
plot(cars, pch = 3, main = "pch = 3")

plot(cars, col = "red", main = "col = red")
plot(cars, col = "blue", main = "col = blue")
plot(cars, col = "brown", main = "col = brown")
```



Para estructuras gráficas más complicadas véase `help(layout)`.

3.6 Exportar gráficos

Para guardar gráficos, en Windows, se puede usar el menú **Archivo -> Guardar como** de la ventana gráfica (seleccionando el formato deseado: bitmap, postscript,...) y también mediante código ejecutando `savePlot(filename, type)`. Alternativamente, se pueden emplear ficheros como dispositivos gráficos. Por ejemplo, a continuación guardamos un gráfico en el fichero `car.pdf`:

```
pdf("cars.pdf")    # abrimos el dispositivo gráfico
plot(cars)
dev.off()           # cerramos el dispositivo
```

Con el siguiente código guardaremos el gráfico en formato jpeg:

```
jpeg("cars.jpg") # abrimos el dispositivo gráfico
plot(cars)
dev.off()        # cerramos el dispositivo
```

Otros formatos disponibles son `bmp`, `png` y `tiff`. Para más detalles ejecutar:

```
help(Devices)
```

3.7 Otras librerías gráficas

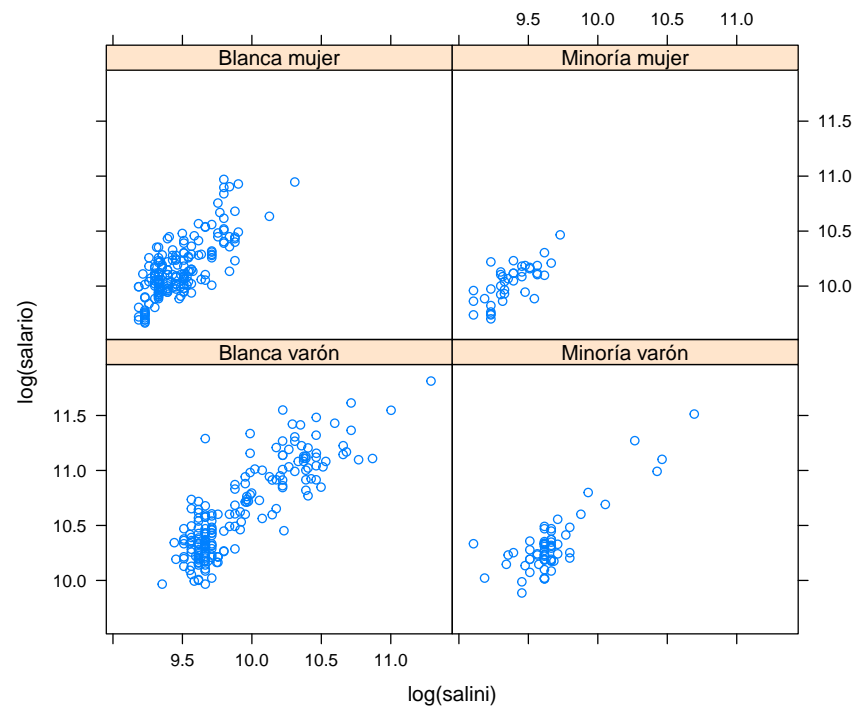
Además de los gráficos estándar, en R están disponibles muchas librerías gráficas adicionales:

- Gráficos Lattice (Trellis)
 - Especialmente adecuados para gráficas condicionales múltiples.
 - No se pueden combinar con las funciones estándar.
 - Generalmente el argumento principal es una formula:
 - * `y ~ x | a` gráficas de `y` sobre `x` condicionadas por `a`
 - * `y ~ x | a*b` gráficas condicionadas por `a` y `b`
 - Devuelven un objeto con el que se puede interactuar.
- Más librerías gráficas:
 - `ggplot2`
 - `rgl`
 - `rggobi`

Para más detalles ver CRAN Task View: Graphics

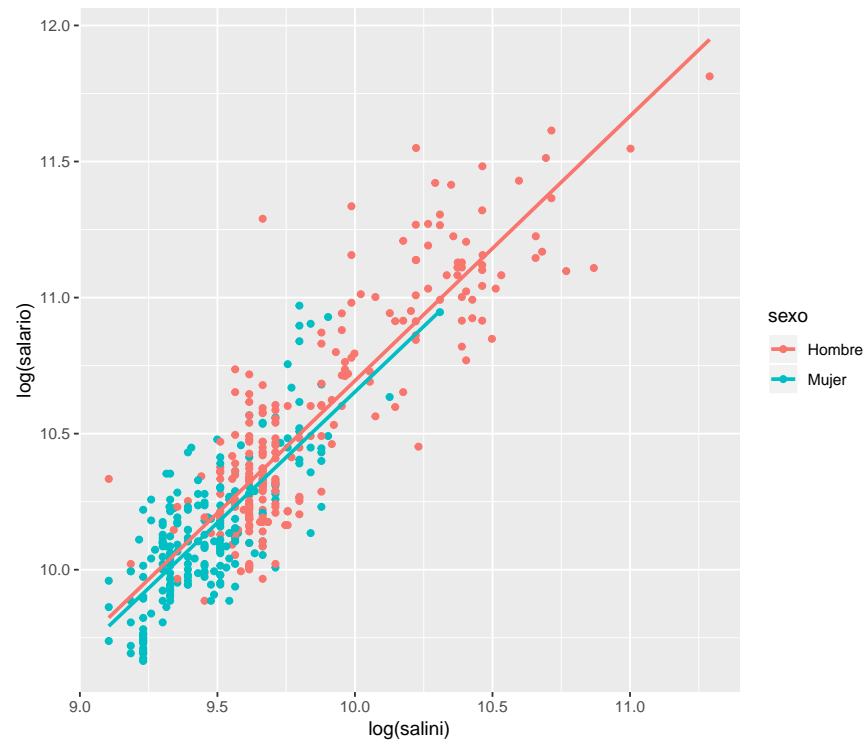
3.7.1 Ejemplos

```
load("datos/empleados.RData")
library(lattice)
xyplot(log(salario) ~ log(salini) | sexoraza, data = empleados)
```

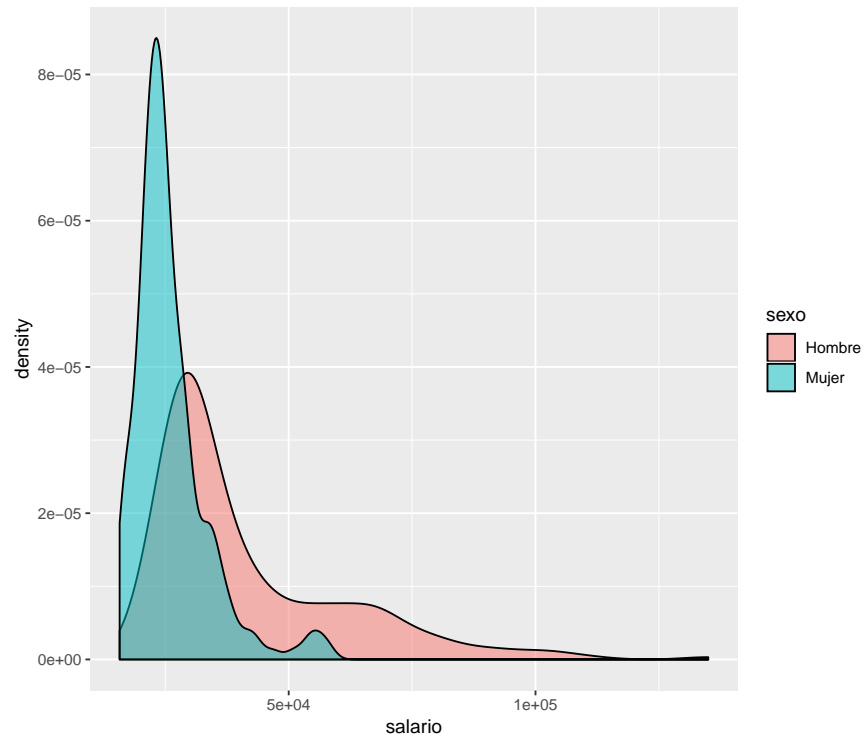


```
# Equivalente a xyplot(log(salario) ~ log(salini) | sexo*minoria, data = empleados)
```

```
library(ggplot2)
ggplot(empleados, aes(log(salini), log(salario), col = sexo)) +
  geom_point() +
  geom_smooth(method = "lm", se = FALSE)
```



```
ggplot(empleados, aes(salario, fill = sexo)) +  
  geom_density(alpha=.5)
```



Capítulo 4

Manipulación de datos

4.1 Lectura, importación y exportación de datos

La mayoría de los estudios estadísticos requieren disponer de un conjunto de datos. Además de la introducción directa, R es capaz de importar datos externos en múltiples formatos:

- bases de datos disponibles en librerías de R
- archivos de texto en formato ASCII
- archivos en otros formatos: Excel, SPSS, ...
- bases de datos relacionales: MySQL, Oracle, ...
- formatos web: HTML, XML, JSON, ...
-

4.1.1 Introducción directa

Si los datos son pocos, se pueden teclear directamente en un vector o en un data.frame. Por ejemplo:

```
producto <- c("A", "B", "C")
precio <- c(1200, 560, 740)
datos <- data.frame(producto, precio)
datos
```

```
##   producto precio
## 1      A    1200
## 2      B     560
## 3      C     740
```

En ocasiones, tanto para matrices como para data.frames, será de utilidad la función `edit`. Por ejemplo, una sentencia como:

```
datos2 <- edit(datos)
```

abre una hoja de cálculo “muy básica” con la que podremos editar los elementos del data.frame, cambiar sus dimensiones añadiendo filas y/o columnas, ...

Nota: Hay que destacar que `datos` tiene que existir antes de emplear la función `edit`. Para modificar directamente el objeto puede ser más cómodo emplear la función `fix()`.

4.1.2 Lectura desde paquetes

El programa R dispone de múltiples conjuntos de datos. Al teclear:

```
data()
```

se obtiene un listado de las bases de datos disponibles.

Data sets in package "datasets":

AirPassengers	Monthly Airline Passenger Numbers 1949-1960
BJsales	Sales Data with Leading Indicator
BJsales.lead (BJsales)	Sales Data with Leading Indicator
BOD	Biochemical Oxygen Demand
CO2	Carbon Dioxide Uptake in Grass Plants
ChickWeight	Weight versus age of chicks on different diets

.....

Para cargar una base de datos concreta se utiliza el comando `data(nombre)` (aunque en algunos casos se cargan automáticamente). Por ejemplo, la base de datos llamada `cars` se carga con:

```
data(cars)
```

Una vez cargado el objeto `cars` (R lo carga como un `data.frame`), se podrán utilizar las correspondientes sentencias para realizar resúmenes numéricos y gráficos.

```
head(cars) # Primeros valores
```

```
##    speed dist
## 1      4    2
## 2      4   10
## 3      7    4
## 4      7   22
## 5      8   16
## 6      9   10
```

```
help(cars) # Obtención de ayuda
```

...

Speed and Stopping Distances of Cars

Description:

The data give the speed of cars and the distances taken to stop.
Note that the data were recorded in the 1920s.

...

Format:

A data frame with 50 observations on 2 variables.
[,1] speed numeric Speed (mph)
[,2] dist numeric Stopping distance (ft)

Source:

Ezekiel, M. (1930) *Methods of Correlation Analysis*. Wiley.

```
...
names(cars)      # Nombres

## [1] "speed" "dist"

cars$speed[1:10] # Primeros 10 valores de velocidad

## [1]  4  4  7  7  8  9 10 10 10 11

cars$dist[1:10]  # Primeros 10 valores de distancia

## [1]  2 10  4 22 16 10 18 26 34 17

names(cars) <- c("velocidad", "distancia") # Nombres en español
head(cars)

##   velocidad distancia
## 1         4         2
## 2         4        10
## 3         7         4
## 4         7        22
## 5         8        16
## 6         9        10

summary(cars)    # Resumen estadístico

##   velocidad      distancia
## Min.   : 4.0    Min.   : 2.00
## 1st Qu.:12.0    1st Qu.: 26.00
## Median :15.0    Median : 36.00
## Mean   :15.4    Mean   : 42.98
## 3rd Qu.:19.0    3rd Qu.: 56.00
## Max.   :25.0    Max.   :120.00

plot(cars)        # Gráfico de dispersión de los datos
hist(cars$velocidad) # Histograma de velocidad
boxplot(cars$distancia) # Boxplot de distancia
```

4.1.3 Lectura de archivos de texto

En R para leer archivos de texto se suele utilizar la función `read.table()`.

Supóngase, por ejemplo, que en el directorio actual está el fichero *empleados.txt*. La lectura de este fichero vendría dada por el código:

```
datos <- read.table(file = "datos/empleados.txt", header = TRUE)
head(datos)

##   id  sexo  fechnac educ      catlab  salario  salini  tiempemp  expprev
## 1  1 Hombre 2/3/1952  15   Directivo  57000  27000      98      144
## 2  2 Hombre 5/23/1958 16 Administrativo 40200  18750      98       36
## 3  3 Mujer 7/26/1929 12 Administrativo 21450  12000      98      381
## 4  4 Mujer 4/15/1947  8 Administrativo 21900  13200      98      190
## 5  5 Hombre 2/9/1955 15 Administrativo 45000  21000      98      138
## 6  6 Hombre 8/22/1958 15 Administrativo 32100  13500      98       67
##   minoria
## 1      No
## 2      No
```

```
## 3      No
## 4      No
## 5      No
## 6      No
```

Si el fichero estuviese en el directorio `c:\datos` bastaría con especificar `file = "c:/datos/empleados.txt"`. Nótese también que para la lectura del fichero anterior se ha establecido el argumento `header=TRUE` para indicar que la primera línea del fichero contiene los nombres de las variables.

Los argumentos utilizados habitualmente para esta función son:

- **header**: indica si el fichero tiene cabecera (`header=TRUE`) o no (`header=FALSE`). Por defecto toma el valor `header=FALSE`.
- **sep**: carácter separador de columnas que por defecto es un espacio en blanco (`sep=" "`). Otras opciones serían: `sep=","` si el separador es un “;”, `sep="*"` si el separador es un “*”, etc.
- **dec**: carácter utilizado en el fichero para los números decimales. Por defecto se establece `dec = "."`. Si los decimales vienen dados por “,” se utiliza `dec = ","`.

Resumiendo, los (principales) argumentos por defecto de la función `read.table` son los que se muestran en la siguiente línea:

```
read.table(file, header = FALSE, sep = " ", dec = ".")
```

Para más detalles sobre esta función véase `help(read.table)`.

Están disponibles otras funciones con valores por defecto de los parámetros adecuados para otras situaciones. Por ejemplo, para ficheros separados por tabuladores se puede utilizar `read.delim()` o `read.delim2()`:

```
read.delim(file, header = TRUE, sep = "\t", dec = ".")
read.delim2(file, header = TRUE, sep = "\t", dec = ",")
```

4.1.4 Importación desde SPSS

El programa R permite lectura de ficheros de datos en formato SPSS (extensión `.sav`) sin necesidad de tener instalado dicho programa en el ordenador. Para ello se necesita:

- cargar la librería `foreign`
- utilizar la función `read.spss`

Por ejemplo:

```
library(foreign)
datos <- read.spss(file = "datos/Employee data.sav", to.data.frame = TRUE)
head(datos)
```

```
##   id  sexo   fechnac educ      catlab  salario  salini  tiempemp
## 1  1 Hombre 11654150400  15      Directivo   57000   27000        98
## 2  2 Hombre 11852956800  16 Administrativo   40200   18750        98
## 3  3 Mujer 10943337600  12 Administrativo   21450   12000        98
## 4  4 Mujer 11502518400   8 Administrativo   21900   13200        98
## 5  5 Hombre 11749363200  15 Administrativo   45000   21000        98
## 6  6 Hombre 11860819200  15 Administrativo   32100   13500        98
##   expprev  minoria
## 1     144       No
## 2      36       No
## 3     381       No
## 4     190       No
```

```
## 5      138      No
## 6       67      No
```

Nota: Si hay fechas, puede ser recomendable emplear la función `spss.get()` del paquete `Hmisc`.

4.1.5 Importación desde Excel

Se pueden leer fichero de Excel (con extensión *.xls*) utilizando por ejemplo funciones de las librerías `openxlsx`, `XLConnect` o `RODBC`. Sin embargo, puede ser recomendable exportar los datos desde Excel a un archivo de texto separado por tabuladores (extensión *.csv*).

Por ejemplo, supongamos que queremos leer el fichero *coches.xls*:

- Desde Excel se selecciona el menú **Archivo -> Guardar como -> Guardar como** y en **Tipo** se escoge la opción de archivo CSV. De esta forma se guardarán los datos en el archivo *coches.csv*.
- El fichero *coches.csv* es un fichero de texto plano (se puede editar con Notepad), con cabecera, las columnas separadas por “;”, y siendo “,” el carácter decimal.
- Por lo tanto, la lectura de este fichero se puede hacer con:

```
datos <- read.table("datos/coches.csv", header = TRUE, sep = ";", dec = ",")
```

Otra posibilidad es utilizar la función `read.csv2`, que es una adaptación de la función general `read.table` con la siguiente configuración.

```
read.csv2(file, header = TRUE, sep = ";", dec = ",")
```

Por lo tanto, la lectura del fichero *coches.csv* se puede hacer de modo más directo con

```
datos <- read.csv2("datos/coches.csv")
```

4.1.6 Exportación de datos

Es evidente que además de la lectura e importación de datos también será de gran interés la exportación de datos para que puedan leídos con otros programas. Para ello, es de gran utilidad la función `write.table`. Esta función es similar, pero funcionando en sentido inverso, a la ya vista `read.table`.

Veamos un ejemplo:

```
tipo <- c("A", "B", "C")
longitud <- c(120.34, 99.45, 115.67)
datos <- data.frame(tipo, longitud)
datos
```

```
##   tipo longitud
## 1    A   120.34
## 2    B    99.45
## 3    C   115.67
```

Para guardar el data.frame `datos` en un fichero de texto se utiliza se puede utilizar

```
write.table(datos, file = "datos.txt")
```

Otra posibilidad es utilizar la función

```
write.csv2(datos, file = "datos.csv")
```

que dará lugar al fichero *datos.csv* importable directamente desde Excel.

4.2 Manipulación de datos

Una vez cargada una (o varias) bases de datos hay una series de operaciones que serán de interés para el tratamiento de datos:

- Operaciones con variables:
 - creación
 - recodificación (e.g. categorización)
 - ...
- Operaciones con casos:
 - ordenación
 - filtrado de datos
 - ...

A continuación se tratan las operaciones más básicas.

4.2.1 Operaciones con variables

4.2.1.1 Creación (y eliminación) de variables

Consideremos de nuevo la base de datos `cars` incluida en el paquete `datasets`.

```
data(cars)
head(cars)
```

```
##   speed dist
## 1     4    2
## 2     4   10
## 3     7    4
## 4     7   22
## 5     8   16
## 6     9   10
```

Utilizando el comando `help(cars)` se obtiene que `cars` es un `data.frame` con 50 observaciones y dos variables:

- `speed`: Velocidad (millas por hora)
- `dist`: tiempo hasta detenerse (pies)

Recordemos que, para acceder a la variable `speed` se puede hacer directamente con su nombre o bien utilizando notación “matricial”.

```
cars$speed
```

```
## [1]  4  4  7  7  8  9 10 10 10 11 11 12 12 12 12 13 13 13 13 14 14 14 14
## [24] 15 15 15 16 16 17 17 17 18 18 18 18 19 19 19 20 20 20 20 20 22 23 24
## [47] 24 24 24 25
```

```
cars[, 1] # Equivalente
```

```
## [1]  4  4  7  7  8  9 10 10 10 11 11 12 12 12 12 13 13 13 13 14 14 14 14
## [24] 15 15 15 16 16 17 17 17 18 18 18 18 19 19 19 20 20 20 20 20 22 23 24
## [47] 24 24 24 25
```

Supongamos ahora que queremos transformar la variable original `speed` (millas por hora) en una nueva variable `velocidad` (kilómetros por hora) y añadir esta nueva variable al `data.frame` `cars`.

La transformación que permite pasar millas a kilómetros es `kilómetros=millas/0.62137` que en R se hace directamente con:

```
cars$speed/0.62137
```

Finalmente, incluimos la nueva variable que llamaremos **velocidad** en **cars**.

```
cars$velocidad <- cars$speed / 0.62137
head(cars)
```

```
##   speed dist velocidad
## 1     4    2  6.437388
## 2     4   10  6.437388
## 3     7    4 11.265430
## 4     7   22 11.265430
## 5     8   16 12.874777
## 6     9   10 14.484124
```

También transformaremos la variable **dist** (en pies) en una nueva variable **distancia** (en metros). Ahora la transformación deseada es **metros=pies/3.2808**.

```
cars$distancia <- cars$dis / 3.2808
head(cars)
```

```
##   speed dist velocidad distancia
## 1     4    2  6.437388 0.6096074
## 2     4   10  6.437388 3.0480371
## 3     7    4 11.265430 1.2192148
## 4     7   22 11.265430 6.7056815
## 5     8   16 12.874777 4.8768593
## 6     9   10 14.484124 3.0480371
```

Ahora, eliminaremos las variables originales **speed** y **dist**, y guardaremos el data.frame resultante con el nombre **coches**. En primer lugar, veamos varias formas de acceder a las variables de interés

```
cars[, c(3, 4)]
cars[, c("velocidad", "distancia")]
cars[, -c(1, 2)]
```

Utilizando alguna de las opciones anteriores se obtiene el data.frame deseado.

```
coches <- cars[, c("velocidad", "distancia")]
head(coches)
```

```
##   velocidad distancia
## 1  6.437388 0.6096074
## 2  6.437388 3.0480371
## 3 11.265430 1.2192148
## 4 11.265430 6.7056815
## 5 12.874777 4.8768593
## 6 14.484124 3.0480371
```

Finalmente los datos anteriores podrían ser guardados en un fichero exportable a Excel con el siguiente comando:

```
write.csv2(coches, file = "coches.csv")
```

4.2.2 Operaciones con casos

4.2.2.1 Ordenación

Continuemos con el data.frame `cars`. Se puede comprobar que los datos disponibles están ordenados por los valores de `speed`. A continuación haremos la ordenación utilizando los valores de `dist`. Para ello utilizaremos el conocido como vector de índices de ordenación.

El vector de índices de ordenación establece el orden en que tienen que ser elegidos los elementos de un vector para obtener la ordenación deseada. Veamos un ejemplo sencillo:

```
x <- c(2.5, 4.3, 1.2, 3.1, 5.0) # valores originales
ii <- order(x)
ii # vector de ordenación
```

```
## [1] 3 1 4 2 5
```

```
x[ii] # valores ordenados
```

```
## [1] 1.2 2.5 3.1 4.3 5.0
```

En el caso de vectores, el procedimiento anterior se podría hacer directamente con:

```
sort(x)
```

Sin embargo, para ordenar data.frames será necesario la utilización del vector de índices de ordenación. A continuación, los datos de `cars` ordenados por `dist`:

```
ii <- order(cars$dist) # Vector de índices de ordenación
cars2 <- cars[ii, ]    # Datos ordenados por dist
head(cars2)
```

```
##      speed dist velocidad distancia
## 1         4    2  6.437388 0.6096074
## 3         7    4 11.265430 1.2192148
## 2         4   10  6.437388 3.0480371
## 6         9   10 14.484124 3.0480371
## 12        12   14 19.312165 4.2672519
## 5         8   16 12.874777 4.8768593
```

4.2.2.2 Filtrado

El filtrado de datos consiste en elegir una submuestra que cumpla determinadas condiciones. Para ello se puede utilizar la función `subset`.

A continuación están dos ejemplos para comprender su utilización:

```
subset(cars, dist > 85) # datos con dist>85
```

```
##      speed dist velocidad distancia
## 47        24   92 38.62433 28.04194
## 48        24   93 38.62433 28.34674
## 49        24  120 38.62433 36.57644
```

```
subset(cars, speed > 10 & speed < 15 & dist > 45) # speed en (10,15) y dist>45
```



```
##      speed dist velocidad distancia
## 19      13   46  20.92151  14.02097
## 22      14   60  22.53086  18.28822
## 23      14   80  22.53086  24.38430
```

También se pueden hacer el filtrado empleando directamente los correspondientes vectores de índices.

```
ii <- cars$dist > 85
cars[ii, ]      # dis>85
```

```
##      speed dist velocidad distancia
## 47      24   92  38.62433  28.04194
## 48      24   93  38.62433  28.34674
## 49      24  120  38.62433  36.57644
```

```
ii <- cars$speed > 10 & cars$speed < 15 & cars$dist > 45
cars[ii, ]      # speed en (10,15) y dist>45
```

```
##      speed dist velocidad distancia
## 19      13   46  20.92151  14.02097
## 22      14   60  22.53086  18.28822
## 23      14   80  22.53086  24.38430
```


Capítulo 5

Análisis exploratorio de datos

El objetivo del *análisis exploratorio de datos* es presentar una descripción de los mismos que faciliten su análisis mediante procedimientos que permitan:

- Organizar los datos
- Resumirlos
- Representarlos gráficamente
- Analizar la información

5.1 Medidas resumen

5.1.1 Datos de ejemplo

El fichero *empleados.RData* contiene datos de empleados de un banco que utilizaremos, entre otros, a modo de ejemplo.

```
load("datos/empleados.RData")
data.frame(Etiquetas = attr(empleados, "variable.labels")) # Listamos las etiquetas
```

```
##                                Etiquetas
## id                            Código de empleado
## sexo                           Sexo
## fechnac                        Fecha de nacimiento
## educ                          Nivel educativo (años)
## catlab                         Categoría Laboral
## salario                       Salario actual
## salini                        Salario inicial
## tiempemp                      Meses desde el contrato
## expprev                       Experiencia previa (meses)
## minoria                       Clasificación étnica
## sexoraza                      Clasificación por sexo y raza
```

Para hacer referencia directamente a las variables de *empleados*

```
attach(empleados)
```

5.1.2 Tablas de frecuencias

```
table(sexo)
```

```
## sexo
## Hombre Mujer
##    258    216
```

```
prop.table(table(sexo))
```

```
## sexo
##    Hombre    Mujer
## 0.5443038 0.4556962
```

```
table(sexo,catlab)
```

```
##          catlab
## sexo    Administrativo Seguridad Directivo
##  Hombre          157          27          74
##  Mujer           206           0          10
```

```
prop.table(table(sexo,catlab))
```

```
##          catlab
## sexo    Administrativo Seguridad Directivo
##  Hombre    0.33122363 0.05696203 0.15611814
##  Mujer     0.43459916 0.00000000 0.02109705
```

```
prop.table(table(sexo,catlab), 1)
```

```
##          catlab
## sexo    Administrativo Seguridad Directivo
##  Hombre    0.6085271 0.1046512 0.2868217
##  Mujer     0.9537037 0.0000000 0.0462963
```

```
prop.table(table(sexo,catlab), 2)
```

```
##          catlab
## sexo    Administrativo Seguridad Directivo
##  Hombre    0.4325069 1.0000000 0.8809524
##  Mujer     0.5674931 0.0000000 0.1190476
```

```
table(catlab,educ,sexo)
```

```
## , , sexo = Hombre
##
##          educ
## catlab      8  12  14  15  16  17  18  19  20  21
##  Administrativo 10 48  6 78 10  2  2  1  0  0
##  Seguridad      13 13  0  1  0  0  0  0  0  0
##  Directivo       0  1  0  4 25  8  7 26  2  1
##
## , , sexo = Mujer
##
##          educ
## catlab      8  12  14  15  16  17  18  19  20  21
##  Administrativo 30 128  0 33 14  1  0  0  0  0
##  Seguridad       0  0  0  0  0  0  0  0  0  0
```

```
## Directivo      0  0  0  0 10  0  0  0  0  0
round(prop.table(table(catlab,educ,sexo)),2)

## , , sexo = Hombre
##
##          educ
## catlab      8  12  14  15  16  17  18  19  20  21
## Administrativo 0.02 0.10 0.01 0.16 0.02 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00
## Seguridad      0.03 0.03 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00
## Directivo      0.00 0.00 0.00 0.01 0.05 0.02 0.01 0.05 0.00 0.00
##
## , , sexo = Mujer
##
##          educ
## catlab      8  12  14  15  16  17  18  19  20  21
## Administrativo 0.06 0.27 0.00 0.07 0.03 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00
## Seguridad      0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00
## Directivo      0.00 0.00 0.00 0.00 0.02 0.00 0.00 0.00 0.00 0.00
```

Si la variable es ordinal, entonces también son de interés las frecuencias acumuladas

```
table(educ)

## educ
##  8 12 14 15 16 17 18 19 20 21
## 53 190 6 116 59 11 9 27 2 1

prop.table(table(educ))

## educ
##          8          12          14          15          16          17
## 0.111814346 0.400843882 0.012658228 0.244725738 0.124472574 0.023206751
##          18          19          20          21
## 0.018987342 0.056962025 0.004219409 0.002109705

cumsum(table(educ))

##  8 12 14 15 16 17 18 19 20 21
## 53 243 249 365 424 435 444 471 473 474

cumsum(prop.table(table(educ)))

##          8          12          14          15          16          17          18
## 0.1118143 0.5126582 0.5253165 0.7700422 0.8945148 0.9177215 0.9367089
##          19          20          21
## 0.9936709 0.9978903 1.0000000
```

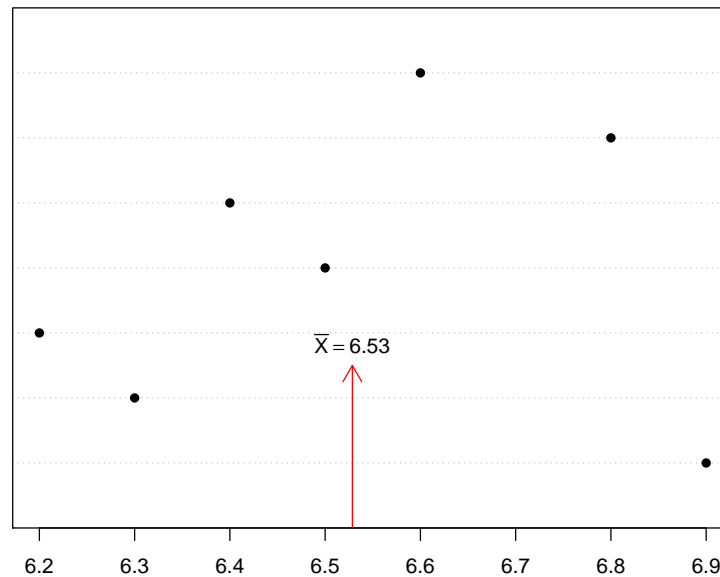
5.1.3 Media y varianza

La media es la medida de centralización por excelencia. Para su cálculo se utiliza la instrucción *mean*

```
consumo<-c(6.9, 6.3, 6.2, 6.5 ,6.4, 6.8, 6.6)
mean(consumo)

## [1] 6.528571
```

```
dotchart(consumo,pch=16)
text(mean(consumo),2.5, pos=3,expression(bar(X)==6.53))
arrows(mean(consumo),0,mean(consumo),2.5,length = 0.15,col='red')
```



```
mean(salario)

## [1] 34419.57

mean(subset(empleados,catlab=='Directivo')$salario)
```

```
## [1] 63977.8
```

También se puede utilizar la función *tapply*, que se estudiará con detalle más adelante

```
tapply(salario, catlab, mean)
```

```
## Administrativo      Seguridad      Directivo
##      27838.54      30938.89      63977.80
```

La principal medida de dispersión es la varianza. En la práctica, cuando se trabaja con datos muestrales, se sustituye por la *cuasi*-varianza (también llamada varianza muestral corregida), que se calcula mediante el comando *var*

```
var(consumo)
```

```
## [1] 0.06571429
```

```
var(salario)
```

```
## [1] 291578214
```

La *cuasi*-desviación típica se calcula

```
sd(consumo)
```

```
## [1] 0.256348
```

```
sd(salario)
```

```
## [1] 17075.66
```

o, equivalentemente,

```
sqrt(var(consumo))
```

```
## [1] 0.256348
```

```
sqrt(var(salario))
```

```
## [1] 17075.66
```

La media de dispersión adimensional (relativa) más utilizada es el *coeficiente de variación* (de Pearson)

```
sd(consumo)/abs(mean(consumo))
```

```
## [1] 0.03926555
```

que también podemos expresar en tanto por cien

```
100*sd(consumo)/abs(mean(consumo))
```

```
## [1] 3.926555
```

El coeficiente de variación nos permite, entre otras cosas, comparar dispersiones de variables medidas en diferentes unidades

```
100*sd(salini)/abs(mean(salini))
```

```
## [1] 46.2541
```

```
100*sd(salario)/abs(mean(salario))
```

```
## [1] 49.61033
```

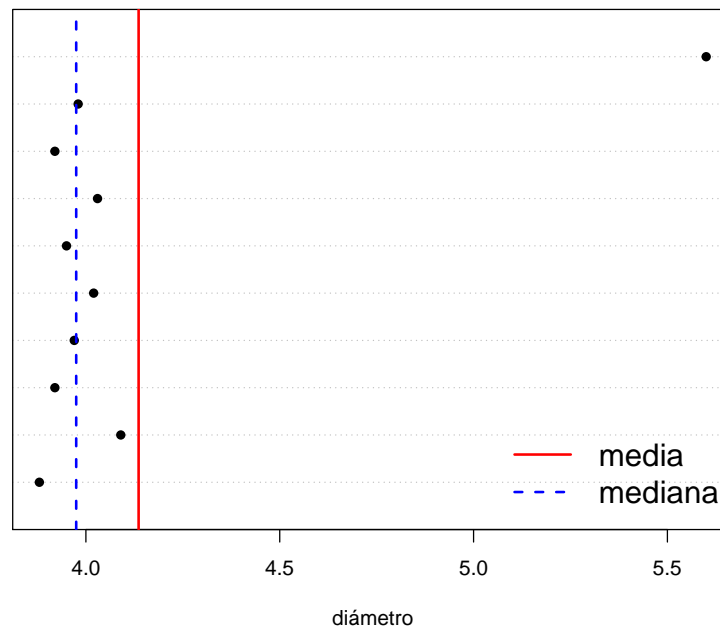
```
100*sd(expprev)/abs(mean(expprev))
```

```
## [1] 109.1022
```

5.1.4 Mediana y cuantiles

La mediana es una medida de centralización robusta. Se calcula mediante *median*

```
diametro <- c(3.88,4.09,3.92,3.97,4.02,3.95, 4.03,3.92,3.98,5.60)
dotchart(diametro,pch=16,xlab="diámetro")
abline(v=mean(diametro),col='red',lwd=2)
abline(v=median(diametro),col='blue',lty=2,lwd=2)
legend("bottomright",c("media","mediana"),
      col=c("red","blue"),lty=c(1,2),lwd=c(2,2),box.lty=0,cex=1.5)
```



Podemos comprobar que la variable *salario* presenta una asimetría derecha

```
mean(salario); median(salario)
```

```
## [1] 34419.57
```

```
## [1] 28875
```

Calculemos cuántos empleados tienen un salario inferior al salario medio

```
mean(salario < mean(salario))
```

```
## [1] 0.6940928
```

```
paste('El ', round(100*mean(salario < mean(salario)),0), '%',  
      ' de los empleados tienen un salario inferior al salario medio', sep='')
```

```
## [1] "El 69% de los empleados tienen un salario inferior al salario medio"
```

Como sabemos, la mitad de los empleados tienen un salario inferior a la mediana

```
mean(salario < median(salario))
```

```
## [1] 0.5
```

Los cuantiles son una generalización de la mediana, que se corresponde con el cuantil de orden 0.5. *R* contempla distintas formas de calcular los cuantiles

```
median(c(1,2,3,4))
```

```
## [1] 2.5
```

```
quantile(c(1,2,3,4),0.5)
```

```
## 50%
```

```
## 2.5
```



```
quantile(c(1,2,3,4),0.5,type=1)
```

```
## 50%
## 2
```

Calculemos los *cuartiles* y los *deciles* de la variable *salario*

```
quantile(salario)
```

```
##      0%      25%      50%      75%     100%
## 15750.0 24000.0 28875.0 36937.5 135000.0
```

```
quantile(salario, probs=c(0.25,0.5,0.75))
```

```
##      25%      50%      75%
## 24000.0 28875.0 36937.5
```

```
quantile(salario, probs=seq(0.1, 0.9, 0.1))
```

```
##      10%      20%      30%      40%      50%      60%      70%      80%      90%
## 21045.0 22950.0 24885.0 26700.0 28875.0 30750.0 34500.0 40920.0 59392.5
```

El *rango* y el *rango intercuartílico*

```
data.frame(Rango=max(salario)-min(salario),
            RI=as.numeric(quantile(salario, 0.75) - quantile(salario, 0.25)))
```

```
##      Rango      RI
## 1 119250 12937.5
```

5.1.5 Summary

```
summary(empleados)
```

```
##      id      sexo      fechnac      educ
## Min.   : 1.0  Hombre:258  Min.   :1929-02-10  Min.   : 8.00
## 1st Qu.:119.2  Mujer :216  1st Qu.:1948-01-03  1st Qu.:12.00
## Median :237.5                Median :1962-01-23  Median :12.00
## Mean   :237.5                Mean   :1956-10-08  Mean   :13.49
## 3rd Qu.:355.8                3rd Qu.:1965-07-06  3rd Qu.:15.00
## Max.   :474.0                Max.   :1971-02-10  Max.   :21.00
##
##      NA's :1
##
##      catlab      salario      salini      tiempemp
## Administrativo:363  Min.   : 15750  Min.   : 9000  Min.   :63.00
## Seguridad      : 27  1st Qu.: 24000  1st Qu.:12488  1st Qu.:72.00
## Directivo      : 84  Median : 28875  Median :15000  Median :81.00
##
##      Mean   : 34420  Mean   :17016  Mean   :81.11
##
##      3rd Qu.: 36938  3rd Qu.:17490  3rd Qu.:90.00
##
##      Max.   :135000  Max.   :79980  Max.   :98.00
##
##
##      expprev      minoria      sexoraza
## Min.   : 0.00  No:370  Blanca varón :194
## 1st Qu.: 19.25  Sí:104  Minoría varón: 64
## Median : 55.00                Blanca mujer :176
## Mean   : 95.86                Minoría mujer: 40
## 3rd Qu.:138.75
```

```
## Max. :476.00
##
```

```
summary(subset(empleados,catlab=='Directivo'))
```

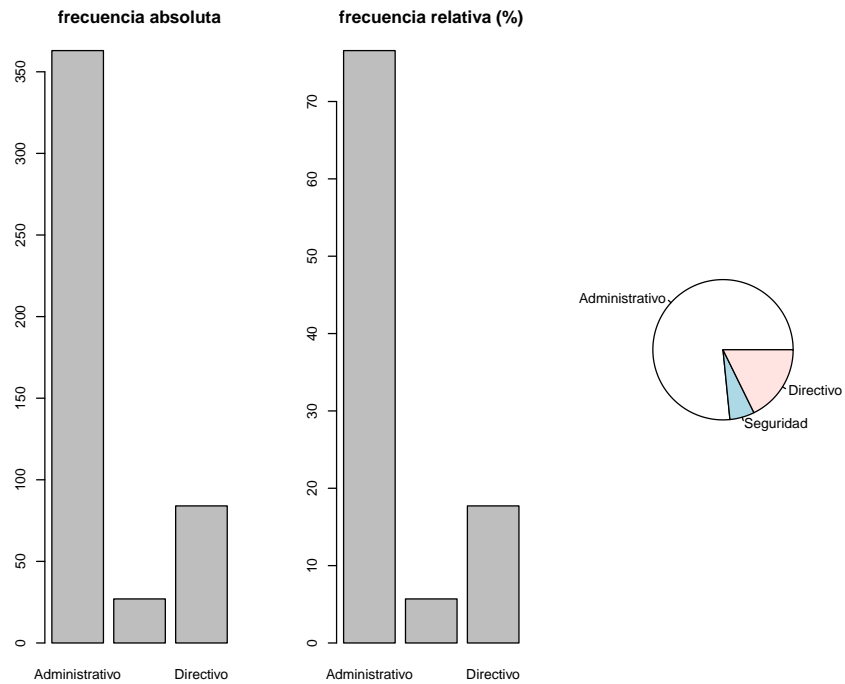
```
##      id      sexo      fechnac      educ
## Min.   : 1.0  Hombre:74  Min.   :1937-07-12  Min.   :12.00
## 1st Qu.:102.5 Mujer :10  1st Qu.:1954-08-09  1st Qu.:16.00
## Median :233.5      Median :1961-05-29  Median :17.00
## Mean   :234.1      Mean   :1958-11-26  Mean   :17.25
## 3rd Qu.:344.2      3rd Qu.:1963-10-03  3rd Qu.:19.00
## Max.   :468.0      Max.   :1966-04-05  Max.   :21.00
##      catlab      salario      salini      tiempemp
## Administrativo: 0  Min.   : 34410  Min.   :15750  Min.   :64.00
## Seguridad      : 0  1st Qu.: 51956  1st Qu.:23063  1st Qu.:73.00
## Directivo       :84  Median : 60500  Median :28740  Median :81.00
##                  Mean   : 63978  Mean   :30258  Mean   :81.15
##                  3rd Qu.: 71281  3rd Qu.:34058  3rd Qu.:91.00
##                  Max.   :135000  Max.   :79980  Max.   :98.00
##      expprev      minoria      sexoraza
## Min.   : 3.00  No:80  Blanca varón :70
## 1st Qu.:19.75  Sí: 4  Minoría varón: 4
## Median :52.00      Blanca mujer :10
## Mean   :77.62      Minoría mujer: 0
## 3rd Qu.:125.25
## Max.   :285.00
```

5.2 Gráficos

5.2.1 Diagrama de barras y gráfico de sectores

```
table(catlab)
```

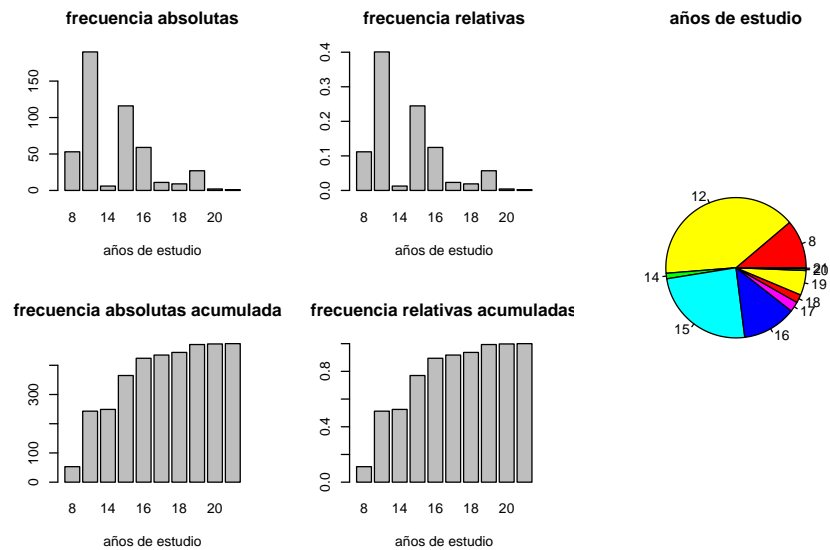
```
## catlab
## Administrativo      Seguridad      Directivo
##           363           27           84
par(mfrow = c(1, 3))
barplot(table(catlab),main="frecuencia absoluta")
barplot(100*prop.table(table(catlab)),main="frecuencia relativa (%)")
pie(table(catlab))
```



```

nj <- table(educ)
fj <- prop.table(nj)
Nj <- cumsum(nj)
Fj <- cumsum(fj)
layout(matrix(c(1,2,5,3,4,5), 2, 3, byrow=TRUE), respect=TRUE)
barplot(nj,main="frecuencia absolutas",xlab='años de estudio')
barplot(fj,main="frecuencia relativas",xlab='años de estudio')
barplot(Nj,main="frecuencia absolutas acumuladas",xlab='años de estudio')
barplot(Fj,main="frecuencia relativas acumuladas",xlab='años de estudio')
pie(nj,col=rainbow(6),main='años de estudio')

```



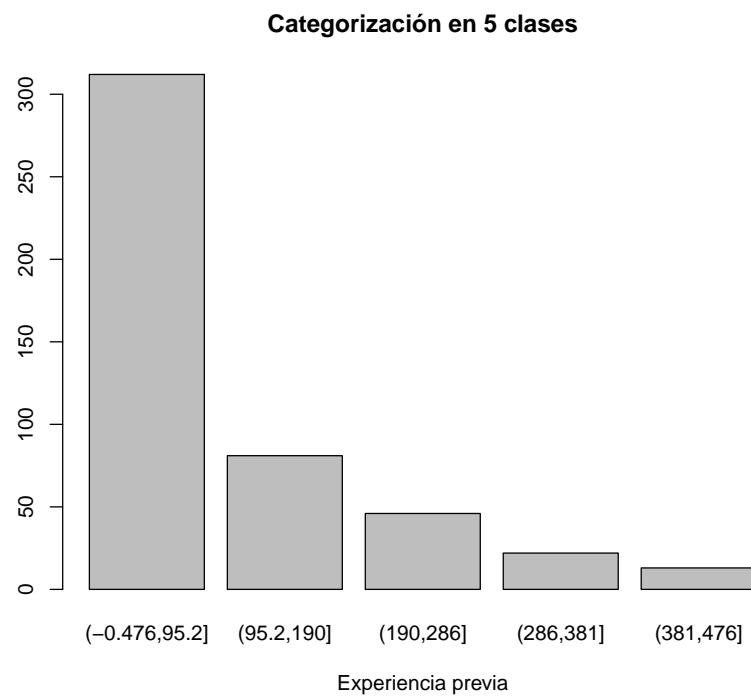
```
par(mfrow = c(1, 1))
```

Con datos continuos, podemos hacer uso de la función *cut* (más adelante veremos como se representa el histograma)

```
table(cut(expprev, breaks=5))
```

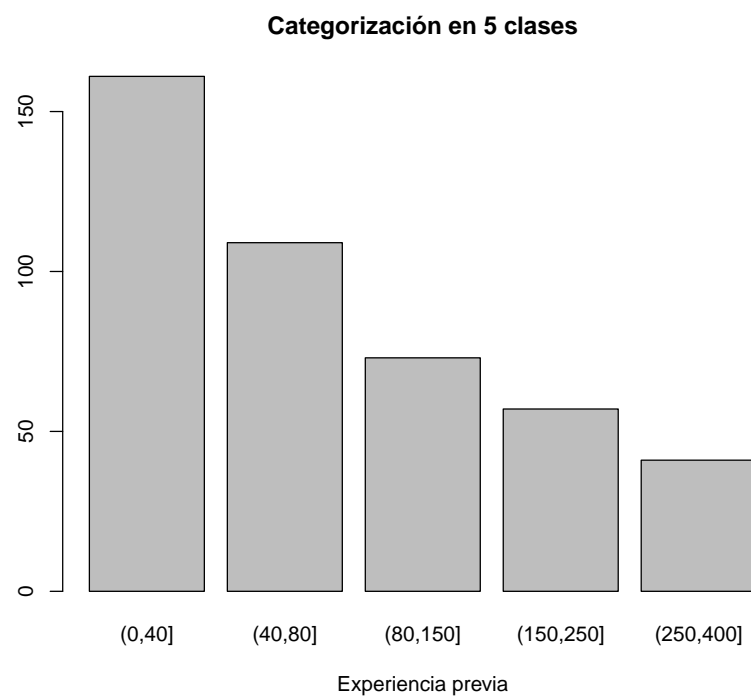
```
##
## (-0.476,95.2]    (95.2,190]    (190,286]    (286,381]    (381,476]
##              312              81              46              22              13
```

```
barplot(table(cut(expprev,breaks=5)),xlab="Experiencia previa",
        main="Categorización en 5 clases")
```



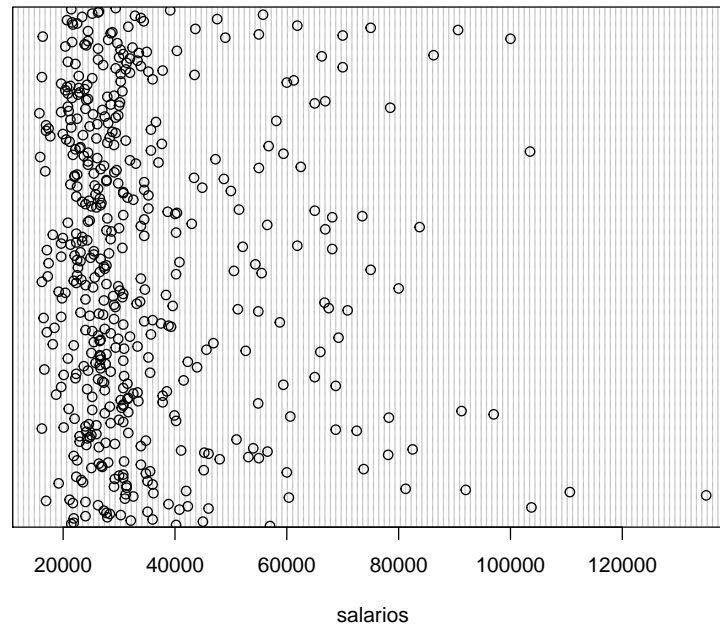
Debemos ser muy cuidadosos a la hora de valorar gráficas como la siguiente

```
tt <- table(cut(expprev, breaks=c(0,40,80,150,250,400)))
barplot(tt,xlab="Experiencia previa", main="Categorización en 5 clases")
```

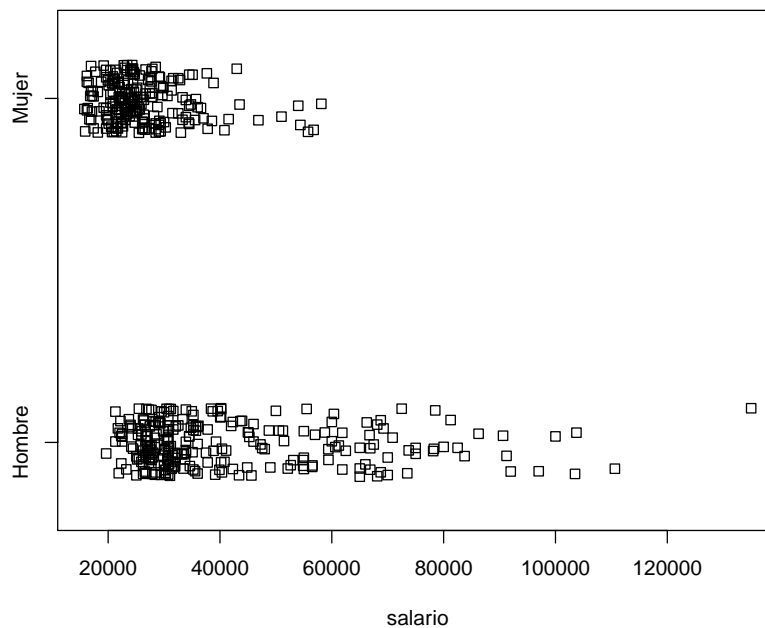


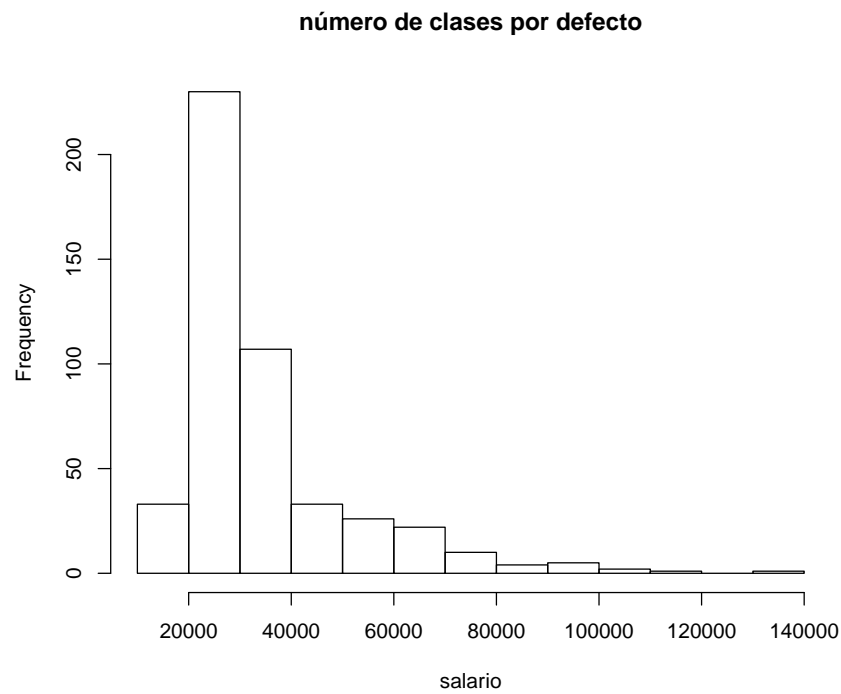
5.2.2 Gráfico de puntos

```
dotchart(salario, xlab='salarios')
```

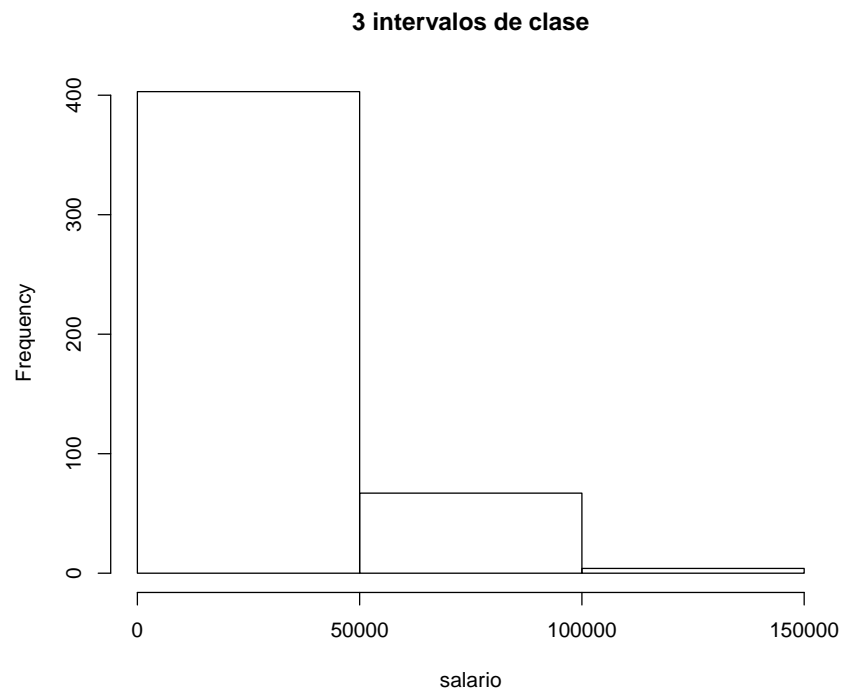


```
stripchart(salario~sexo, method='jitter')
```

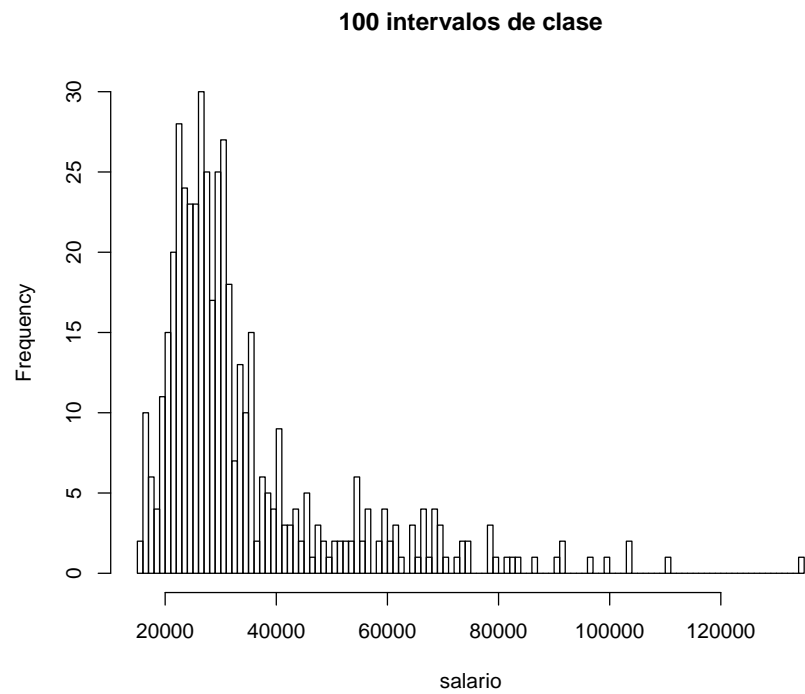




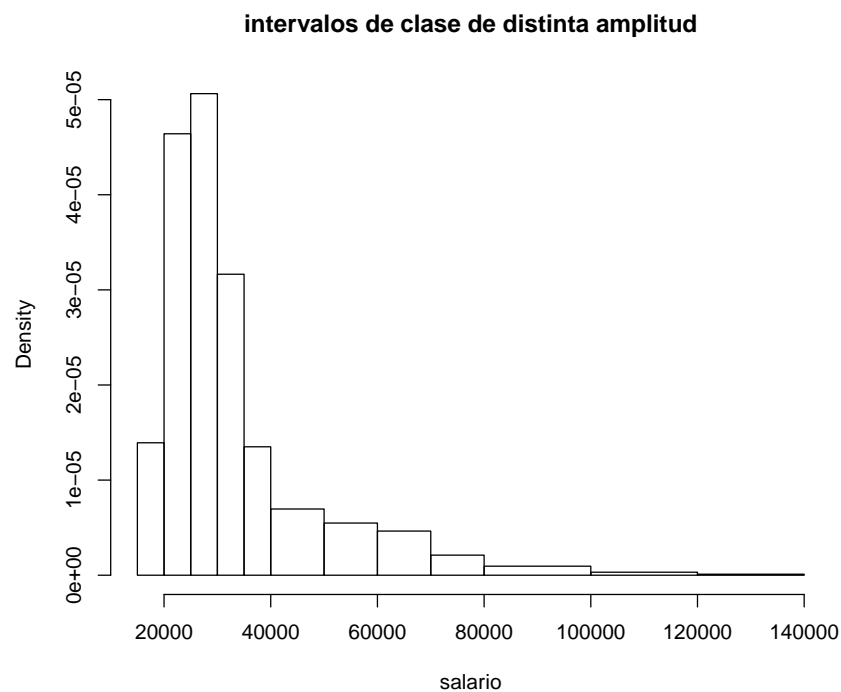
```
hist(salario, breaks=3, main='3 intervalos de clase')
```



```
hist(salario, breaks=100, main='100 intervalos de clase')
```

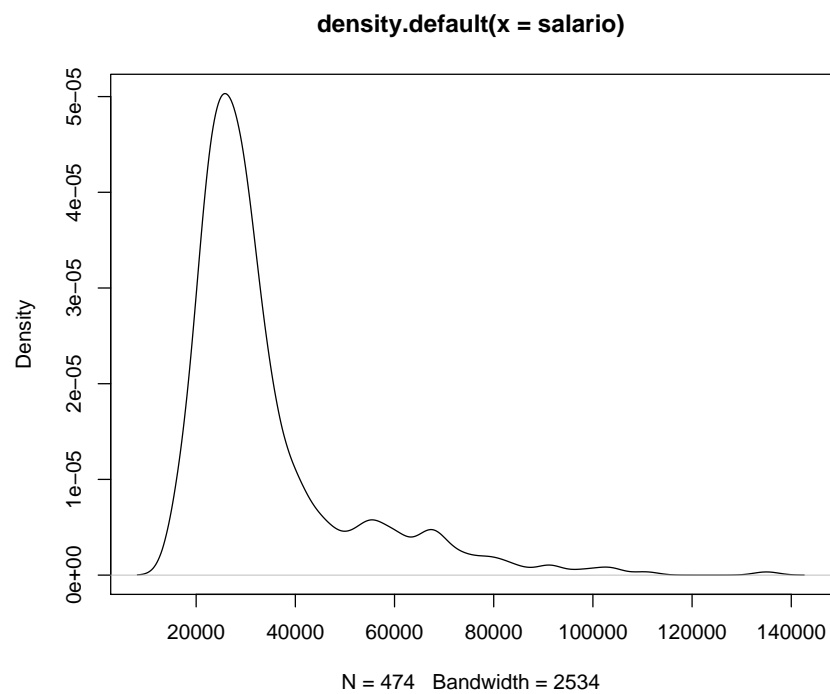
```
c11 <- seq(15000,40000,5000)
c12 <- seq(50000,80000,10000)
c13 <- seq(100000,140000,20000)
hist(salario, breaks=c(c11,c12,c13),main='intervalos de clase de distinta amplitud')
```



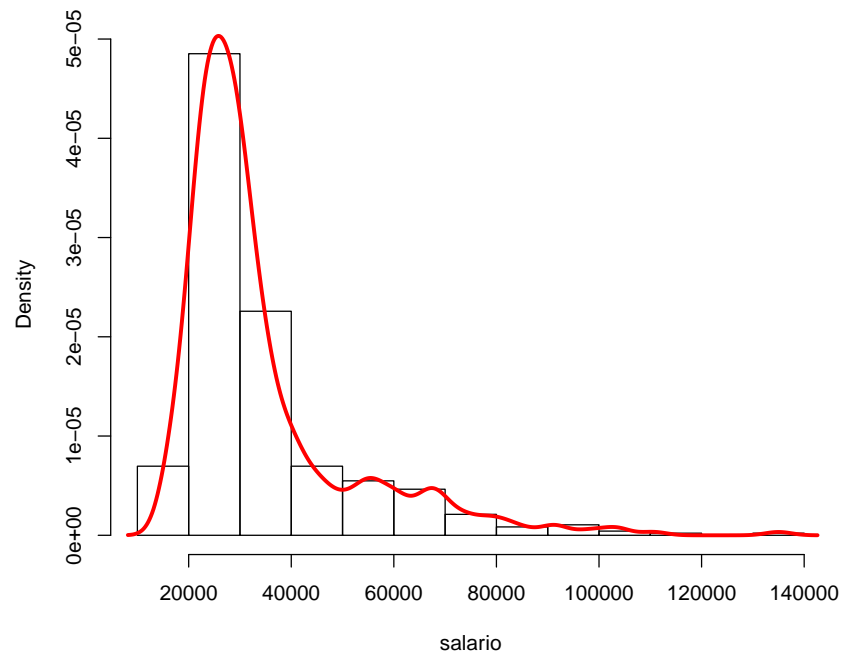
5.2.5 Gráfico de densidad

Es una versión suavizada del histograma.

```
plot(density(salario))
```

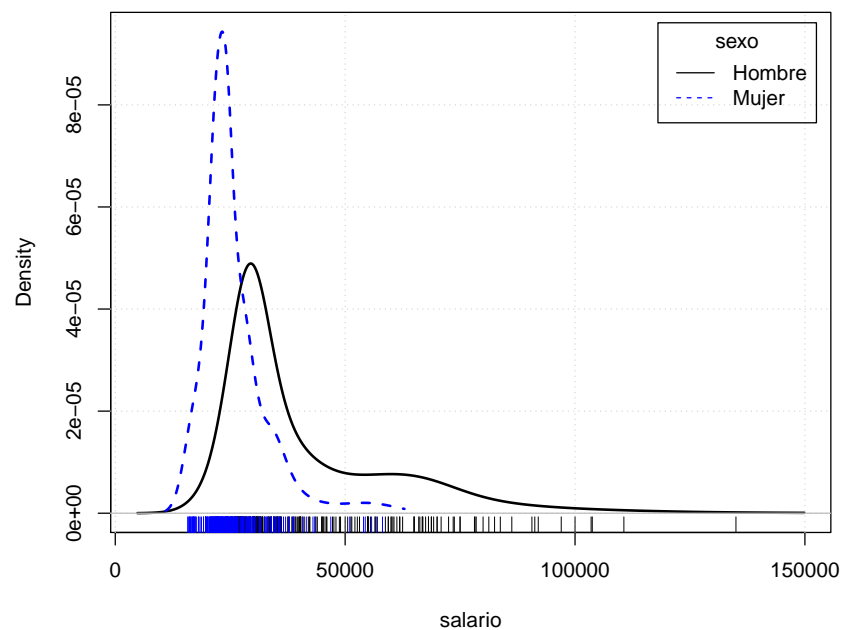


```
hist(salario, freq=F, main='')  
lines(density(salario), lwd=3, col='red')
```



El paquete *car* nos da acceso a la instrucción *densityPlot*:

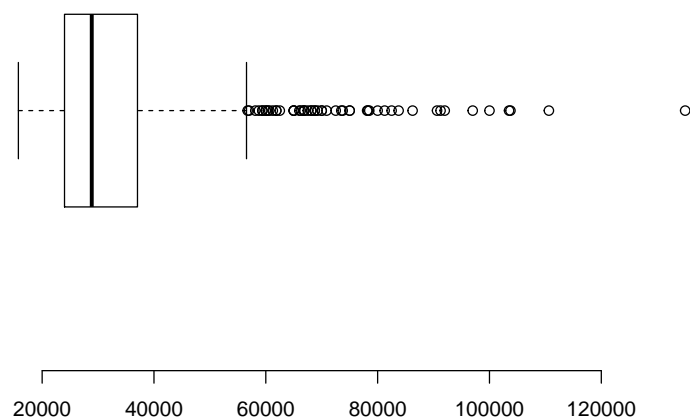
```
library(car) # help(car)
densityPlot(salario~sexo)
```



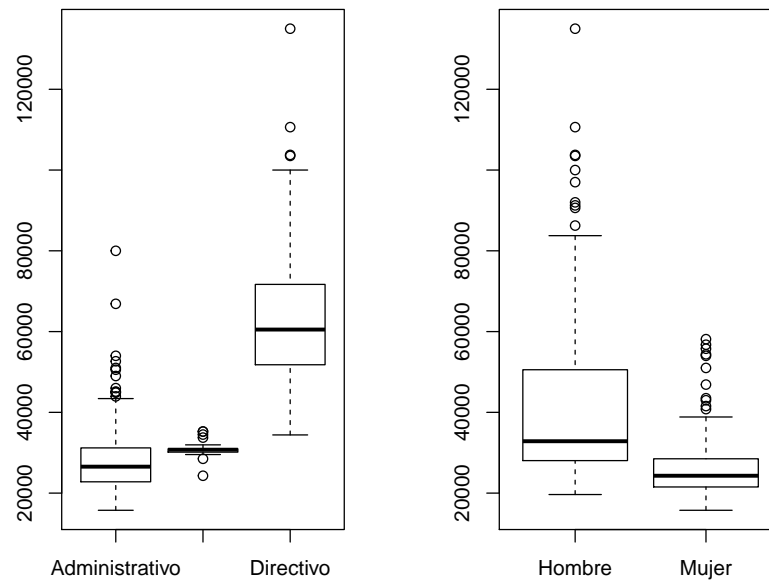
5.2.6 Diagrama de cajas

Se trata de un gráfico muy polivalente

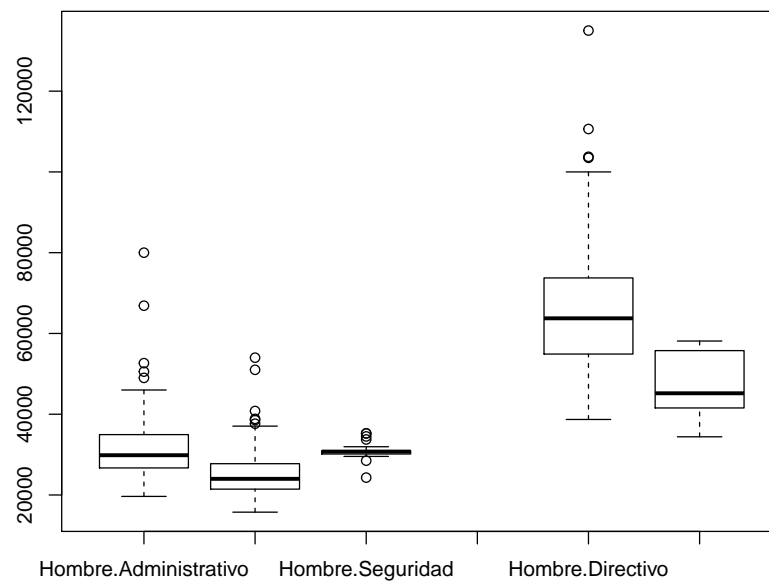
```
boxplot(salario, horizontal=T, axes=F)  
axis(1)
```



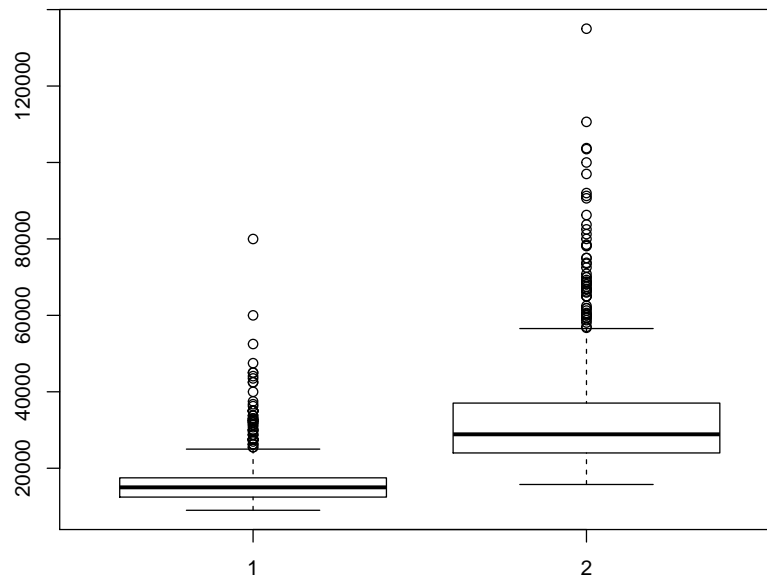
```
par(mfrow=c(1,2))  
boxplot(salario~catlab)  
boxplot(salario~sexo)
```



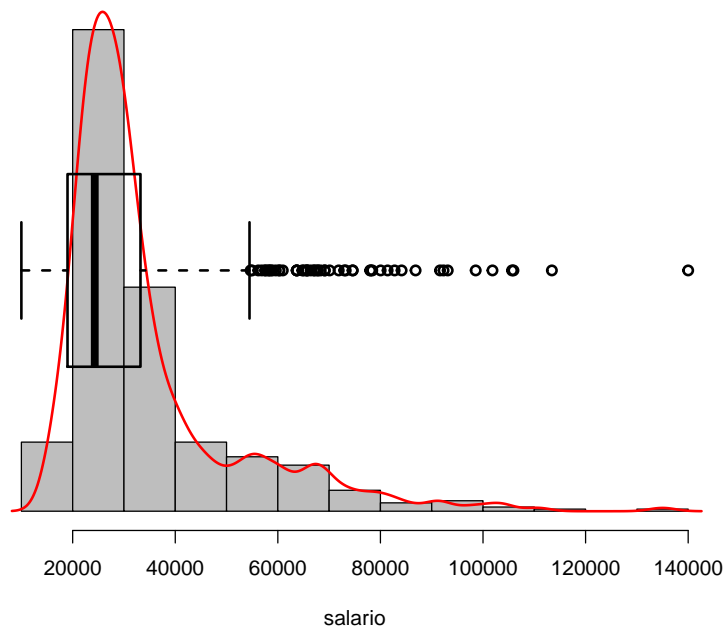
```
par(mfrow=c(1,1))
boxplot(salario~sexo*catlab)
```



```
boxplot(salini, salario)
```



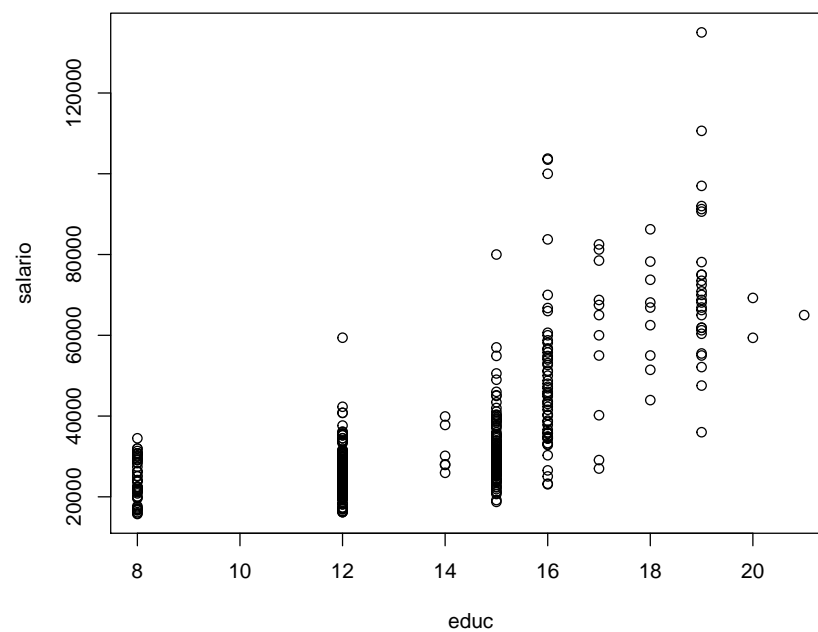
```
hist(salario,probability=T,ylab="",col='grey',axes=F,main=""); axis(1)
lines(density(salario),col='red',lwd=2)
par(new=T)
boxplot(salario,horizontal=T,axes=F,lwd=2)
```



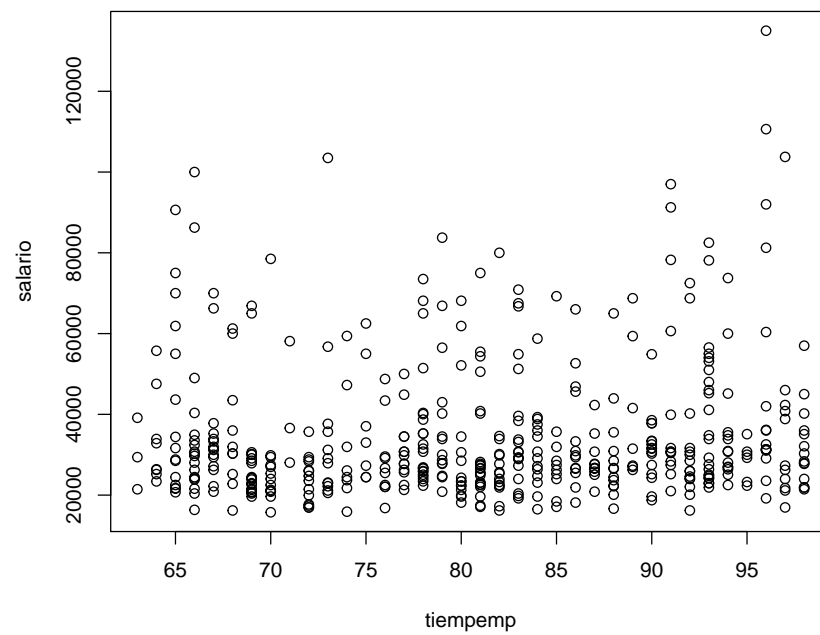
5.2.7 Gráfica de dispersión

Permite ver la relación entre dos variables:

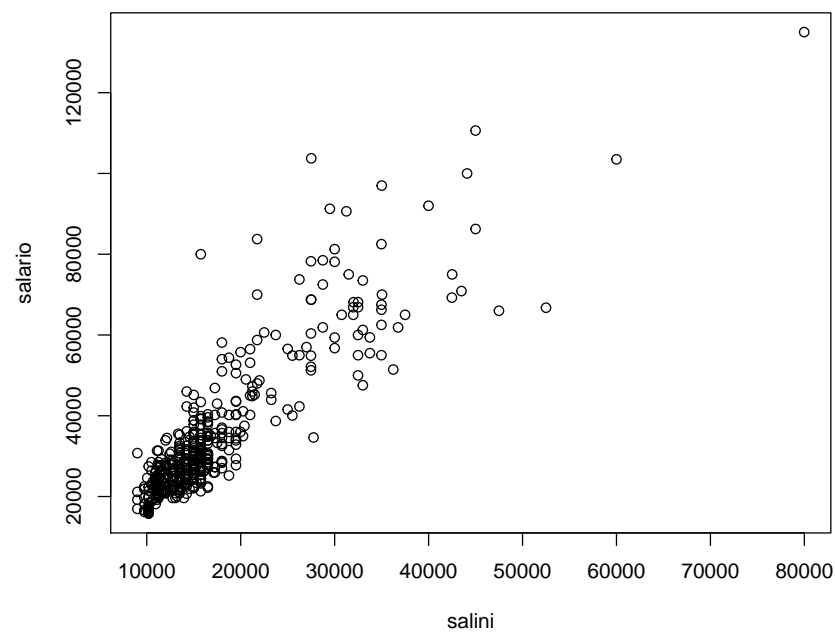
```
plot(educ,salario)
```



```
plot(tiempemp,salario)
```



```
plot(salini,salario)
```



En el caso de una serie temporal

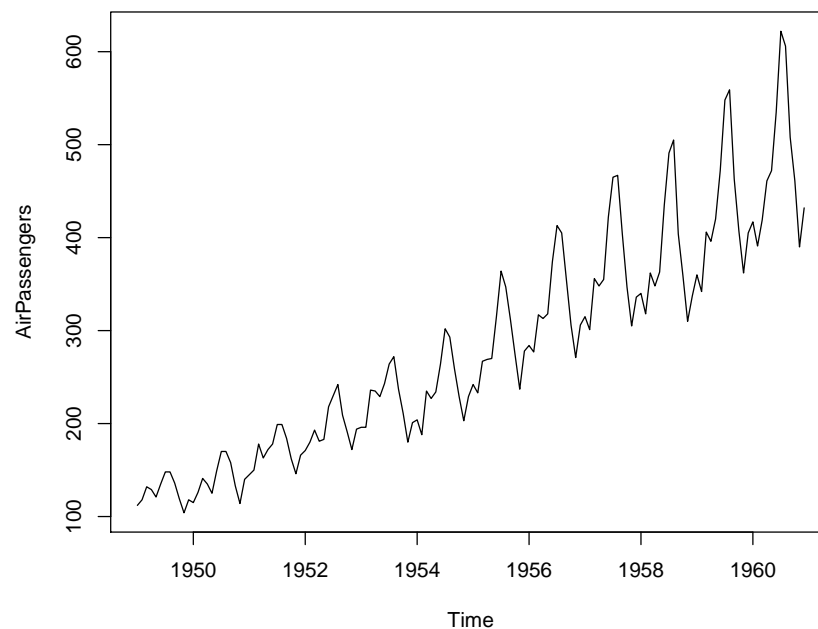
```
AirPassengers
```

```
##      Jan Feb Mar Apr May Jun Jul Aug Sep Oct Nov Dec
```



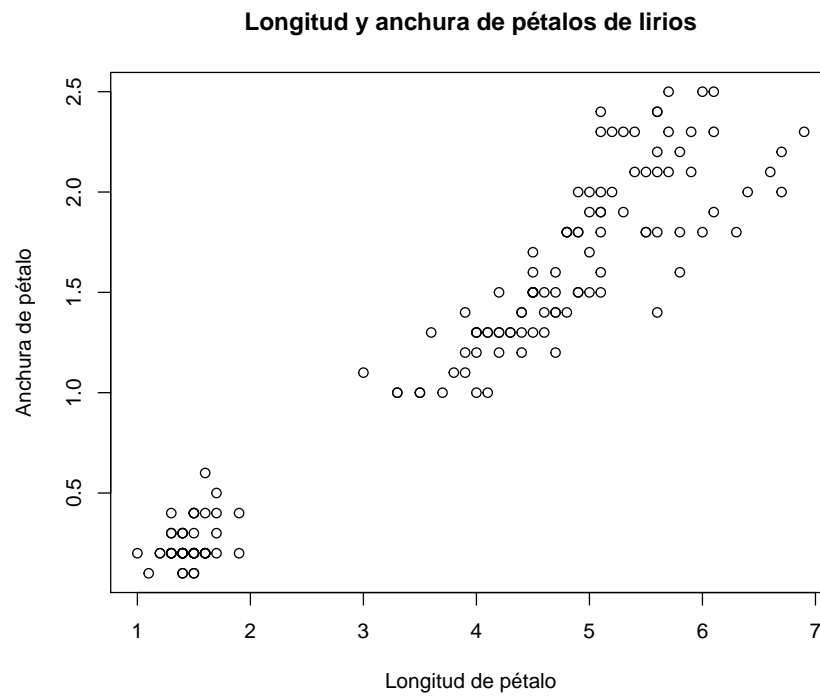
```
## 1949 112 118 132 129 121 135 148 148 136 119 104 118
## 1950 115 126 141 135 125 149 170 170 158 133 114 140
## 1951 145 150 178 163 172 178 199 199 184 162 146 166
## 1952 171 180 193 181 183 218 230 242 209 191 172 194
## 1953 196 196 236 235 229 243 264 272 237 211 180 201
## 1954 204 188 235 227 234 264 302 293 259 229 203 229
## 1955 242 233 267 269 270 315 364 347 312 274 237 278
## 1956 284 277 317 313 318 374 413 405 355 306 271 306
## 1957 315 301 356 348 355 422 465 467 404 347 305 336
## 1958 340 318 362 348 363 435 491 505 404 359 310 337
## 1959 360 342 406 396 420 472 548 559 463 407 362 405
## 1960 417 391 419 461 472 535 622 606 508 461 390 432
```

```
plot(AirPassengers)
```

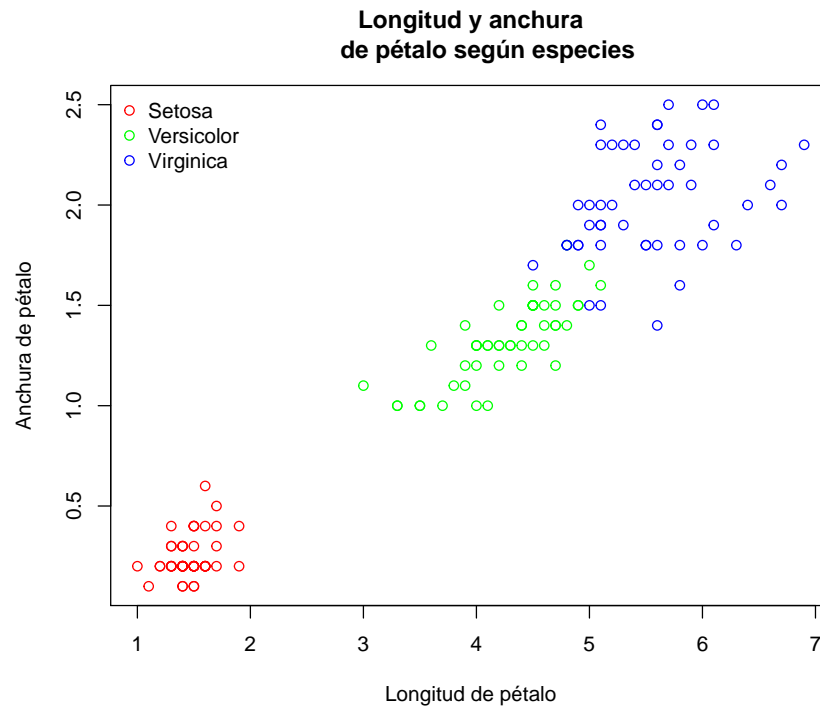


Y un último ejemplo utilizando los datos *iris* de Fisher:

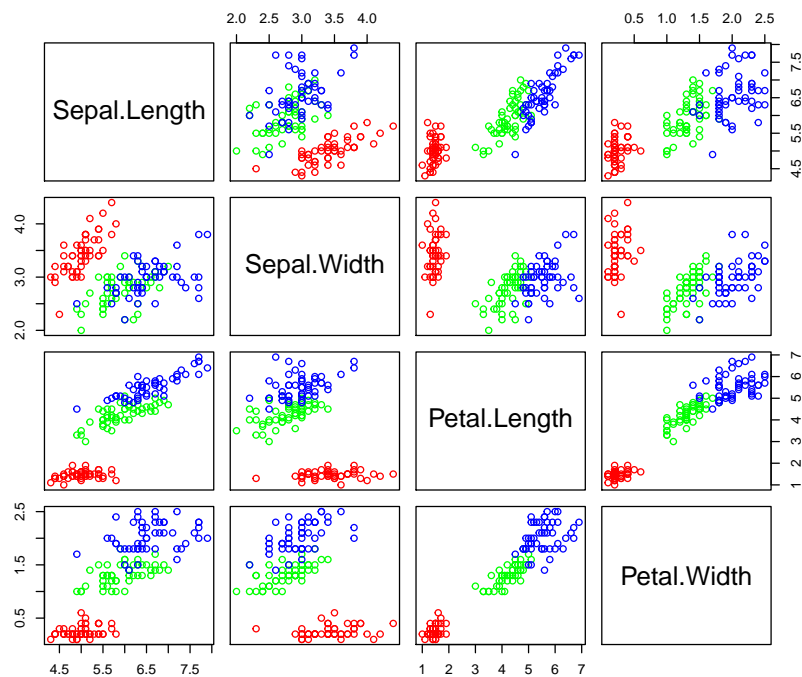
```
plot(iris[,3],iris[,4],main="Longitud y anchura de pétalos de lirios",
     xlab="Longitud de pétalo",ylab="Anchura de pétalo")
```



```
iris.color<-c("red","green","blue")[iris$Species]
plot(iris[,3],iris[,4],col=iris.color,main="Longitud y anchura
de pétalo según especies",xlab="Longitud de pétalo",
ylab="Anchura de pétalo")
legend("topleft",c("Setosa","Versicolor","Virginica"),pch=1,
col=c("red","green","blue"),box.lty=0)
```



```
pairs(iris[,1:4],col=iris.color)
```



Capítulo 6

Inferencia estadística

El objetivo de este capítulo es ofrecer un primer acercamiento a la inferencia estadística, cubriendo de forma somera los siguientes apartados:

- contrastes de normalidad
- contrastes paramétricos y no paramétricos, con una y dos muestras
- regresión y correlación
- análisis de la varianza con un factor

En este capítulo utilizaremos como ejemplo los datos de clientes de una compañía de distribución industrial (HATCO) contenidos en el fichero *hatco.RData*.

```
load('datos/hatco.RData')
```

Listado de etiquetas

```
as.data.frame(attr(hatco, "variable.labels"))
```

```
##          attr(hatco, "variable.labels")
## empresa                Empresa
## tamano                  Tamaño de la empresa
## adquisic               Estructura de adquisición
## tindustr               Tipo de industria
## tsitcomp               Tipo de situación de compra
## velocida               Velocidad de entrega
## precio                 Nivel de precios
## flexprec               Flexibilidad de precios
## imgfabri               Imagen del fabricante
## servconj               Servicio conjunto
## imgfvent               Imagen de fuerza de ventas
## calidadp               Calidad de producto
## fidelida               Porcentaje de compra a HATCO
## satisfac               Satisfacción global
## nfidelid               Nivel de compra a HATCO
## nsatisfac              Nivel de satisfacción
```

Por comodidad, para poder referenciar directamente las variables de *hatco* de ahora en adelante:

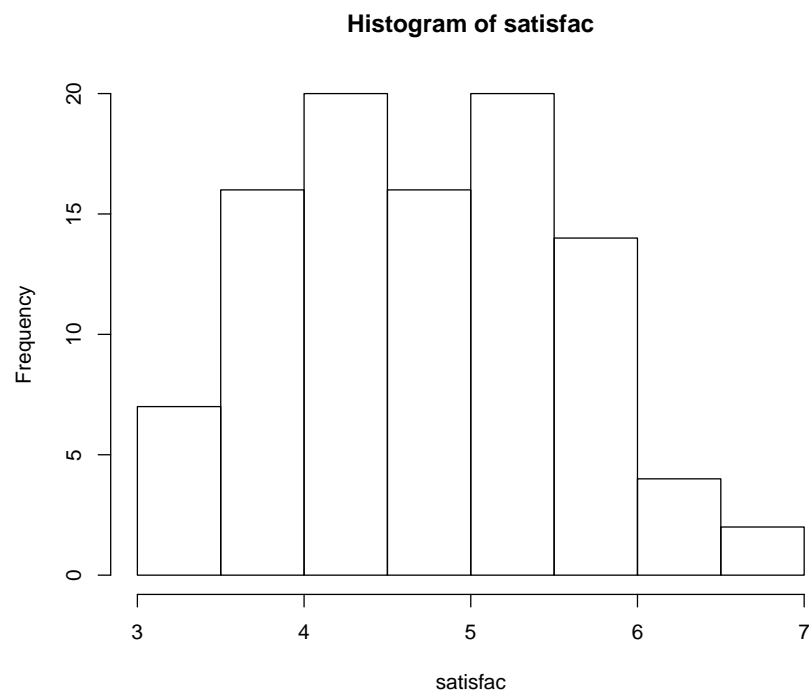
```
# attach(hatco) # No se recomienda, mejor emplear with(hatco, ...)
satisfac <- hatco$satisfac
nsatisfac <- hatco$nsatisfac
fidelida <- hatco$fidelida
```

```
nfidelid <- hatco$nfidelid
```

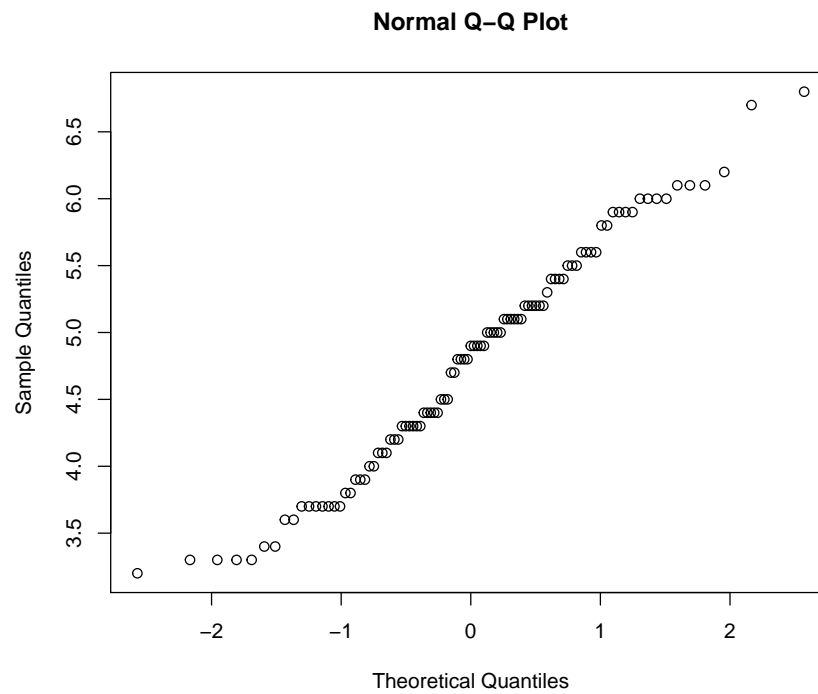
6.1 Normalidad

Queremos hacer un estudio inferencial de la variable *satisfac* (satisfacción global). Lo primero que vamos a hacer es comprobar si, visualmente, los datos parecen razonablemente simétricos y si se pueden ajustar por una distribución normal

```
hist(satisfac) # hist(hatco$satisfac)
```



```
qqnorm(satisfac)
```



```
shapiro.test(satisfac)
```

```
##
##  Shapiro-Wilk normality test
##
## data:  satisfac
## W = 0.97608, p-value = 0.06813
```

6.2 Contrastes

6.2.1 Una muestra

Obtenemos un intervalo de confianza de *satisfac*

```
t.test(satisfac) # t.test(hatco$satisfac)
```

```
##
##  One Sample t-test
##
## data:  satisfac
## t = 55.301, df = 98, p-value < 2.2e-16
## alternative hypothesis: true mean is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
##  4.603406 4.946089
## sample estimates:
## mean of x
##  4.774747
```

Contrastamos si es razonable suponer que la media es 5

```
t.test(satisfac, mu = 5)
```

```
##
## One Sample t-test
##
## data:  satisfac
## t = -2.6089, df = 98, p-value = 0.01051
## alternative hypothesis: true mean is not equal to 5
## 95 percent confidence interval:
##  4.603406 4.946089
## sample estimates:
## mean of x
##  4.774747
```

Utilizando una confianza del 99%

```
t.test(satisfac, mu = 5, conf.level = 0.99)
```

```
##
## One Sample t-test
##
## data:  satisfac
## t = -2.6089, df = 98, p-value = 0.01051
## alternative hypothesis: true mean is not equal to 5
## 99 percent confidence interval:
##  4.547935 5.001560
## sample estimates:
## mean of x
##  4.774747
```

Veamos si podemos afirmar que la media es menor que 5

```
t.test(satisfac, mu = 5, alternative = 'less')
```

```
##
## One Sample t-test
##
## data:  satisfac
## t = -2.6089, df = 98, p-value = 0.005253
## alternative hypothesis: true mean is less than 5
## 95 percent confidence interval:
##      -Inf 4.918122
## sample estimates:
## mean of x
##  4.774747
```

¿Y mayor que 4.65?

```
t.test(satisfac, mu = 4.65, alternative = 'greater')
```

```
##
## One Sample t-test
##
## data:  satisfac
## t = 1.4448, df = 98, p-value = 0.07585
## alternative hypothesis: true mean is greater than 4.65
## 95 percent confidence interval:
##  4.631373      Inf
```



```
## sample estimates:
## mean of x
## 4.774747
```

El test de los rangos con signo de Wilcoxon es un contraste no paramétrico (exige que la distribución sea simétrica) que se puede utilizar como alternativa al contraste t de Student

```
wilcox.test(satisfac, mu = 5)
```

```
##
## Wilcoxon signed rank test with continuity correction
##
## data:  satisfac
## V = 1574, p-value = 0.01303
## alternative hypothesis: true location is not equal to 5
```

6.2.2 Dos muestras

Disponemos de dos muestras independientes, el porcentaje de compra en las empresas con nivel de satisfacción bajo y alto, y asumimos que las varianzas son iguales

```
t.test(fidelida ~ nsatisfa, data = hatco, var.equal = TRUE)
```

```
##
## Two Sample t-test
##
## data:  fidelida by nsatisfa
## t = -6.5833, df = 97, p-value = 2.363e-09
## alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## -12.915013 -6.931653
## sample estimates:
## mean in group bajo mean in group alto
## 41.72778 51.65111
```

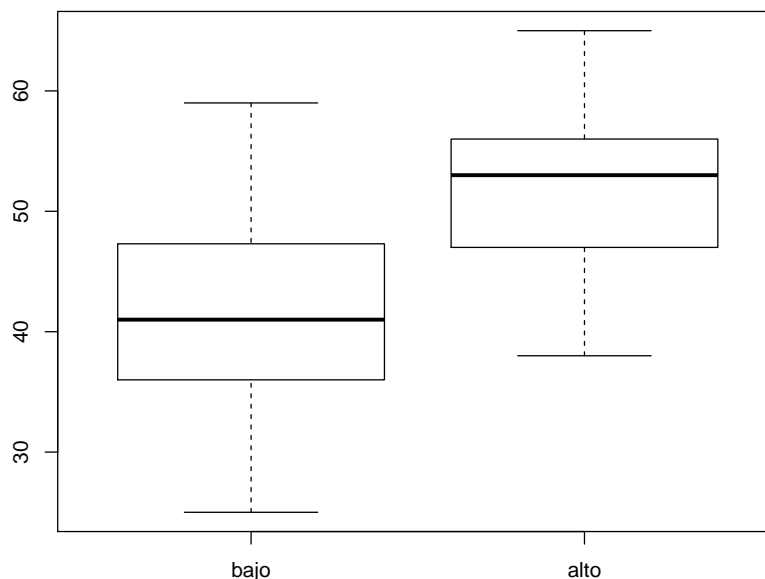
Si no se asume igualdad de varianzas, se calcula la variante Welch del test t

```
t.test(fidelida ~ nsatisfa, data = hatco)
```

```
##
## Welch Two Sample t-test
##
## data:  fidelida by nsatisfa
## t = -6.6901, df = 96.995, p-value = 1.437e-09
## alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## -12.86727 -6.97940
## sample estimates:
## mean in group bajo mean in group alto
## 41.72778 51.65111
```

Comparemos visualmente las varianzas

```
boxplot(fidelida ~ nsatisfa, data = hatco)
```



La comparación de las varianzas puede hacerse con el test F

```
var.test(fidelida ~ nsatisfa, data = hatco)
```

```
##
## F test to compare two variances
##
## data: fidelida by nsatisfa
## F = 1.4248, num df = 53, denom df = 44, p-value = 0.2292
## alternative hypothesis: true ratio of variances is not equal to 1
## 95 percent confidence interval:
##  0.797925 2.505462
## sample estimates:
## ratio of variances
##      1.424804
```

Una alternativa no paramétrica

```
bartlett.test(fidelida ~ nsatisfa, data = hatco)
```

```
##
## Bartlett test of homogeneity of variances
##
## data: fidelida by nsatisfa
## Bartlett's K-squared = 1.4675, df = 1, p-value = 0.2257
```

También puede utilizarse el test de Wilcoxon como alternativa al test t

```
wilcox.test(fidelida ~ nsatisfa, data = hatco)
```

```
##
## Wilcoxon rank sum test with continuity correction
##
```

```
## data: fidelida by nsatisfa
## W = 430.5, p-value = 3.504e-08
## alternative hypothesis: true location shift is not equal to 0
```

Si disponemos de datos apareados, por ejemplo nivel de precios e imagen de fuerza de ventas

```
t.test(hatco$precio, hatco$imgfvent, paired = TRUE)
```

```
##
## Paired t-test
##
## data: hatco$precio and hatco$imgfvent
## t = -2.2347, df = 98, p-value = 0.02771
## alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## -0.55114759 -0.03269079
## sample estimates:
## mean of the differences
## -0.2919192
# with(hatco, t.test(precio, imgfvent, paired = TRUE)) # Alternativa empleando with
```

Y la correspondiente alternativa no paramétrica

```
wilcox.test(hatco$precio, hatco$imgfvent, paired = TRUE)
```

```
##
## Wilcoxon signed rank test with continuity correction
##
## data: hatco$precio and hatco$imgfvent
## V = 1789.5, p-value = 0.02431
## alternative hypothesis: true location shift is not equal to 0
# with(hatco, wilcox.test(precio, imgfvent, paired = TRUE)) # Alternativa empleando with
```

6.3 Regresión y correlación

6.3.1 Regresión lineal simple

Utilizando la función *lm* (modelo lineal) se puede llevar a cabo, entre otras muchas cosas, una regresión lineal simple

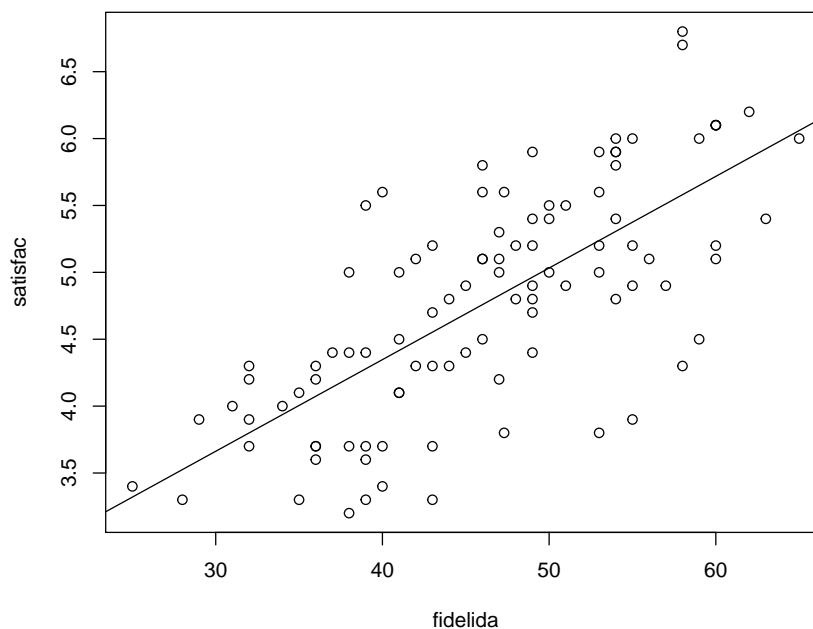
```
lm(satisfac ~ fidelida, data = hatco)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = satisfac ~ fidelida, data = hatco)
##
## Coefficients:
## (Intercept)      fidelida
##      1.6074         0.0685
modelo <- lm(satisfac ~ fidelida, data = hatco, na.action=na.exclude)
summary(modelo)
```

```
##
## Call:
```

```
## lm(formula = satisfac ~ fidelida, data = hatco, na.action = na.exclude)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -1.47492 -0.37341  0.09358  0.38258  1.25258
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  1.607399   0.322436   4.985 2.71e-06 ***
## fidelida     0.068500   0.006848  10.003 < 2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 0.6058 on 97 degrees of freedom
## (1 observation deleted due to missingness)
## Multiple R-squared:  0.5078, Adjusted R-squared:  0.5027
## F-statistic: 100.1 on 1 and 97 DF,  p-value: < 2.2e-16

plot(fidelida, satisfac) # Cuidado con el orden de las variables
# plot(hatco$fidelida, hatco$satisfac)
# with(hatco, plot(fidelida, satisfac)) # Alternativa empleando with
# plot(satisfac ~ fidelida, data = hatco) # Alternativa empleando fórmulas
abline(modelo)
```



Valores ajustados

```
fitted(modelo)

##      1      2      3      4      5      6      7      8
## 3.799412 4.552917 4.895419 3.799412 5.580423 4.689918 4.758418 4.621417
##      9     10     11     12     13     14     15     16
```

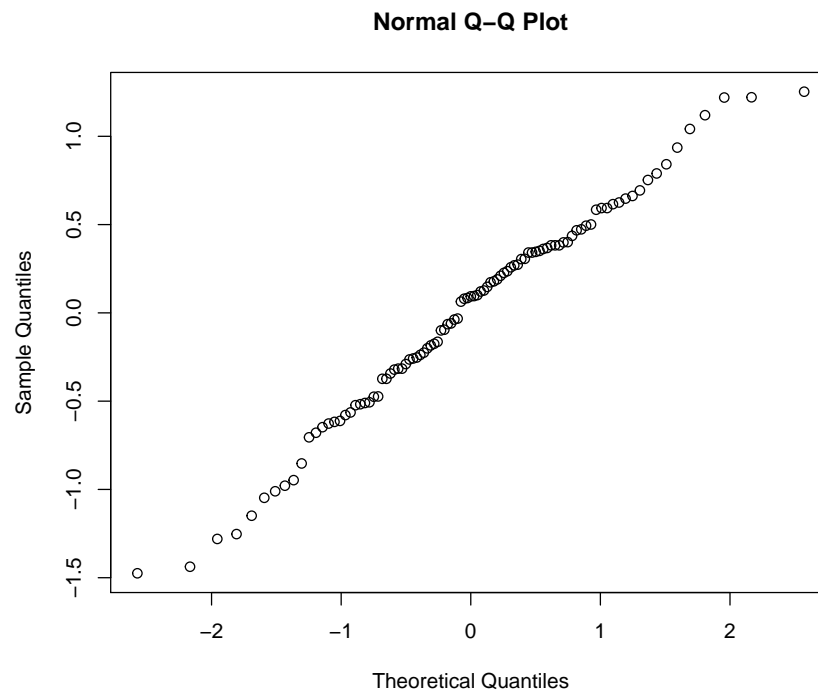
```
## 5.922925 5.306421 3.799412 4.826919 4.278915 4.210415 5.306421 4.963919
##      17      18      19      20      21      22      23      24
## 4.210415 4.347416 5.306421 5.374922 4.415916 4.004913 5.374922 4.073414
##      25      26      27      28      29      30      31      32
## 4.963919 4.963919 4.073414 5.306421 4.963919 4.758418 4.552917 5.237921
##      33      34      35      36      37      38      39      40
## 5.717424 4.847469 4.004913 4.278915 4.621417 4.758418 3.593911 3.525410
##      41      42      43      44      45      46      47      48
## 4.347416 5.580423 5.237921 4.895419 4.210415 5.306421 5.374922 4.552917
##      49      50      51      52      53      54      55      56
## 5.511923 5.237921 4.415916 5.237921 5.032420 3.799412 4.278915 4.826919
##      57      58      59      60      61      62      63      64
## 5.854425 6.059926 4.758418 5.032420 5.306421 5.717424 4.826919 4.073414
##      65      66      67      68      69      70      71      72
## 4.347416 4.689918 5.648924 4.758418 5.580423 4.963919 5.032420 5.374922
##      73      74      75      76      77      78      79      80
## 5.100920 5.717424 4.415916 4.963919 4.484416 4.826919 4.278915 5.443422
##      81      82      83      84      85      86      87      88
## 5.648924 4.847469 4.415916 4.141914 5.237921 4.552917 5.100920 4.073414
##      89      90      91      92      93      94      95      96
## 3.936413 5.717424 4.963919 4.278915 4.552917 4.073414 3.730912 3.319909
##      97      98      99     100
## 5.717424 4.210415 4.484416      NA
```

Residuos

```
head(resid(modelo))
```

```
##      1      2      3      4      5      6
## 0.4005878 -0.2529168 0.3045811 0.1005878 1.2195769 -0.2899177
```

```
qqnorm(resid(modelo))
```

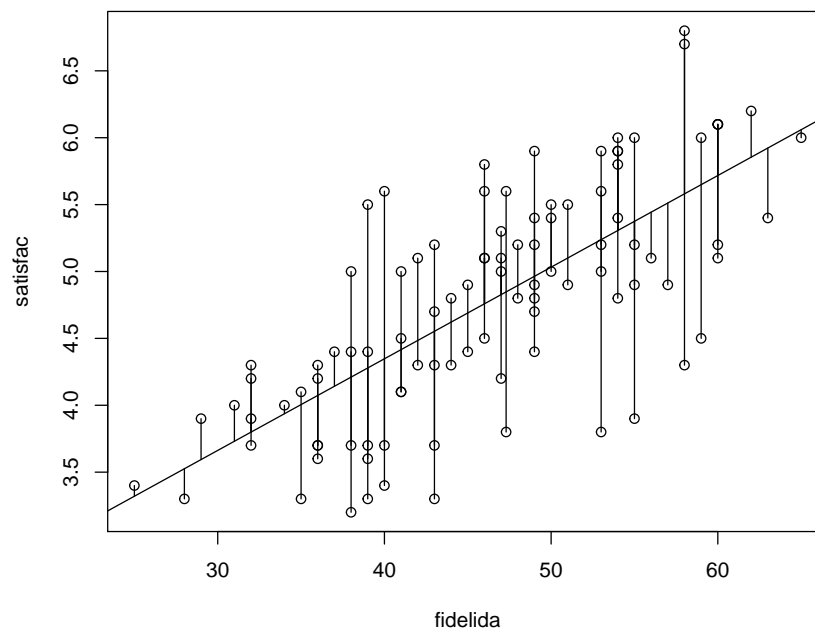


```
shapiro.test(resid(modelo))
```

```
##
##  Shapiro-Wilk normality test
##
## data:  resid(modelo)
## W = 0.98515, p-value = 0.3325

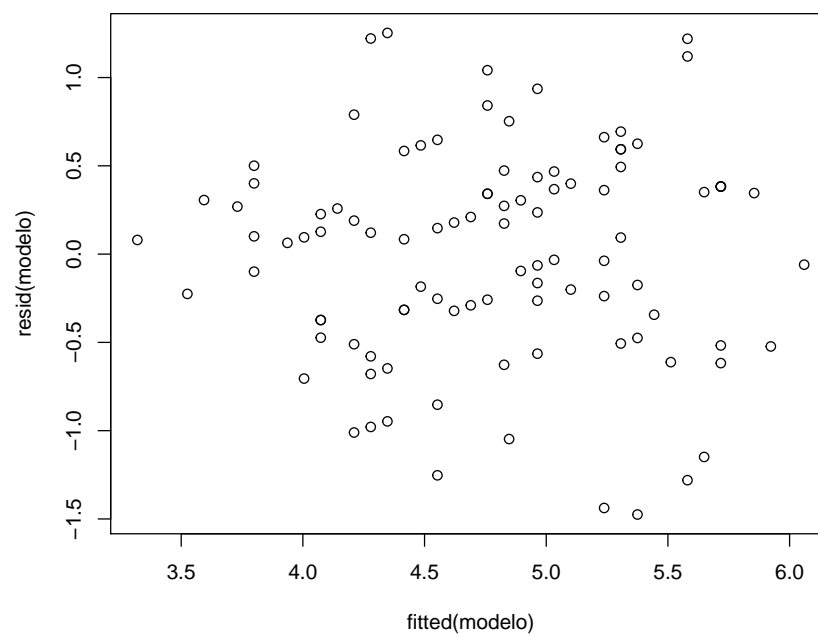
plot(fidelida, satisfac)
# plot(hatco$fidelida, hatco$satisfac)
# with(hatco, plot(fidelida, satisfac))

abline(modelo)
segments(fidelida, fitted(modelo), fidelida, satisfac)
```



```
# segments(hatco$fidelida, fitted(modelo), hatco$fidelida, hatco$satisfac)
# with(hatco, segments(fidelida, fitted(modelo), fidelida, satisfac))

plot(fitted(modelo), resid(modelo))
```



Banda de confianza

```
predict(modelo, interval='confidence')
```

##		fit	lwr	upr
## 1		3.799412	3.571263	4.027561
## 2		4.552917	4.424306	4.681528
## 3		4.895419	4.772225	5.018613
## 4		3.799412	3.571263	4.027561
## 5		5.580423	5.380031	5.780815
## 6		4.689918	4.567906	4.811929
## 7		4.758418	4.637529	4.879307
## 8		4.621417	4.496801	4.746033
## 9		5.922925	5.665048	6.180803
## 10		5.306421	5.146011	5.466832
## 11		3.799412	3.571263	4.027561
## 12		4.826919	4.705631	4.948206
## 13		4.278915	4.123089	4.434741
## 14		4.210415	4.045670	4.375159
## 15		5.306421	5.146011	5.466832
## 16		4.963919	4.837379	5.090459
## 17		4.210415	4.045670	4.375159
## 18		4.347416	4.199793	4.495038
## 19		5.306421	5.146011	5.466832
## 20		5.374922	5.205264	5.544580
## 21		4.415916	4.275658	4.556174
## 22		4.004913	3.810147	4.199680
## 23		5.374922	5.205264	5.544580
## 24		4.073414	3.889113	4.257714
## 25		4.963919	4.837379	5.090459
## 26		4.963919	4.837379	5.090459
## 27		4.073414	3.889113	4.257714
## 28		5.306421	5.146011	5.466832
## 29		4.963919	4.837379	5.090459
## 30		4.758418	4.637529	4.879307
## 31		4.552917	4.424306	4.681528
## 32		5.237921	5.086103	5.389740
## 33		5.717424	5.494745	5.940103
## 34		4.847469	4.725765	4.969172
## 35		4.004913	3.810147	4.199680
## 36		4.278915	4.123089	4.434741
## 37		4.621417	4.496801	4.746033
## 38		4.758418	4.637529	4.879307
## 39		3.593911	3.330292	3.857530
## 40		3.525410	3.249642	3.801179
## 41		4.347416	4.199793	4.495038
## 42		5.580423	5.380031	5.780815
## 43		5.237921	5.086103	5.389740
## 44		4.895419	4.772225	5.018613
## 45		4.210415	4.045670	4.375159
## 46		5.306421	5.146011	5.466832
## 47		5.374922	5.205264	5.544580
## 48		4.552917	4.424306	4.681528
## 49		5.511923	5.322196	5.701650
## 50		5.237921	5.086103	5.389740
## 51		4.415916	4.275658	4.556174


```
## 52  5.237921  5.086103  5.389740
## 53  5.032420  4.901205  5.163635
## 54  3.799412  3.571263  4.027561
## 55  4.278915  4.123089  4.434741
## 56  4.826919  4.705631  4.948206
## 57  5.854425  5.608471  6.100378
## 58  6.059926  5.777748  6.342104
## 59  4.758418  4.637529  4.879307
## 60  5.032420  4.901205  5.163635
## 61  5.306421  5.146011  5.466832
## 62  5.717424  5.494745  5.940103
## 63  4.826919  4.705631  4.948206
## 64  4.073414  3.889113  4.257714
## 65  4.347416  4.199793  4.495038
## 66  4.689918  4.567906  4.811929
## 67  5.648924  5.437531  5.860316
## 68  4.758418  4.637529  4.879307
## 69  5.580423  5.380031  5.780815
## 70  4.963919  4.837379  5.090459
## 71  5.032420  4.901205  5.163635
## 72  5.374922  5.205264  5.544580
## 73  5.100920  4.963837  5.238003
## 74  5.717424  5.494745  5.940103
## 75  4.415916  4.275658  4.556174
## 76  4.963919  4.837379  5.090459
## 77  4.484416  4.350544  4.618289
## 78  4.826919  4.705631  4.948206
## 79  4.278915  4.123089  4.434741
## 80  5.443422  5.263964  5.622881
## 81  5.648924  5.437531  5.860316
## 82  4.847469  4.725765  4.969172
## 83  4.415916  4.275658  4.556174
## 84  4.141914  3.967647  4.316181
## 85  5.237921  5.086103  5.389740
## 86  4.552917  4.424306  4.681528
## 87  5.100920  4.963837  5.238003
## 88  4.073414  3.889113  4.257714
## 89  3.936413  3.730815  4.142011
## 90  5.717424  5.494745  5.940103
## 91  4.963919  4.837379  5.090459
## 92  4.278915  4.123089  4.434741
## 93  4.552917  4.424306  4.681528
## 94  4.073414  3.889113  4.257714
## 95  3.730912  3.491126  3.970697
## 96  3.319909  3.006980  3.632839
## 97  5.717424  5.494745  5.940103
## 98  4.210415  4.045670  4.375159
## 99  4.484416  4.350544  4.618289
## 100      NA      NA      NA
```

Banda de predicción

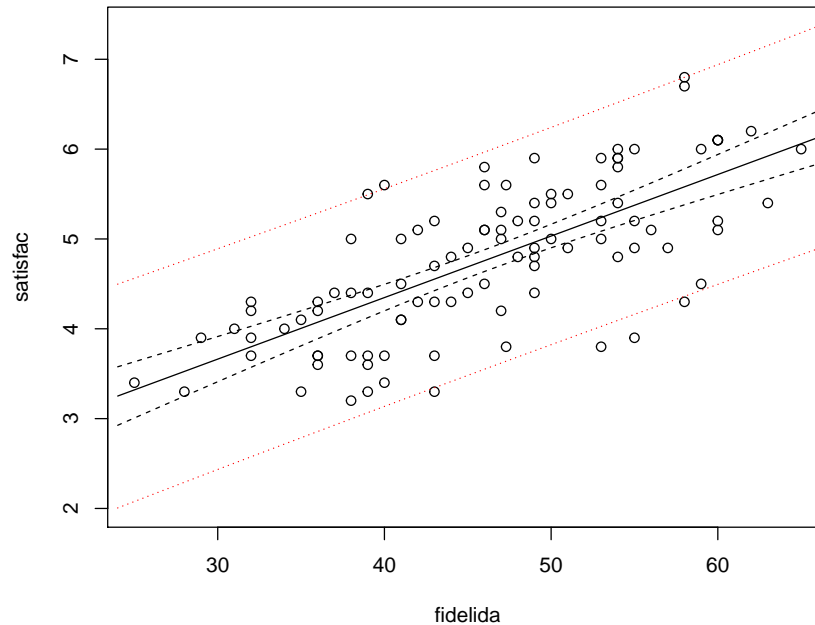
```
head(predict(modelo, interval='prediction'))
```

```
##      fit      lwr      upr
```

```
## 1 3.799412 2.575563 5.023261
## 2 4.552917 3.343663 5.762171
## 3 4.895419 3.686729 6.104109
## 4 3.799412 2.575563 5.023261
## 5 5.580423 4.361444 6.799403
## 6 4.689918 3.481348 5.898487
```

Representación gráfica de las bandas

```
bandas.frame <- data.frame(fidelida=24:66)
bc <- predict(modelo, interval = 'confidence', newdata = bandas.frame)
bp <- predict(modelo, interval = 'prediction', newdata = bandas.frame)
plot(fidelida, satisfac, ylim = range(satisfac, bp, na.rm = TRUE))
# plot(hatco$fidelida, hatco$satisfac, ylim = range(hatco$satisfac, bp, na.rm = TRUE))
matlines(bandas.frame$fidelida, bc, lty=c(1,2,2), col='black')
matlines(bandas.frame$fidelida, bp, lty=c(0,3,3), col='red')
```



6.3.2 Correlación

Coefficiente de correlación de Pearson

```
cor(fidelida, satisfac, use='complete.obs')
```

```
## [1] 0.712581
```

```
cor(hatco[,6:14], use='complete.obs')
```

```
##          velocida      precio  flexprec  imgfabri  servconj
## velocida 1.00000000 -0.35439461 0.51879732 0.04885481 0.60908594
## precio  -0.35439461 1.00000000 -0.48550163 0.27150666 0.51134698
## flexprec 0.51879732 -0.48550163 1.00000000 -0.11472112 0.07496499
```

```
## imgfabri 0.04885481 0.27150666 -0.11472112 1.00000000 0.29800272
## servconj 0.60908594 0.51134698 0.07496499 0.29800272 1.00000000
## imgfvent 0.08084452 0.18873090 -0.03801323 0.79015164 0.24641510
## calidadp -0.48984768 0.46822563 -0.44542562 0.19904126 -0.06152068
## fidelida 0.67428681 0.07682487 0.57807750 0.22442574 0.69802972
## satisfac 0.64981476 0.02636286 0.53057615 0.47553688 0.63054720
##          imgfvent calidadp fidelida satisfac
## velocida 0.08084452 -0.48984768 0.67428681 0.64981476
## precio 0.18873090 0.46822563 0.07682487 0.02636286
## flexprec -0.03801323 -0.44542562 0.57807750 0.53057615
## imgfabri 0.79015164 0.19904126 0.22442574 0.47553688
## servconj 0.24641510 -0.06152068 0.69802972 0.63054720
## imgfvent 1.00000000 0.18052945 0.26674626 0.34349253
## calidadp 0.18052945 1.00000000 -0.20401261 -0.28687427
## fidelida 0.26674626 -0.20401261 1.00000000 0.71258104
## satisfac 0.34349253 -0.28687427 0.71258104 1.00000000
```

```
cor.test(fidelida, satisfac)
```

```
##
## Pearson's product-moment correlation
##
## data: fidelida and satisfac
## t = 10.003, df = 97, p-value < 2.2e-16
## alternative hypothesis: true correlation is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## 0.5995024 0.7977691
## sample estimates:
## cor
## 0.712581
```

El coeficiente de correlación de Spearman es una variante no paramétrica

```
cor.test(fidelida, satisfac, method='spearman')
```

```
##
## Spearman's rank correlation rho
##
## data: fidelida and satisfac
## S = 46601, p-value < 2.2e-16
## alternative hypothesis: true rho is not equal to 0
## sample estimates:
## rho
## 0.7118039
```

6.4 Análisis de la varianza

6.4.1 ANOVA con un factor

Vamos a estudiar si hay diferencias en las medias de la variable *satisfac* (satisfacción global) entre los diferentes grupos definidos por *nfidelid* (nivel de compra), utilizando el procedimiento clásico de análisis de la varianza. Este procedimiento exige normalidad y homocedasticidad.

```
table(nfidelid)
```

```
## nfidelid
## bajo medio alto
## 3 64 33
tapply(satisfac, nfidelid, mean, na.rm = TRUE)
```

```
## bajo medio alto
## 3.533333 4.498437 5.443750
```

La variable explicativa tiene que ser obligatoriamente de tipo *factor*. Por coherencia con la función (general) *lm*, la variación entre grupos está etiquetada *nfidelid*, y la variación dentro de los grupos como *Residuals*

```
anova(lm(satisfac ~ nfidelid))
```

```
## Analysis of Variance Table
##
## Response: satisfac
##          Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
## nfidelid   2 23.832  11.9158   23.588 4.647e-09 ***
## Residuals 96 48.495   0.5052
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

Como alternativa, se puede utilizar la función *aov*

```
aov(satisfac ~ nfidelid)
```

```
## Call:
## aov(formula = satisfac ~ nfidelid)
##
## Terms:
##          nfidelid Residuals
## Sum of Squares 23.83161 48.49526
## Deg. of Freedom      2      96
##
## Residual standard error: 0.7107454
## Estimated effects may be unbalanced
## 1 observation deleted due to missingness
```

```
summary(aov(satisfac ~ nfidelid))
```

```
##          Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
## nfidelid   2 23.83  11.916   23.59 4.65e-09 ***
## Residuals 96 48.50   0.505
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## 1 observation deleted due to missingness
```

Comparaciones entre pares de variables

```
pairwise.t.test(satisfac, nfidelid)
```

```
##
## Pairwise comparisons using t tests with pooled SD
##
## data:  satisfac and nfidelid
##
##      bajo      medio
## medio 0.024  -
```

```
## alto 4.6e-05 5.5e-08
##
## P value adjustment method: holm
```

Relajamos la hipótesis de varianzas iguales

```
oneway.test(satisfac ~ nfidelid)
```

```
##
## One-way analysis of means (not assuming equal variances)
##
## data: satisfac and nfidelid
## F = 35.013, num df = 2.0000, denom df = 6.7661, p-value =
## 0.0002697
```

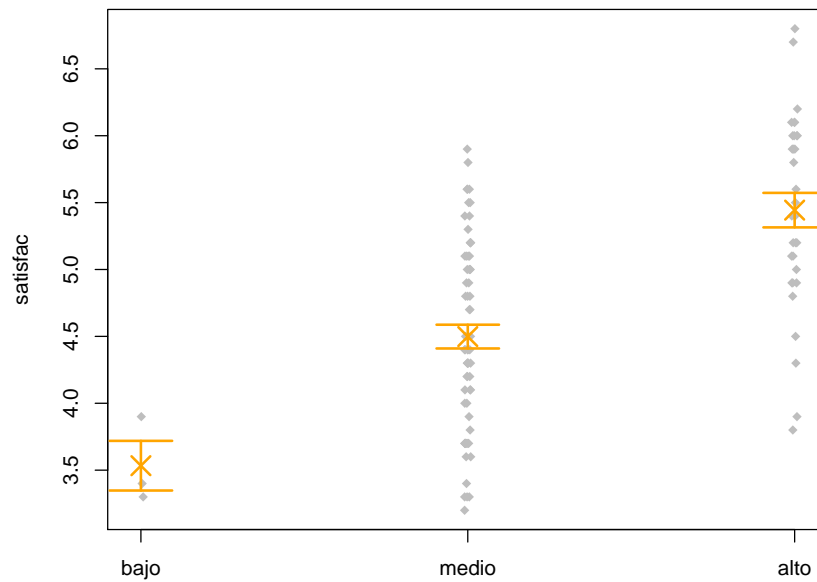
Podemos utilizar el test de Bartlett para contrastar la igualdad de varianzas

```
bartlett.test(satisfac ~ nfidelid)
```

```
##
## Bartlett test of homogeneity of variances
##
## data: satisfac by nfidelid
## Bartlett's K-squared = 1.4922, df = 2, p-value = 0.4742
```

Representación gráfica

```
medias <- tapply(satisfac, nfidelid, mean, na.rm = TRUE)
desviaciones <- tapply(satisfac, nfidelid, sd, na.rm = TRUE)
n <- tapply(satisfac[!is.na(satisfac)], nfidelid[!is.na(satisfac)], length)
errores <- desviaciones/sqrt(n)
stripchart(satisfac ~ nfidelid, method='jitter', jit=0.01, pch=18, col='grey', vertical = TRUE)
arrows(1:3, medias+errores, 1:3, medias-errores, angle=90, code=3, lwd=2, col='orange')
points(1:3, medias, pch=4, lwd=2, cex=2, col='orange')
```



6.4.2 Test de Kruskal-Wallis

Alternativa no paramétrica al análisis de la varianza con un factor

```
kruskal.test(satisfac ~ nfidelid)
```

```
##
##  Kruskal-Wallis rank sum test
##
## data:  satisfac by nfidelid
## Kruskal-Wallis chi-squared = 31.073, df = 2, p-value = 1.789e-07
```

Capítulo 7

Modelado de datos

La realidad puede ser muy compleja por lo que es habitual emplear un modelo para tratar de explicarla.

- Modelos estocásticos (con componente aleatoria).
 - Tienen en cuenta la incertidumbre debida a no disponer de la suficiente información sobre las variables que influyen en el fenómeno en estudio.
 - La inferencia estadística proporciona herramientas para ajustar y contrastar la validez del modelo a partir de los datos observados.

Sin embargo resultaría muy extraño que la realidad coincidiera exactamente con un modelo concreto.

- George Box afirmó en su famoso aforismo:
En esencia, todos los modelos son falsos, pero algunos son útiles.
- El objetivo de un modelo es disponer de una aproximación simple de la realidad que sea útil.

7.1 Modelos de regresión

Nos centraremos en los modelos de regresión:

$$Y = f(X_1, \dots, X_p) + \varepsilon$$

donde:

- $Y \equiv$ **variable respuesta** (o dependiente).
- $(X_1, \dots, X_p) \equiv$ **variables explicativas** (independientes, o covariables).
- $\varepsilon \equiv$ **error aleatorio**.

7.1.1 Herramientas disponibles en R

R dispone de múltiples herramientas para trabajar con modelos de este tipo. Algunas de las funciones y paquetes disponibles se muestran a continuación:

- Modelos paramétricos:
 - Modelos lineales:
 - * Regresión lineal: `lm()` (`aov()`, `lme()`, `biglm`, ...).

- * Regresión lineal robusta: `MASS::rlm()`.
- * Métodos de regularización (Ridge regression, Lasso): `glmnet`, ...
- Modelos lineales generalizados: `glm()` (`bigglm`, ...).
- Modelos paramétricos no lineales: `nls()` (`nlme`, ...).
- Modelos no paramétricos:
 - Regresión local (métodos de suavizado): `loess()`, `KernSmooth`, `sm`, ...
 - Modelos aditivos generalizados (GAM): `gam`, `mgcv`, ...
 - Árboles de decisión (Random Forest, Boosting): `rpart`, `randomForest`, `xgboost`, ...
 - Redes neuronales, ...

Desde el punto de vista de la programación, con todos estos modelos se trabaja de una forma muy similar en R.

7.2 Fórmulas

En R para especificar un modelo estadístico (realmente una familia) se suelen emplear fórmulas (también para generar gráficos). Son de la forma:

```
respuesta ~ modelo
```

`modelo` especifica los “términos” mediante operadores (tienen un significado especial en este contexto):

Operador	Descripción
<code>a+b</code>	incluye <code>a</code> y <code>b</code> (efectos principales)
<code>-b</code>	excluye <code>b</code> del modelo
<code>a:b</code>	interacción de <code>a</code> y <code>b</code> <code>b %in% a</code> efectos de <code>b</code> anidados en <code>a</code> (<code>a:b</code>) <code>a/b = a + b %in% a = a + a:b</code>
<code>a*b = a+b+a:b</code>	efectos principales más interacciones
<code>^n</code>	interacciones hasta nivel <code>n</code> (<code>(a+b)^2 = a+b+a:b</code>)
<code>poly(a, n)</code>	polinomios de <code>a</code> hasta grado <code>n</code>
<code>1</code>	término constante
<code>.</code>	todas las variables disponibles o modelo actual en actualizaciones

Para realizar operaciones aritméticas (que incluyan `+`, `-`, `*`, `^`, `1`, ...) es necesario “aislar” la operación dentro una función (e.g. `log(abs(x) + 1)`). Por ejemplo, para realizar un ajuste cuadrático se debería utilizar `y ~ x + I(x^2)`, ya que `y ~ x + x^2 = y ~ x` (la interacción `x:x = x`).

- `I()` función identidad.

7.3 Ejemplo: regresión lineal simple

Introducido en descriptiva y con referencias al tema siguiente

Capítulo 8

Modelos lineales

Suponen que la función de regresión es lineal:

$$Y = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \cdots + \beta_p X_p + \varepsilon$$

El efecto de las variables explicativas sobre la respuesta es simple (proporcional a su valor).

8.1 Ejemplo

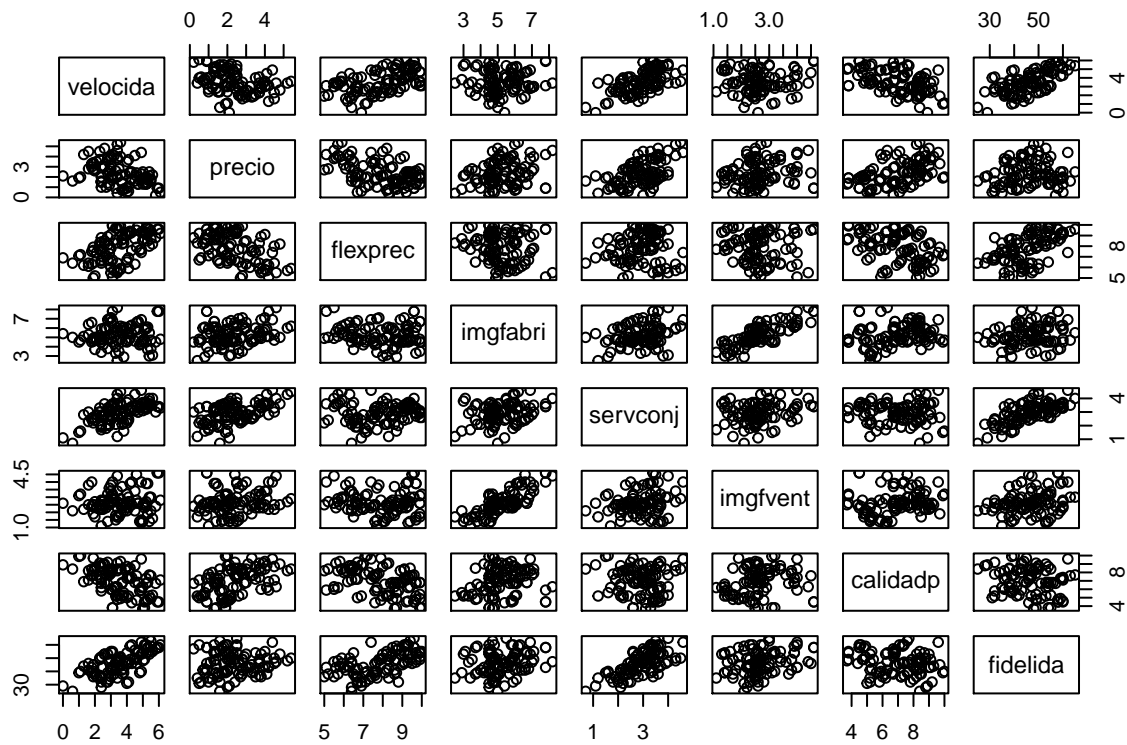
El fichero *hatco.RData* contiene observaciones de clientes de la compañía de distribución industrial (Compañía Hair, Anderson y Tatham). Las variables se pueden clasificar en tres grupos:

```
load('datos/hatco.RData')
as.data.frame(attr(hatco, "variable.labels"))
```

```
##          attr(hatco, "variable.labels")
## empresa                Empresa
## tamano                 Tamaño de la empresa
## adquisic              Estructura de adquisición
## tindustr              Tipo de industria
## tsitcomp              Tipo de situación de compra
## velocida              Velocidad de entrega
## precio                Nivel de precios
## flexprec              Flexibilidad de precios
## imgfabri              Imagen del fabricante
## servconj              Servicio conjunto
## imgfvent              Imagen de fuerza de ventas
## calidadp              Calidad de producto
## fidelida              Porcentaje de compra a HATCO
## satisfac              Satisfacción global
## nfidelid              Nivel de compra a HATCO
## nsatisfac              Nivel de satisfacción
```

Consideraremos como respuesta la variable *fidelida* y como variables explicativas el resto de variables continuas menos *satisfac*.

```
datos <- hatco[, 6:13] # Nota: realmente no copia el objeto...
plot(datos)
```



```
# cor(datos, use = "complete") # Por defecto 8 decimales...
print(cor(datos, use = "complete"), digits = 2)
```

```
##          velocida precio flexprec imgfabri servconj imgfvent calidadp
## velocida   1.000 -0.354   0.519   0.049   0.609   0.081  -0.490
## precio    -0.354  1.000  -0.486   0.272   0.511   0.189   0.468
## flexprec   0.519 -0.486   1.000  -0.115   0.075  -0.038  -0.445
## imgfabri   0.049  0.272  -0.115   1.000   0.298   0.790   0.199
## servconj   0.609  0.511   0.075   0.298   1.000   0.246  -0.062
## imgfvent   0.081  0.189  -0.038   0.790   0.246   1.000   0.181
## calidadp  -0.490  0.468  -0.445   0.199  -0.062   0.181   1.000
## fidelida   0.674  0.077   0.578   0.224   0.698   0.267  -0.204
##          fidelida
## velocida   0.674
## precio     0.077
## flexprec   0.578
## imgfabri   0.224
## servconj   0.698
## imgfvent   0.267
## calidadp  -0.204
## fidelida   1.000
```

8.2 Ajuste: función lm

Para el ajuste (estimación de los parámetros) de un modelo lineal a un conjunto de datos (por mínimos cuadrados) se emplea la función `lm`:

```
ajuste <- lm(formula, datos, seleccion, pesos, na.action)
```

- `formula` fórmula que especifica el modelo.
- `datos` data.frame opcional con las variables de la formula.
- `seleccion` especificación opcional de un subconjunto de observaciones.
- `pesos` vector opcional de pesos (WLS).
- `na.action` opción para manejar los datos faltantes (`na.omit`).

```
modelo <- lm(fidelida ~ servconj, datos)
modelo
```

```
##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ servconj, data = datos)
##
## Coefficients:
## (Intercept)      servconj
##          21.98          8.30
```

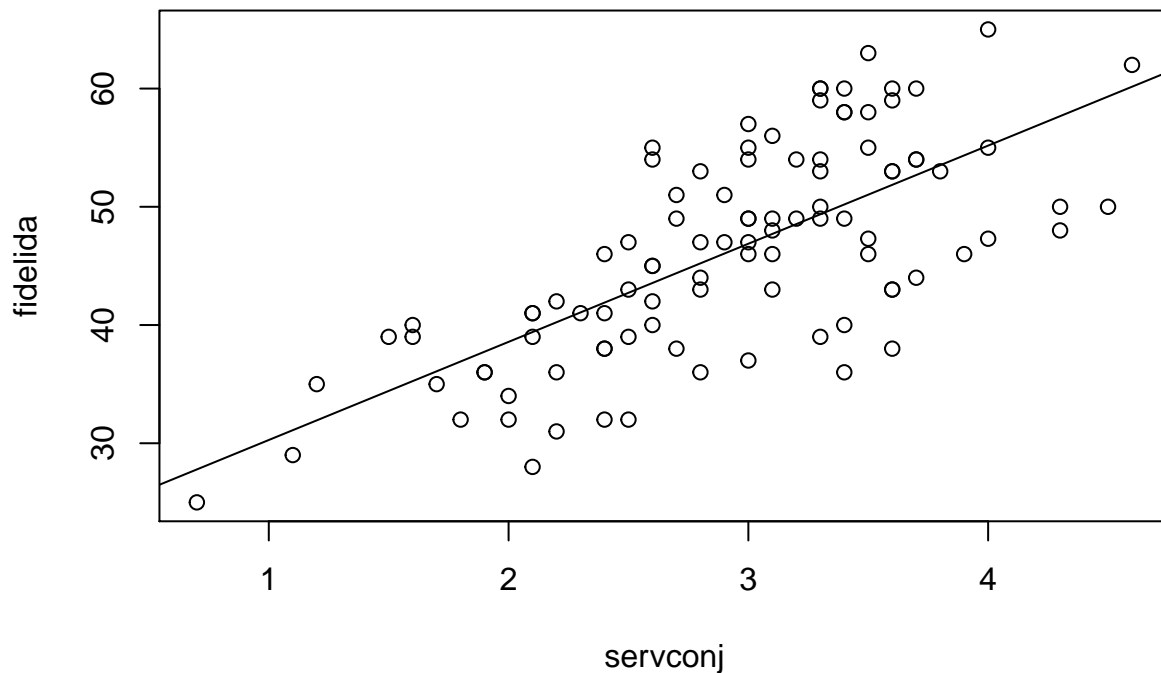
Al imprimir el ajuste resultante se muestra un pequeño resumen del ajuste (aunque el objeto que contiene los resultados es una lista).

Para obtener un resumen más completo se puede utilizar la función `summary()`.

```
summary(modelo)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ servconj, data = datos)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -14.1956  -4.0655   0.2944   4.5945  11.9744
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  21.9754     2.6086   8.424 3.34e-13 ***
## servconj      8.3000     0.8645   9.601 9.76e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 6.432 on 97 degrees of freedom
## (1 observation deleted due to missingness)
## Multiple R-squared:  0.4872, Adjusted R-squared:  0.482
## F-statistic: 92.17 on 1 and 97 DF,  p-value: 9.765e-16
```

```
plot(fidelida ~ servconj, datos)
abline(modelo)
```



8.2.1 Extracción de información

Para la extracción de información se pueden acceder a los componentes del modelo ajustado o emplear funciones (genéricas). Algunas de las más utilizadas son las siguientes:

Función	Descripción
<code>fitted</code>	valores ajustados
<code>coef</code>	coeficientes estimados (y errores estándar)
<code>confint</code>	intervalos de confianza para los coeficientes
<code>residuals</code>	residuos
<code>plot</code>	gráficos de diagnóstico
<code>termplot</code>	gráfico de efectos parciales
<code>anova</code>	calcula tablas de análisis de varianza (también permite comparar modelos)
<code>predict</code>	calcula predicciones para nuevos datos

Ejemplo:

```
modelo2 <- lm(fidelida ~ servconj + flexprec, data = hatco)
summary(modelo2)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ servconj + flexprec, data = hatco)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -10.2549  -2.2850   0.3411   3.3260   7.0853
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  -3.4617     2.9734  -1.164   0.247
## servconj       7.8287     0.5897  13.276 <2e-16 ***
## flexprec      3.4017     0.3191  10.661 <2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 4.375 on 96 degrees of freedom
## (1 observation deleted due to missingness)
## Multiple R-squared:  0.7652, Adjusted R-squared:  0.7603
## F-statistic: 156.4 on 2 and 96 DF,  p-value: < 2.2e-16

confint(modelo2)

##              2.5 %   97.5 %
## (Intercept) -9.363813 2.440344
## servconj     6.658219 8.999274
## flexprec     2.768333 4.035030

anova(modelo2)

## Analysis of Variance Table
##
## Response: fidelida
##           Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
## servconj   1 3813.6   3813.6  199.23 < 2.2e-16 ***
## flexprec   1 2175.6   2175.6  113.66 < 2.2e-16 ***
## Residuals 96 1837.6     19.1
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

# anova(modelo2, modelo)
# termplot(modelo2, partial.resid = TRUE)
```

Muchas de estas funciones genéricas son válidas para otros tipos de modelos (glm, ...).

Algunas funciones como `summary()` devuelven información adicional:

```
res <- summary(modelo2)
names(res)

## [1] "call"          "terms"          "residuals"      "coefficients"
## [5] "aliases"       "sigma"          "df"             "r.squared"
## [9] "adj.r.squared" "fstatistic"     "cov.unscaled"   "na.action"

res$sigma

## [1] 4.375074
```

```
res$adj.r.squared
```

```
## [1] 0.7603292
```

8.3 Predicción

Para calcular predicciones (estimaciones de la media condicionada) se puede emplear la función `predict()` (ejecutar `help(predict.lm)` para ver todas las opciones disponibles). Por defecto obtiene las predicciones correspondientes a las observaciones (`modelo$fitted.values`). Para otros casos hay que emplear el argumento `newdata`:

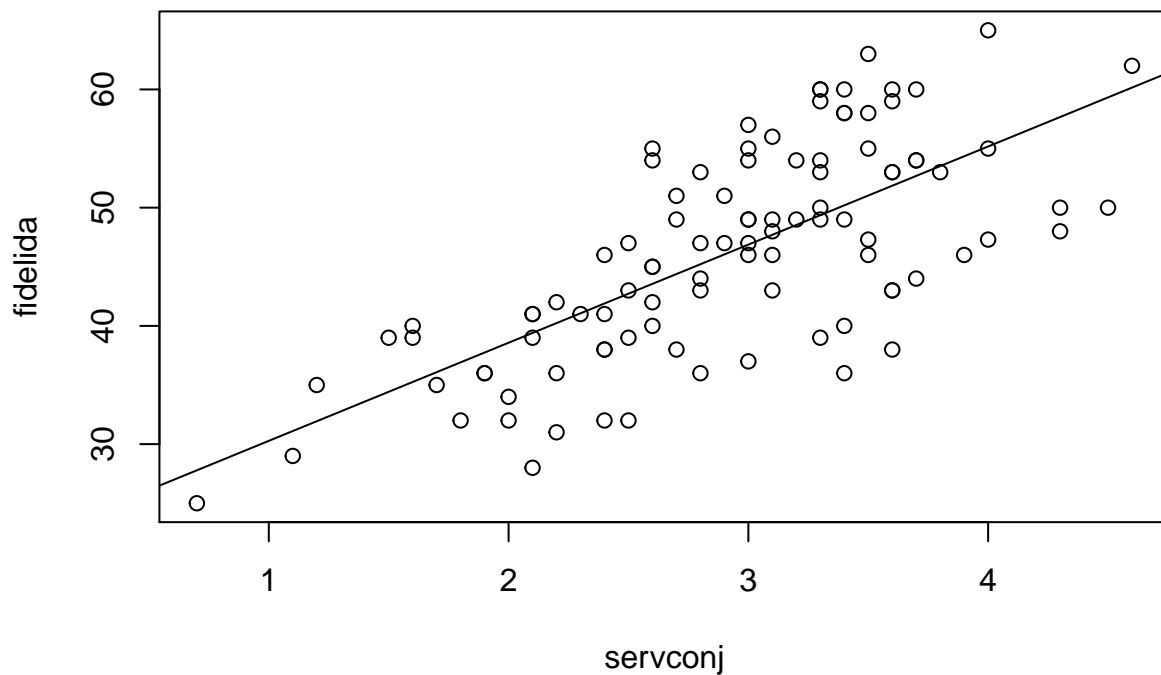
- `data.frame` con los valores de (todas) las covariables, sus nombres deben coincidir con los originales.

Ejemplo:

```
valores <- 0:5
pred <- predict(modelo, newdata = data.frame(servconj = valores))
pred
```

```
##      1      2      3      4      5      6
## 21.97544 30.27548 38.57552 46.87556 55.17560 63.47564
```

```
plot(fidelida ~ servconj, datos)
lines(valores, pred)
```

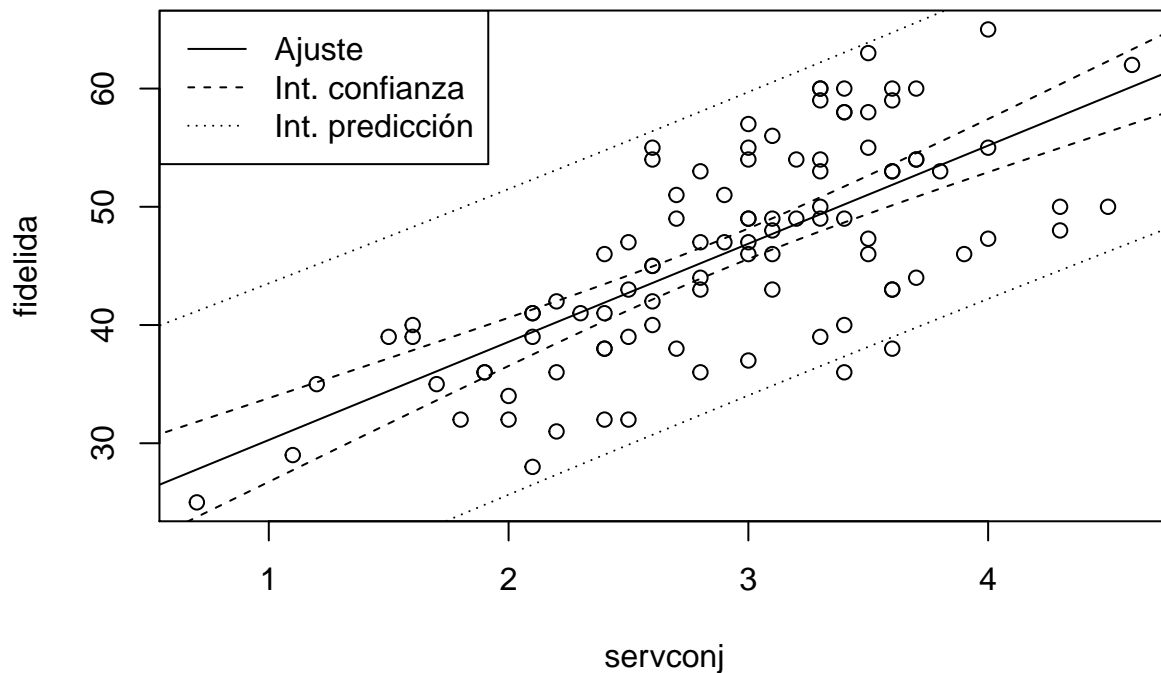


Esta función también permite obtener intervalos de confianza y de predicción:

```
valores <- seq(0, 5, len = 100)
newdata <- data.frame(servconj = valores)
pred <- predict(modelo, newdata = newdata, interval = c("confidence"))
head(pred)

##          fit          lwr          upr
## 1 21.97544 16.79816 27.15272
## 2 22.39463 17.30126 27.48800
## 3 22.81383 17.80427 27.82338
## 4 23.23302 18.30718 28.15886
## 5 23.65221 18.80999 28.49444
## 6 24.07141 19.31269 28.83013

plot(fidelida ~ servconj, datos)
matlines(valores, pred, lty = c(1, 2, 2), col = 1)
pred2 <- predict(modelo, newdata = newdata, interval = c("prediction"))
matlines(valores, pred2[, -1], lty = 3, col = 1)
legend("topleft", c("Ajuste", "Int. confianza", "Int. predicción"), lty = c(1, 2, 3))
```



8.4 Selección de variables explicativas

Cuando se dispone de un conjunto grande de posibles variables explicativas suele ser especialmente importante determinar cuáles de estas deberían ser incluidas en el modelo de regresión. Si alguna de las variables no contiene información relevante sobre la respuesta no se debería incluir (se simplificaría la interpretación

del modelo, aumentaría la precisión de la estimación y se evitarían problemas como la multicolinealidad). Se trataría entonces de conseguir un buen ajuste con el menor número de variables explicativas posible.

Para actualizar un modelo (p.e. eliminando o añadiendo variables) se puede emplear la función `update`:

```
modelo.completo <- lm(fidelida ~ . , data = datos)
summary(modelo.completo)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ . , data = datos)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -13.3351  -2.0733   0.5224   2.9218   6.7106
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  -9.5935     4.8213  -1.990   0.0496 *
## velocida     -0.6023     1.9590  -0.307   0.7592
## precio       -1.0771     2.0283  -0.531   0.5967
## flexprec      3.4616     0.3997   8.660 1.62e-13 ***
## imgfabri     -0.1735     0.6472  -0.268   0.7892
## servconj      9.0919     3.8023   2.391   0.0189 *
## imgfvent      1.5596     0.9221   1.691   0.0942 .
## calidadp      0.4874     0.3451   1.412   0.1613
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 4.281 on 91 degrees of freedom
## (1 observation deleted due to missingness)
## Multiple R-squared:  0.7869, Adjusted R-squared:  0.7705
## F-statistic:    48 on 7 and 91 DF,  p-value: < 2.2e-16
```

```
modelo.reducido <- update(modelo.completo, . ~ . - imgfabri)
summary(modelo.reducido)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ velocida + precio + flexprec + servconj +
##      imgfvent + calidadp, data = datos)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -13.2195  -2.0022   0.4724   2.9514   6.8328
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  -9.9900     4.5656  -2.188   0.0312 *
## velocida     -0.5207     1.9254  -0.270   0.7874
## precio       -1.0017     1.9986  -0.501   0.6174
## flexprec      3.4709     0.3962   8.761 9.23e-14 ***
## servconj      8.9111     3.7230   2.394   0.0187 *
## imgfvent      1.3699     0.5883   2.329   0.0221 *
## calidadp      0.4844     0.3432   1.411   0.1615
## ---
```



```
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 4.26 on 92 degrees of freedom
## (1 observation deleted due to missingness)
## Multiple R-squared:  0.7867, Adjusted R-squared:  0.7728
## F-statistic: 56.56 on 6 and 92 DF,  p-value: < 2.2e-16
```

Para obtener el modelo “óptimo” lo ideal sería evaluar todos los modelos posibles.

8.4.1 Búsqueda exhaustiva

La función `regsubsets` del paquete `leaps` permite seleccionar los mejores modelos fijando el número de variables explicativas. Por defecto, evalúa todos los modelos posibles con un determinado número de parámetros (variando desde 1 hasta un máximo de `nvmax=8`) y selecciona el mejor (`nbest=1`).

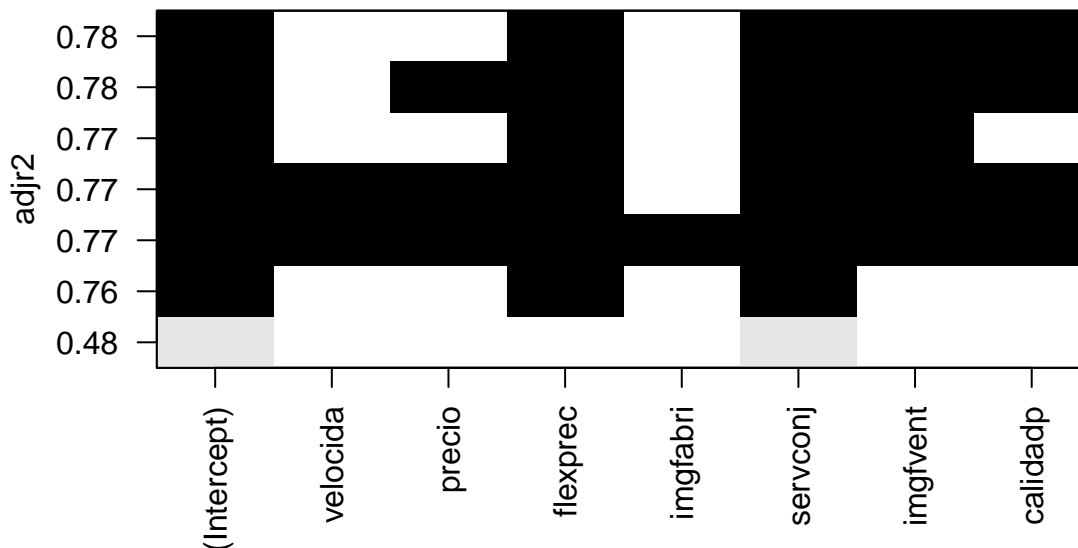
```
library(leaps)
res <- regsubsets(fidelida ~ ., data = datos)
summary(res)
```

```
## Subset selection object
## Call: regsubsets.formula(fidelida ~ ., data = datos)
## 7 Variables (and intercept)
##           Forced in Forced out
## velocida  FALSE      FALSE
## precio    FALSE      FALSE
## flexprec  FALSE      FALSE
## imgfabri  FALSE      FALSE
## servconj  FALSE      FALSE
## imgfvent  FALSE      FALSE
## calidadp  FALSE      FALSE
## 1 subsets of each size up to 7
## Selection Algorithm: exhaustive
##           velocida precio flexprec imgfabri servconj imgfvent calidadp
## 1  ( 1 ) " "      " "      " "      " "      "*"      " "      " "
## 2  ( 1 ) " "      " "      "*"      " "      "*"      " "      " "
## 3  ( 1 ) " "      " "      "*"      " "      "*"      "*"      " "
## 4  ( 1 ) " "      " "      "*"      " "      "*"      "*"      "*"
## 5  ( 1 ) " "      "*"      "*"      " "      "*"      "*"      "*"
## 6  ( 1 ) "*"      "*"      "*"      " "      "*"      "*"      "*"
## 7  ( 1 ) "*"      "*"      "*"      "*"      "*"      "*"      "*"

# names(summary(res))
```

Al representar el resultado se obtiene un gráfico con los mejores modelos ordenados según el criterio determinado por el argumento `scale = c("bic", "Cp", "adjr2", "r2")`. Por ejemplo, en este caso, empleando el coeficiente de determinación ajustado, obtendríamos:

```
plot(res, scale = "adjr2")
```



En este caso (considerando que una mejora del 2% no es significativa), el modelo resultante sería:

```
lm(fidelida ~ servconj + flexprec, data = hatco)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ servconj + flexprec, data = hatco)
##
## Coefficients:
## (Intercept)      servconj      flexprec
##      -3.462         7.829         3.402
```

Notas:

- Si se emplea alguno de los criterios habituales, el mejor modelo con un determinado número de variables no depende del criterio empleado. Pero estos criterios pueden diferir al comparar modelos con distinto número de variables explicativas.
- Si el número de variables explicativas es grande, en lugar de emplear una búsqueda exhaustiva se puede emplear un criterio por pasos, mediante el argumento `method = c("backward", "forward", "stepAIC")`, pero puede ser recomendable emplear el paquete **MASS** para obtener directamente el modelo final.

8.4.2 Selección por pasos

Si el número de variables es grande (no sería práctico evaluar todas las posibilidades) se suele utilizar alguno (o varios) de los siguientes métodos:

- **Selección progresiva** (forward): Se parte de una situación en la que no hay ninguna variable y en cada paso se incluye una aplicando un **criterio de entrada** (hasta que ninguna de las restantes lo verifican).
- **Eliminación progresiva** (backward): Se parte del modelo con todas las variables y en cada paso se elimina una aplicando un **criterio de salida** (hasta que ninguna de las incluidas lo verifican).
- **Regresión paso a paso** (stepwise): El más utilizado, se combina un criterio de entrada y uno de salida. Normalmente se parte sin ninguna variable y **en cada paso puede haber una inclusión y una exclusión** (forward/backward).

La función `stepAIC` del paquete `MASS` permite seleccionar el modelo por pasos, hacia delante o hacia atrás según criterio AIC o BIC (también esta disponible una función `step` del paquete base `stats` con menos opciones). La función `stepwise` del paquete `RcmdrMisc` es una interfaz de `stepAIC` que facilita su uso:

```
library(MASS)
library(RcmdrMisc)
modelo <- stepwise(modelo.completo, direction = "forward/backward", criterion = "BIC")

##
## Direction: forward/backward
## Criterion: BIC
##
## Start: AIC=437.24
## fidelida ~ 1
##
##           Df Sum of Sq   RSS   AIC
## + servconj  1   3813.6 4013.2 375.71
## + velocida  1   3558.5 4268.2 381.81
## + flexprec  1   2615.5 5211.3 401.57
## + imgfvent  1    556.9 7269.9 434.53
## + imgfabri  1    394.2 7432.5 436.72
## <none>                7826.8 437.24
## + calidadp  1    325.8 7501.0 437.63
## + precio    1     46.2 7780.6 441.25
##
## Step: AIC=375.71
## fidelida ~ servconj
##
##           Df Sum of Sq   RSS   AIC
## + flexprec  1   2175.6 1837.6 302.97
## + precio    1    831.5 3181.7 357.32
## + velocida  1    772.3 3240.9 359.15
## + calidadp  1    203.8 3809.4 375.15
## <none>                4013.2 375.71
## + imgfvent  1     74.8 3938.4 378.44
## + imgfabri  1      2.3 4010.9 380.25
## - servconj  1   3813.6 7826.8 437.24
##
## Step: AIC=302.97
## fidelida ~ servconj + flexprec
##
##           Df Sum of Sq   RSS   AIC
## + imgfvent  1    129.8 1707.7 300.31
## <none>                1837.6 302.97
## + imgfabri  1     69.3 1768.3 303.76
```

```
## + calidadp 1      50.7 1786.9 304.80
## + precio 1       0.2 1837.4 307.56
## + velocida 1      0.0 1837.5 307.57
## - flexprec 1     2175.6 4013.2 375.71
## - servconj 1     3373.7 5211.3 401.57
##
## Step: AIC=300.31
## fidelida ~ servconj + flexprec + imgfvent
##
##           Df Sum of Sq    RSS    AIC
## <none>                1707.7 300.31
## - imgfvent 1      129.82 1837.6 302.97
## + calidadp 1       24.70 1683.0 303.47
## + precio 1        0.96 1706.8 304.85
## + imgfabri 1        0.66 1707.1 304.87
## + velocida 1        0.41 1707.3 304.88
## - flexprec 1     2230.67 3938.4 378.44
## - servconj 1     2850.14 4557.9 392.91

summary(modelo)

##
## Call:
## lm(formula = fidelida ~ servconj + flexprec + imgfvent, data = datos)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -12.9301  -2.1395   0.0695   2.9632   7.4286
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  -6.7761     3.1343  -2.162  0.0331 *
## servconj       7.4320     0.5902  12.592 <2e-16 ***
## flexprec      3.4503     0.3097  11.140 <2e-16 ***
## imgfvent      1.5369     0.5719   2.687  0.0085 **
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 4.24 on 95 degrees of freedom
## (1 observation deleted due to missingness)
## Multiple R-squared:  0.7818, Adjusted R-squared:  0.7749
## F-statistic: 113.5 on 3 and 95 DF,  p-value: < 2.2e-16
```

Los métodos disponibles son "backward/forward", "forward/backward", "backward" y "forward".

Cuando el número de variables explicativas es muy grande (o si el tamaño de la muestra es pequeño en comparación) pueden aparecer problemas al emplear los métodos anteriores (incluso pueden no ser aplicables). Una alternativa son los métodos de regularización (Ridge regression, Lasso) disponibles en el paquete `glmnet`.

8.5 Regresión con variables categóricas

La función `lm()` admite también variables categóricas (factores), lo que equivaldría a modelos de análisis de la varianza o de la covarianza.

Como ejemplo, en el resto del tema emplearemos los datos de empleados:

```
load("datos/empleados.RData")
datos <- with(empleados, data.frame(lnsal = log(salario), lnsalini = log(salini), catlab, sexo))
```

Al incluir variables categóricas la función `lm()` genera las variables indicadoras (variables dummy) que sean necesarias. Por ejemplo, la función `model.matrix()` construye la denominada matriz de diseño X de un modelo lineal:

$$\mathbf{Y} = X\beta + \varepsilon$$

En el caso de una variable categórica, por defecto se toma la primera categoría como referencia y se generan variables indicadoras del resto de categorías:

```
X <- model.matrix(lnsal ~ catlab, datos)
head(X)
```

```
## (Intercept) catlabSeguridad catlabDirectivo
## 1          1          0          1
## 2          1          0          0
## 3          1          0          0
## 4          1          0          0
## 5          1          0          0
## 6          1          0          0
```

En el correspondiente ajuste (análisis de la varianza de un factor):

```
modelo <- lm(lnsal ~ catlab, datos)
summary(modelo)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = lnsal ~ catlab, data = datos)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -0.58352 -0.15983 -0.01012  0.13277  1.08725
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)   10.20254    0.01280  797.245 < 2e-16 ***
## catlabSeguridad  0.13492    0.04864   2.774  0.00576 **
## catlabDirectivo  0.82709    0.02952  28.017 < 2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 0.2438 on 471 degrees of freedom
## Multiple R-squared:  0.625, Adjusted R-squared:  0.6234
## F-statistic: 392.6 on 2 and 471 DF, p-value: < 2.2e-16
```

el nivel de referencia no tiene asociado un coeficiente (su efecto se corresponde con `(Intercept)`). Los coeficientes del resto de niveles miden el cambio que se produce en la media al cambiar desde la categoría de referencia (diferencias de efectos respecto al nivel de referencia).

Para contrastar el efecto de los factores, es preferible emplear la función `anova`:

```
modelo <- lm(lnsal ~ catlab + sexo, datos)
anova(modelo)
```

```
## Analysis of Variance Table
##
```

```
## Response: lnsal
##           Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
## catlab      2 46.674 23.3372  489.59 < 2.2e-16 ***
## sexo        1  5.596  5.5965  117.41 < 2.2e-16 ***
## Residuals 470 22.404  0.0477
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

Notas:

- Para centrarse en los efectos de los factores, se puede emplear la función `aov` (analysis of variance; ver también `model.tables()` y `TukeyHSD()`). Esta función llama internamente a `lm()` (utilizando la misma parametrización).
- Para utilizar distintas parametrizaciones de los efectos se puede emplear el argumento `contrasts = c("contr.treatment", "contr.poly")` (ver `help(contrasts)`).

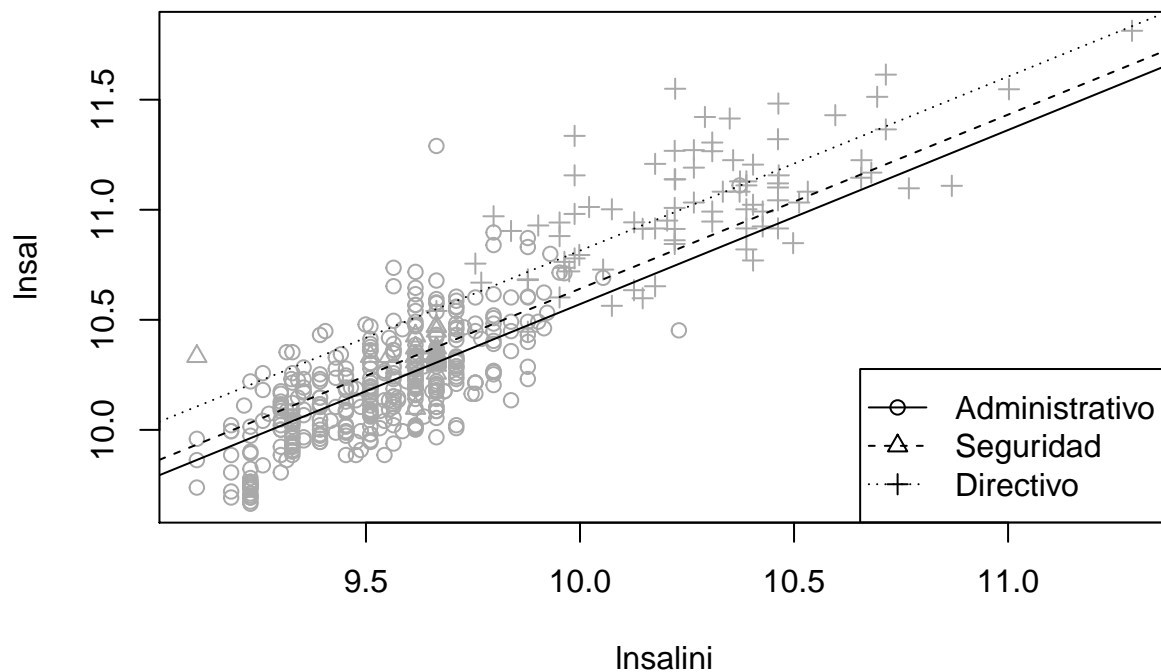
8.6 Interacciones

Al emplear el operador `+` se considera que los efectos de las covariables son aditivos (independientes):

```
modelo <- lm(lnsal ~ lnsalini + catlab, datos)
anova(modelo)
```

```
## Analysis of Variance Table
##
## Response: lnsal
##           Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
## lnsalini    1 58.668  58.668 1901.993 < 2.2e-16 ***
## catlab      2  1.509   0.755   24.465 7.808e-11 ***
## Residuals 470 14.497   0.031
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

plot(lnsal ~ lnsalini, data = datos, pch = as.numeric(catlab), col = 'darkgray')
parest <- coef(modelo)
abline(a = parest[1], b = parest[2], lty = 1)
abline(a = parest[1] + parest[3], b = parest[2], lty = 2)
abline(a = parest[1] + parest[4], b = parest[2], lty = 3)
legend("bottomright", levels(datos$catlab), pch = 1:3, lty = 1:3)
```



Para especificar que el efecto de una covariable depende de otra (interacción), se pueden emplear los operadores `*` ó `:`.

```
modelo2 <- lm(lnsal ~ lnSalini*catlab, datos)
summary(modelo2)
```

```
##
## Call:
## lm(formula = lnSal ~ lnSalini * catlab, data = datos)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -0.37440 -0.11335 -0.00524  0.10459  0.97018
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)      1.66865    0.43820   3.808 0.000159 ***
## lnSalini          0.89512    0.04595  19.479 < 2e-16 ***
## catlabSeguridad    8.31808    3.01827   2.756 0.006081 **
## catlabDirectivo    3.01268    0.79509   3.789 0.000171 ***
## lnSalini:catlabSeguridad -0.85864    0.31392  -2.735 0.006470 **
## lnSalini:catlabDirectivo -0.27713    0.07924  -3.497 0.000515 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 0.1727 on 468 degrees of freedom
## Multiple R-squared:  0.8131, Adjusted R-squared:  0.8111
```

```
## F-statistic: 407.3 on 5 and 468 DF, p-value: < 2.2e-16
```

```
anova(modelo2)
```

```
## Analysis of Variance Table
```

```
##
```

```
## Response: lnsal
```

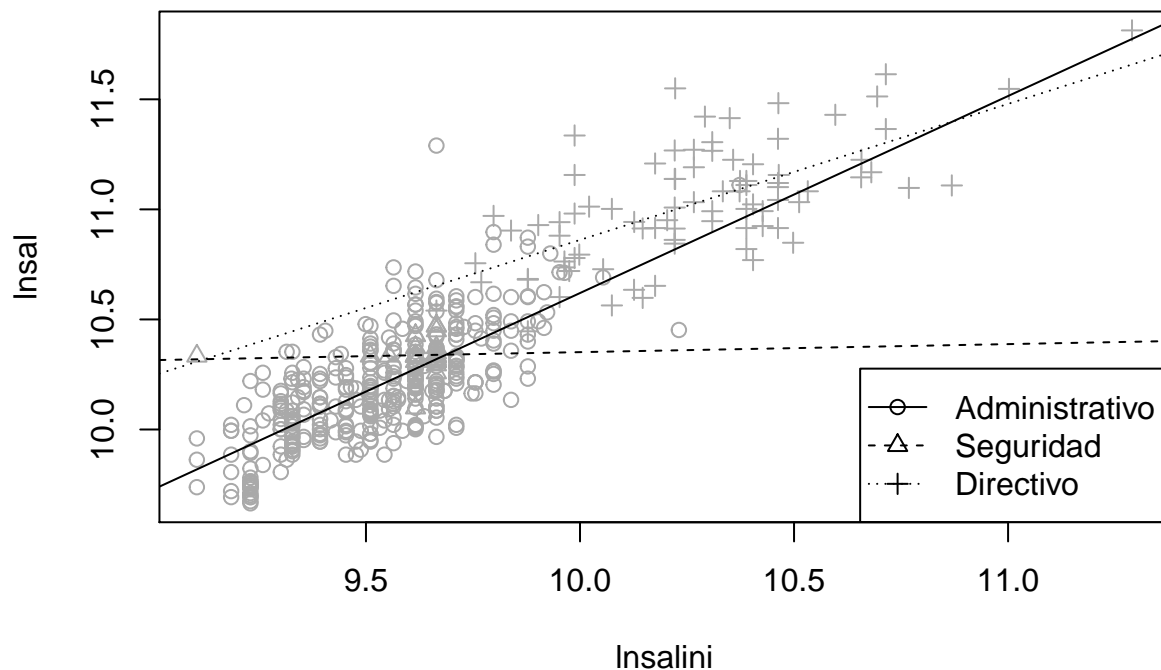
```
##          Df Sum Sq Mean Sq  F value    Pr(>F)
## lnsalini    1  58.668   58.668  1967.6294 < 2.2e-16 ***
## catlab      2   1.509    0.755   25.3090 3.658e-11 ***
## lnsalini:catlab 2   0.543    0.272    9.1097 0.0001315 ***
## Residuals 468  13.954    0.030
```

```
## ---
```

```
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

En este caso las pendientes también varían dependiendo del nivel del factor:

```
plot(lnsal ~ lnsalini, data = datos, pch = as.numeric(catlab), col = 'darkgray')
parest <- coef(modelo2)
abline(a = parrest[1], b = parrest[2], lty = 1)
abline(a = parrest[1] + parrest[3], b = parrest[2] + parrest[5], lty = 2)
abline(a = parrest[1] + parrest[4], b = parrest[2] + parrest[6], lty = 3)
legend("bottomright", levels(datos$catlab), pch = 1:3, lty = 1:3)
```



Por ejemplo, empleando la fórmula `lnsal ~ lnsalini:catlab` se considerarían distintas pendientes pero el mismo término independiente.

8.7 Diagnósis del modelo

Las conclusiones obtenidas con este método se basan en las hipótesis básicas del modelo:

- Linealidad.
- Normalidad (y homogeneidad).
- Homocedasticidad.
- Independencia.
- Ninguna de las variables explicativas es combinación lineal de las demás.

Si alguna de estas hipótesis no es cierta, las conclusiones obtenidas pueden no ser fiables, o incluso totalmente erróneas. En el caso de regresión múltiple es de especial interés el fenómeno de la multicolinealidad (o colinealidad) relacionado con la última de estas hipótesis.

En esta sección consideraremos como ejemplo el modelo:

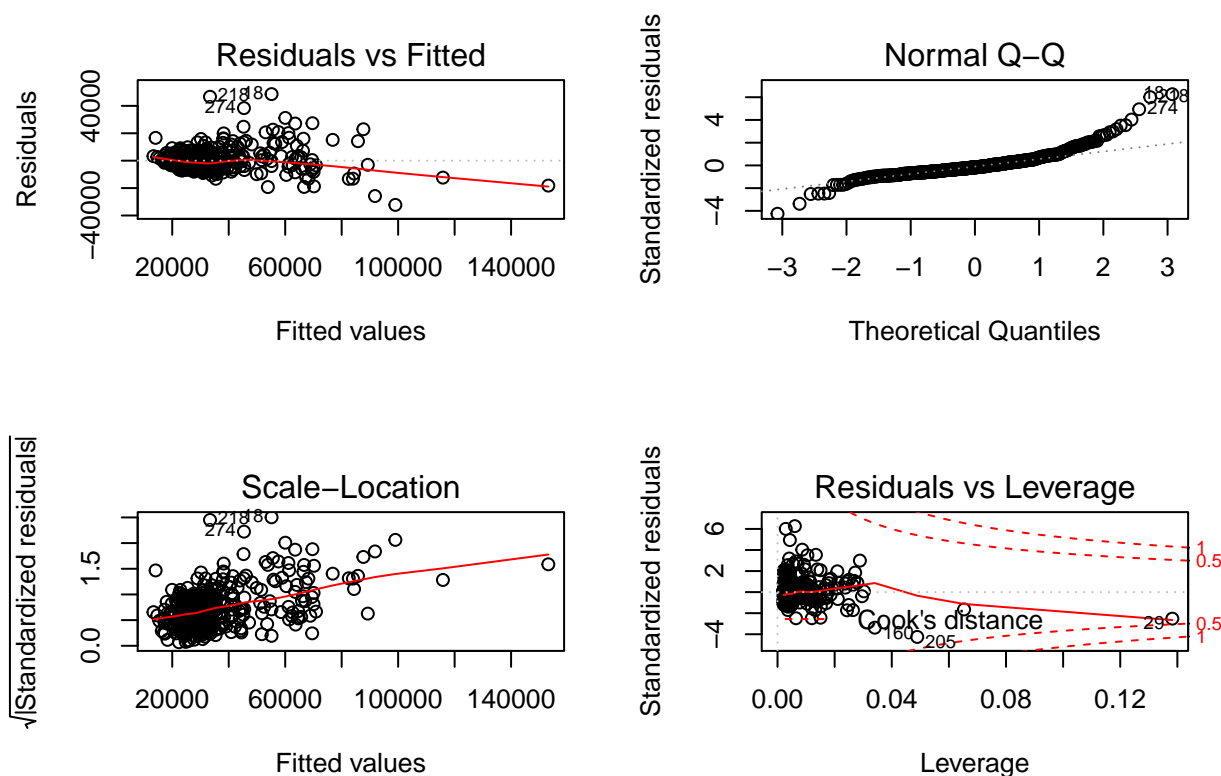
```
modelo <- lm(salario ~ salini + expprev, data = empleados)
summary(modelo)

##
## Call:
## lm(formula = salario ~ salini + expprev, data = empleados)
##
## Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -32263  -4219  -1332   2673  48571
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept) 3850.71760   900.63287    4.276 2.31e-05 ***
## salini       1.92291     0.04548   42.283 < 2e-16 ***
## expprev     -22.44482     3.42240   -6.558 1.44e-10 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 7777 on 471 degrees of freedom
## Multiple R-squared:  0.7935, Adjusted R-squared:  0.7926
## F-statistic: 904.8 on 2 and 471 DF, p-value: < 2.2e-16
```

8.7.1 Gráficas básicas de diagnóstico

Con la función `plot` se pueden generar gráficos de interés para la diagnosis del modelo:

```
oldpar <- par(mfrow=c(2,2))
plot(modelo)
```



```
par(oldpar)
```

Por defecto se muestran cuatro gráficos (ver `help(plot.lm)` para más detalles). El primero (residuos frente a predicciones) permite detectar falta de linealidad o heterocedasticidad (o el efecto de un factor omitido: mala especificación del modelo), lo ideal sería no observar ningún patrón.

El segundo gráfico (gráfico QQ), permite diagnosticar la normalidad, los puntos del deberían estar cerca de la diagonal.

El tercer gráfico de dispersión-nivel permite detectar heterocedasticidad y ayudar a seleccionar una transformación para corregirla (más adelante, en la sección *Alternativas*, se tratará este tema), la pendiente de los datos debería ser nula.

El último gráfico permite detectar valores atípicos o influyentes. Representa los residuos estandarizados en función del valor de influencia (a priori) o leverage (*hii* que depende de los valores de las variables explicativas, debería ser $< 2(p+1)/2$) y señala las observaciones atípicas (residuos fuera de $[-2, 2]$) e influyentes a posteriori (estadístico de Cook > 0.5 y > 1).

Si las conclusiones obtenidas dependen en gran medida de una observación (normalmente atípica), esta se denomina influyente (a posteriori) y debe ser examinada con cuidado por el experimentador. Para recalcular el modelo sin una de las observaciones puede ser útil la función `update`:

```
# which.max(cooks.distance(modelo))
modelo2 <- update(modelo, data = empleados[-29, ])
```

Si hay datos atípicos o influyentes, puede ser recomendable emplear regresión lineal robusta, por ejemplo mediante la función `rlm` del paquete MASS.

En el ejemplo anterior, se observa claramente heterogeneidad de varianzas y falta de normalidad. Aparentemente no hay observaciones influyentes (a posteriori) aunque si algún dato atípico.

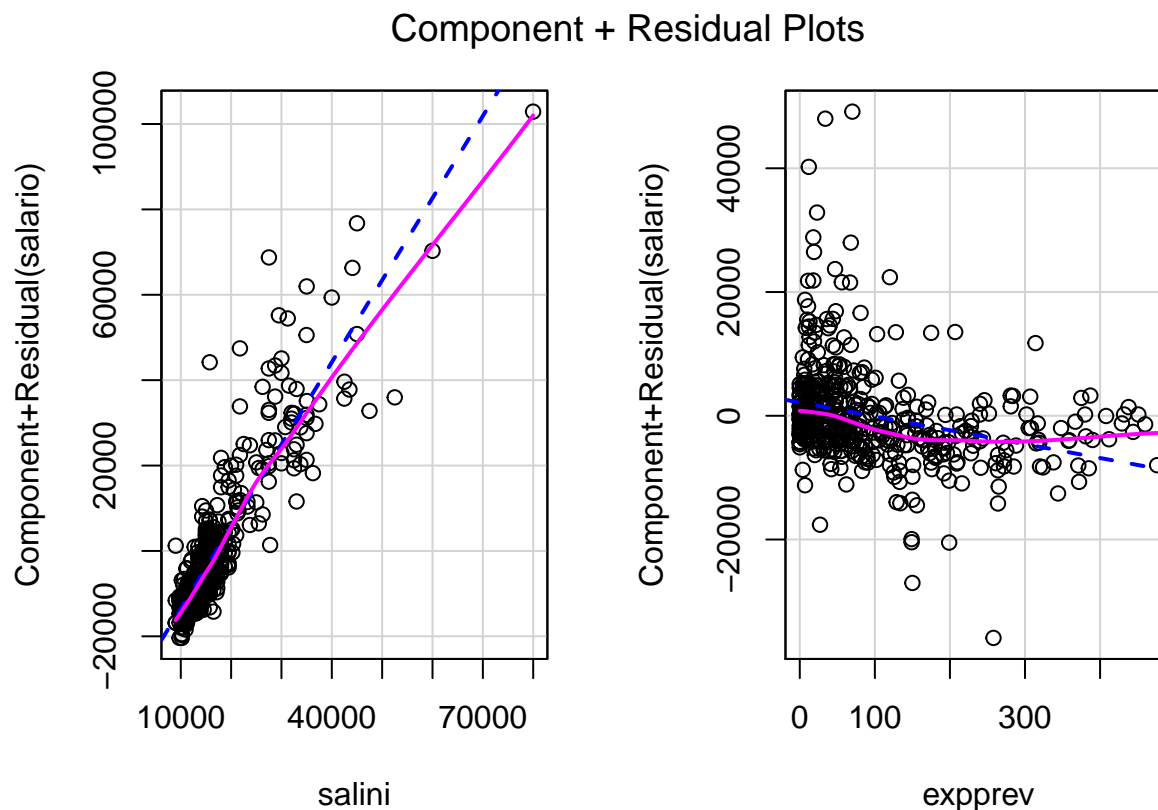
8.7.2 Gráficos parciales de residuos

En regresión lineal múltiple, en lugar de generar gráficos de dispersión simple (p.e. gráficos de dispersión matriciales) para detectar problemas (falta de linealidad, ...) y analizar los efectos de las variables explicativas, se pueden generar gráficos parciales de residuos, por ejemplo con el comando:

```
termplot(modelo, partial.resid = TRUE)
```

Aunque puede ser preferible emplear las funciones `crPlots` ó `avPlots` del paquete `car`:

```
library(car)
crPlots(modelo)
```



```
# avPlots(modelo)
```

Estas funciones permitirían además detectar puntos atípicos o influyentes (mediante los argumentos `id.method` e `id.n`).

8.7.3 Estadísticos

Para obtener medidas de diagnóstico o resúmenes numéricos de interés se pueden emplear las siguientes funciones:

Función	Descripción
<code>rstandard</code>	residuos estandarizados
<code>rstudent</code>	residuos estudentizados (eliminados)
<code>cooks.distance</code>	valores del estadístico de Cook

Función	Descripción
<code>influence</code>	valores de influencia, cambios en coeficientes y varianza residual al eliminar cada dato.

Ejecutar `help(influence.measures)` para ver un listado de medidas de diagnóstico adicionales.

Hay muchas herramientas adicionales disponibles en otros paquetes. Por ejemplo, para la detección de multicolinealidad, se puede emplear la función `vif` del paquete `car` para calcular los factores de inflación de varianza para las variables del modelo:

```
# library(car)
vif(modelo)
```

```
##      salini  expprev
## 1.002041 1.002041
```

Valores grandes, por ejemplo > 10 , indican la posible presencia de multicolinealidad.

Nota: Las tolerancias (proporciones de variabilidad no explicada por las demás covariables) se pueden calcular con `1/vif(modelo)`.

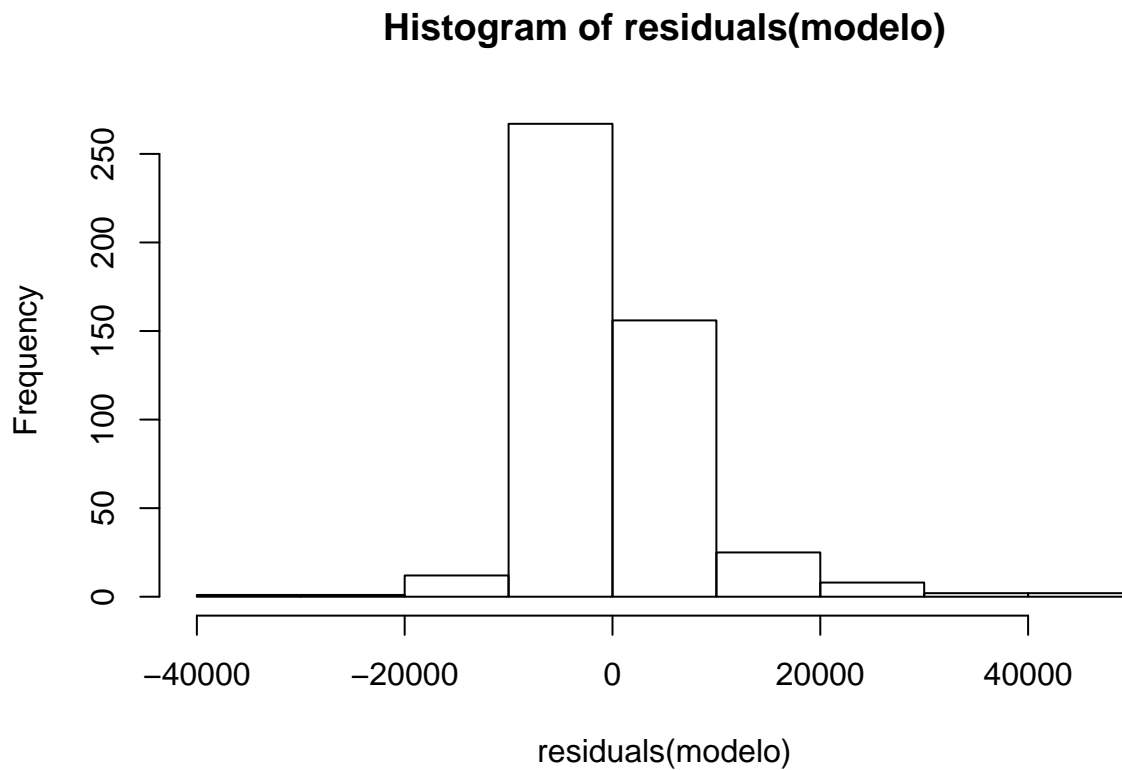
8.7.4 Contrastes

8.7.4.1 Normalidad

Para realizar el contraste de normalidad de Shapiro-Wilk se puede emplear:

```
shapiro.test(residuals(modelo))
```

```
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data:  residuals(modelo)
## W = 0.85533, p-value < 2.2e-16
hist(residuals(modelo))
```



8.7.4.2 Homocedasticidad

La librería `lmtest` proporciona herramientas adicionales para la diagnosis de modelos lineales, por ejemplo el test de Breusch-Pagan para heterocedasticidad:

```
library(lmtest)
bptest(modelo, studentize = FALSE)
```

```
##
## Breusch-Pagan test
##
## data:  modelo
## BP = 290.37, df = 2, p-value < 2.2e-16
```

Si el p-valor es grande aceptaríamos que hay igualdad de varianzas.

8.7.4.3 Autocorrelación

Contraste de Durbin-Watson para detectar si hay correlación serial entre los errores:

```
dwtest(modelo, alternative= "two.sided")
```

```
##
## Durbin-Watson test
##
## data:  modelo
```

```
## DW = 1.8331, p-value = 0.06702
## alternative hypothesis: true autocorrelation is not 0
```

Si el p-valor es pequeño rechazaríamos la hipótesis de independencia.

8.8 Métodos de regularización

[[Pasará a selección de variables explicativas?]]

Estos métodos emplean también un modelo lineal:

$$Y = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \cdots + \beta_p X_p + \varepsilon$$

En lugar de ajustarlo por mínimos cuadrados (estándar), minimizando:

$$RSS = \sum_{i=1}^n (y_i - \beta_0 - \beta_1 x_{1i} - \cdots - \beta_p x_{pi})^2$$

Se imponen restricciones adicionales a los parámetros que los “retraen” (shrink) hacia cero:

- Produce una reducción en la varianza de predicción (a costa del sesgo).
- En principio se consideran todas las variables explicativas.

Ridge regression

- Penalización cuadrática: $RSS + \lambda \sum_{j=1}^p \beta_j^2$.

Lasso

- Penalización en valor absoluto: $RSS + \lambda \sum_{j=1}^p |\beta_j|$.
- Normalmente asigna peso nulo a algunas variables (selección de variables).

El parámetro de penalización se selecciona por **validación cruzada**.

- Normalmente estandarizan las variables explicativas (coeficientes en la misma escala).

8.8.1 Datos

El fichero *hatco.RData* contiene observaciones de clientes de la compañía de distribución industrial (Compañía Hair, Anderson y Tatham). Las variables se pueden clasificar en tres grupos:

```
load('datos/hatco.RData')
as.data.frame(attr(hatco, "variable.labels"))
```

```
##          attr(hatco, "variable.labels")
## empresa                Empresa
## tamaño                 Tamaño de la empresa
## adquisic              Estructura de adquisición
## tindustr              Tipo de industria
## tsitcomp              Tipo de situación de compra
## velocidad             Velocidad de entrega
## precio                Nivel de precios
## flexprec              Flexibilidad de precios
## imgfabri              Imagen del fabricante
## servconj              Servicio conjunto
```

```
## imgfvent      Imagen de fuerza de ventas
## calidadp      Calidad de producto
## fidelida      Porcentaje de compra a HATCO
## satisfac      Satisfacción global
## nfidelid      Nivel de compra a HATCO
## nsatisfas     Nivel de satisfacción
```

Consideraremos como respuesta la variable *fidelida* y como variables explicativas el resto de variables continuas menos *satisfac*.

```
library(glmnet)
```

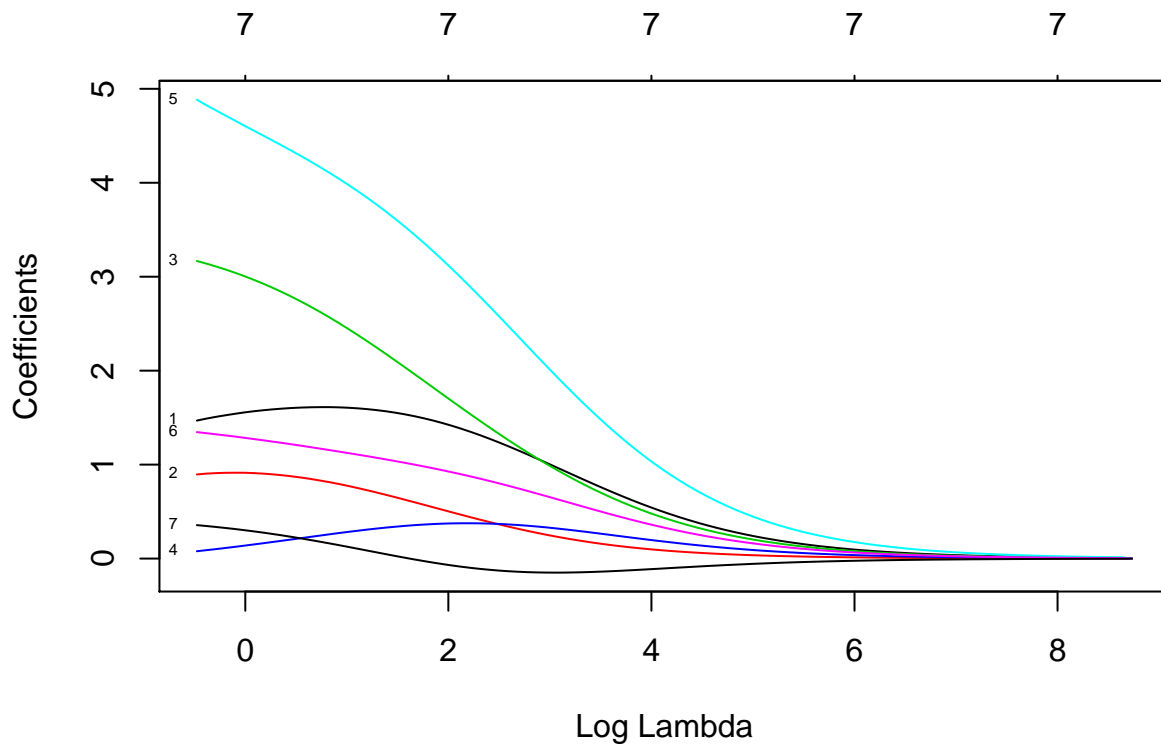
El paquete `glmnet` no emplea formulación de modelos, hay que establecer la respuesta `y` y las variables explicativas `x` (se puede emplear la función `model.matrix()` para construir `x`, la matriz de diseño, a partir de una fórmula). En este caso, eliminamos también la última fila por tener datos faltantes:

```
x <- as.matrix(hatco[-100, 6:12])
y <- hatco$fidelida[-100]
```

8.8.2 Ridge Regression

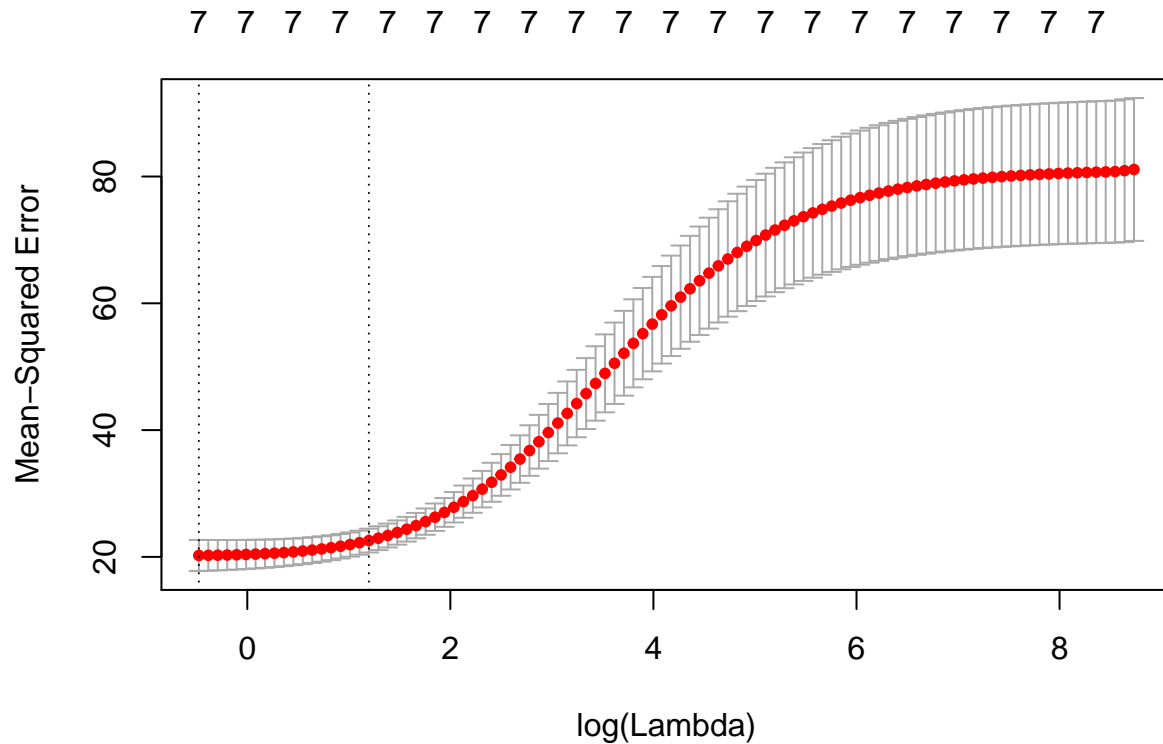
Ajustamos un modelo de regresión ridge con la función `glmnet` con `alpha=0` (ridge penalty).

```
fit.ridge <- glmnet(x, y, alpha = 0)
plot(fit.ridge, xvar = "lambda", label = TRUE)
```



Para seleccionar el parámetro de penalización por validación cruzada se puede emplear la función `cv.glmnet`.

```
cv.ridge <- cv.glmnet(x, y, alpha = 0)
plot(cv.ridge)
```



En este caso el parámetro sería:

```
cv.ridge$lambda.1se
```

```
## [1] 3.312225
```

y el modelo resultante contiene todas las variables explicativas:

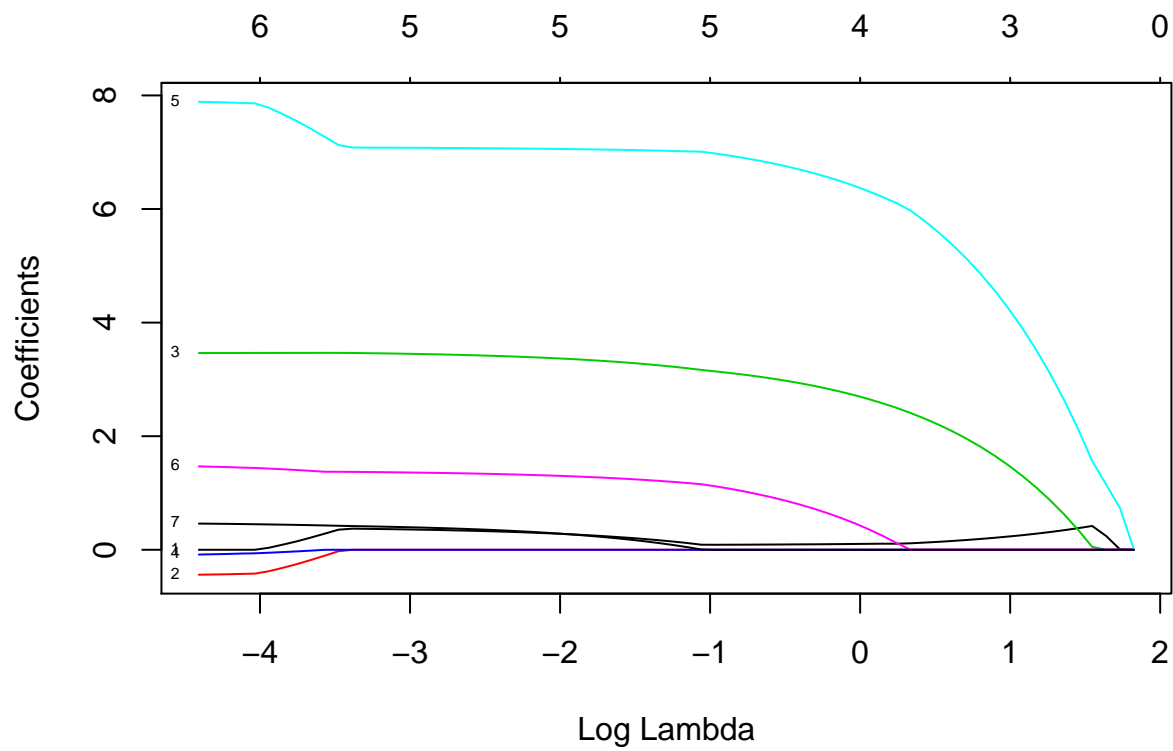
```
coef(cv.ridge)
```

```
## 8 x 1 sparse Matrix of class "dgCMatrix"
##              1
## (Intercept) 4.3005429
## velocida    1.5909337
## precio      0.7281074
## flexprec    2.3156790
## imgfabri    0.3078243
## servconj    3.8426594
## imgfvent    1.0901008
## calidadp    0.0858432
```

8.8.3 Lasso

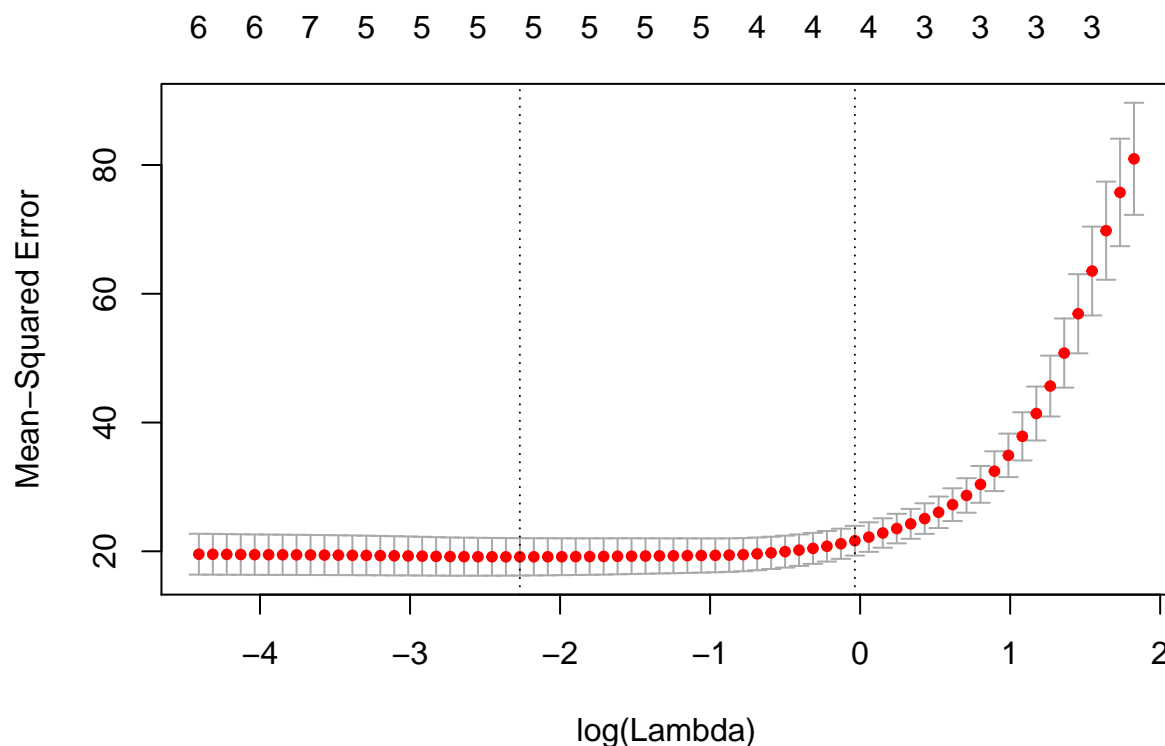
Ajustamos un modelo lasso también con la función `glmnet` (con la opción por defecto `alpha=1`, lasso penalty).


```
fit.lasso <- glmnet(x,y)
plot(fit.lasso, xvar = "lambda", label = TRUE)
```



Seleccionamos el parámetro de penalización por validación cruzada.

```
cv.lasso <- cv.glmnet(x,y)
plot(cv.lasso)
```



En este caso el modelo resultante solo contiene 4 variables explicativas:

```
coef(cv.lasso)
```

```
## 8 x 1 sparse Matrix of class "dgCMatrix"
##              1
## (Intercept) 4.4757712
## velocida    0.1020531
## precio      .
## flexprec    2.7202485
## imgfabri    .
## servconj    6.4044378
## imgfvent    0.4651076
## calidadp    .
```

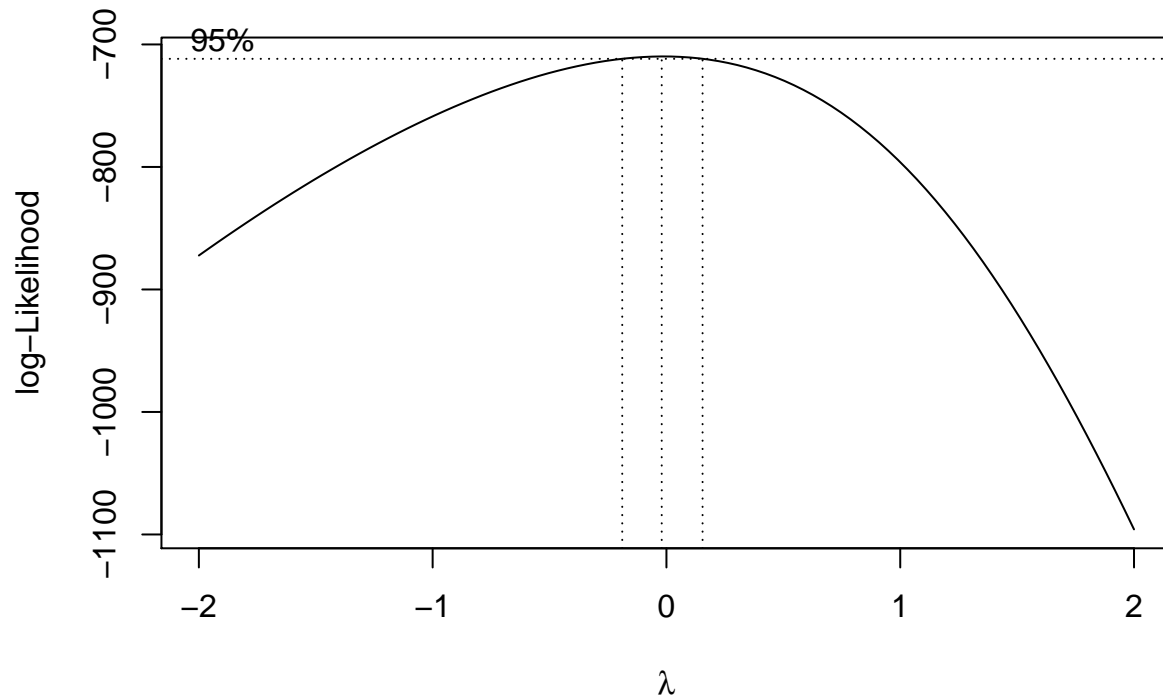
8.9 Alternativas

8.9.1 Transformación (modelos linealizables)

Cuando no se satisfacen los supuestos básicos se puede intentar transformar los datos para corregir la falta de linealidad, la heterocedasticidad y/o la falta de normalidad (normalmente estas últimas “suelen ocurrir en la misma escala”). Por ejemplo, la función `boxcox` del paquete `MASS` permite seleccionar la transformación de Box-Cox más adecuada:

$$Y^{(\lambda)} = \begin{cases} \frac{Y^\lambda - 1}{\lambda} & \text{si } \lambda \neq 0 \\ \ln(Y) & \text{si } \lambda = 0 \end{cases}$$

```
# library(MASS)
boxcox(modelo)
```



En este caso una transformación logarítmica parece adecuada.

En ocasiones para obtener una relación lineal (o heterocedasticidad) también es necesario transformar las covariables además de la respuesta. Algunas de las relaciones fácilmente linealizables se muestran a continuación:

modelo	ecuación	covariable	respuesta
logarítmico	$y = a + b \log(x)$	$\log(x)$	—
inverso	$y = a + b/x$	$1/x$	—
potencial	$y = ax^b$	$\log(x)$	$\log(y)$
exponencial	$y = ae^{bx}$	—	$\log(y)$
curva-S	$y = ae^{b/x}$	$1/x$	$\log(y)$

8.9.1.1 Ejemplo:

```
plot(salario ~ salini, data = empleados, col = 'darkgray')

# Ajuste lineal
abline(lm(salario ~ salini, data = empleados))

# Modelo exponencial
```

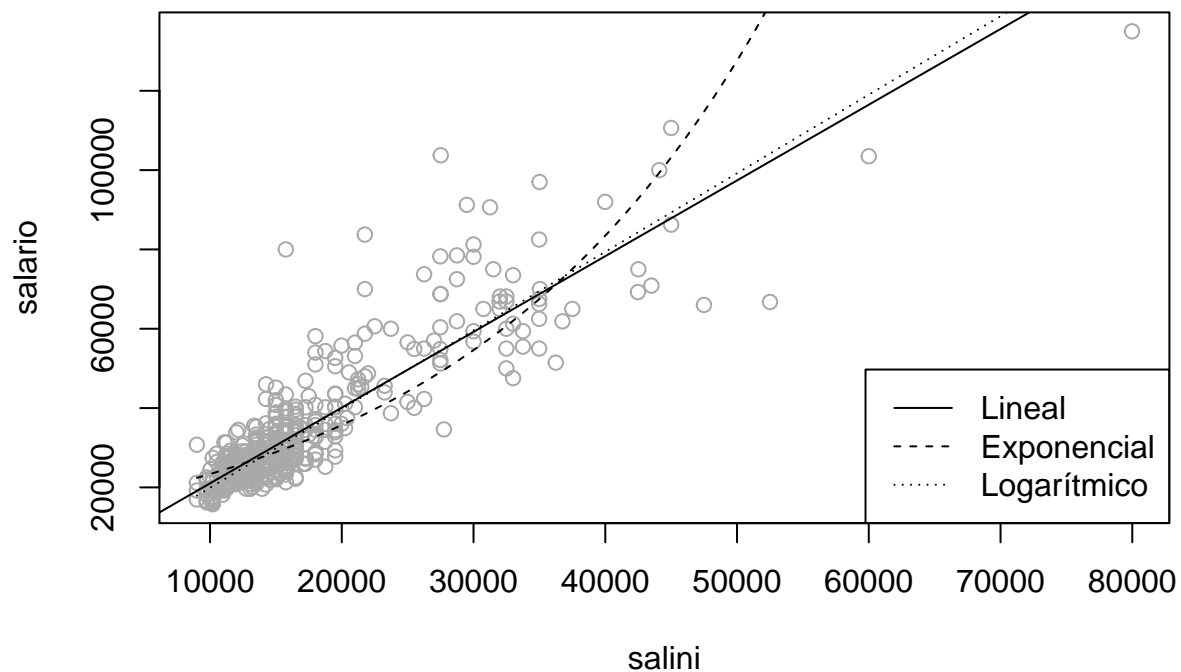
```

modelo1 <- lm(log(salario) ~ salini, data = empleados)
parest <- coef(modelo1)
curve(exp(parest[1] + parest[2]*x), lty = 2, add = TRUE)

# Modelo logarítmico
modelo2 <- lm(log(salario) ~ log(salini), data = empleados)
parest <- coef(modelo2)
curve(exp(parest[1]) * x^parest[2], lty = 3, add = TRUE)

legend("bottomright", c("Lineal", "Exponencial", "Logarítmico"), lty = 1:3)

```

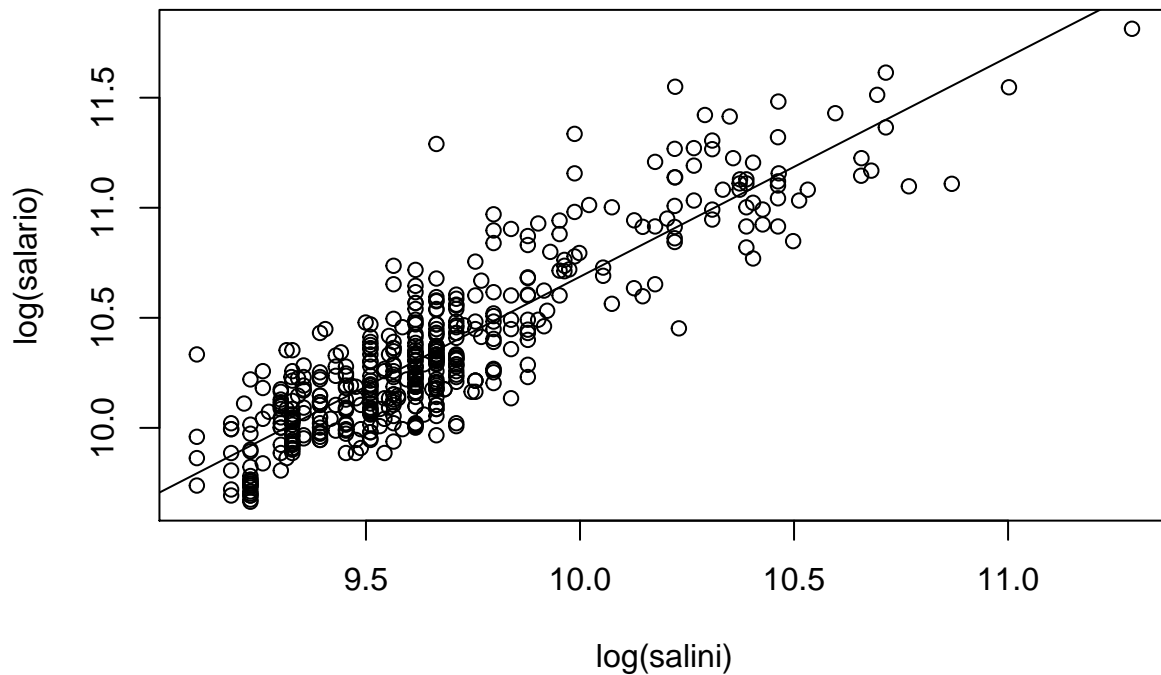


Con estos datos de ejemplo, el principal problema es la falta de homogeneidad de varianzas (y de normalidad) y se corrige sustancialmente con el segundo modelo:

```

plot(log(salario) ~ log(salini), data = empleados)
abline(modelo2)

```

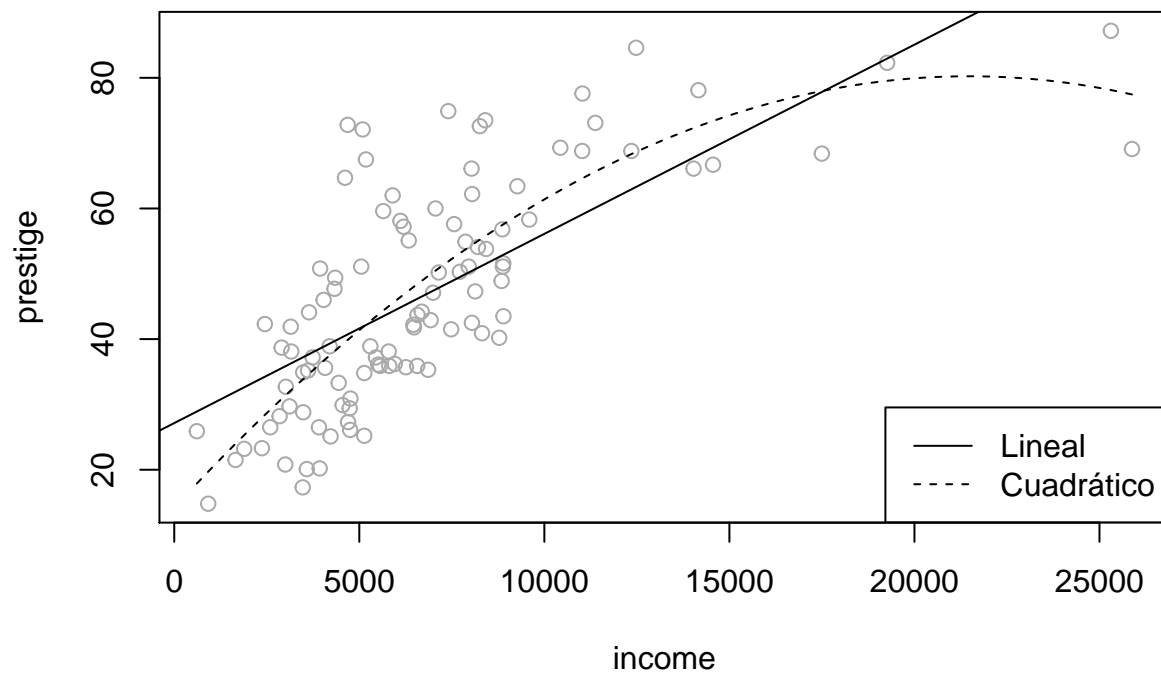


8.9.2 Ajuste polinómico

En este apartado utilizaremos como ejemplo el conjunto de datos `Prestige` de la librería `car`. Al tratar de explicar `prestige` (puntuación de ocupaciones obtenidas a partir de una encuesta) a partir de `income` (media de ingresos en la ocupación), un ajuste cuadrático puede parecer razonable:

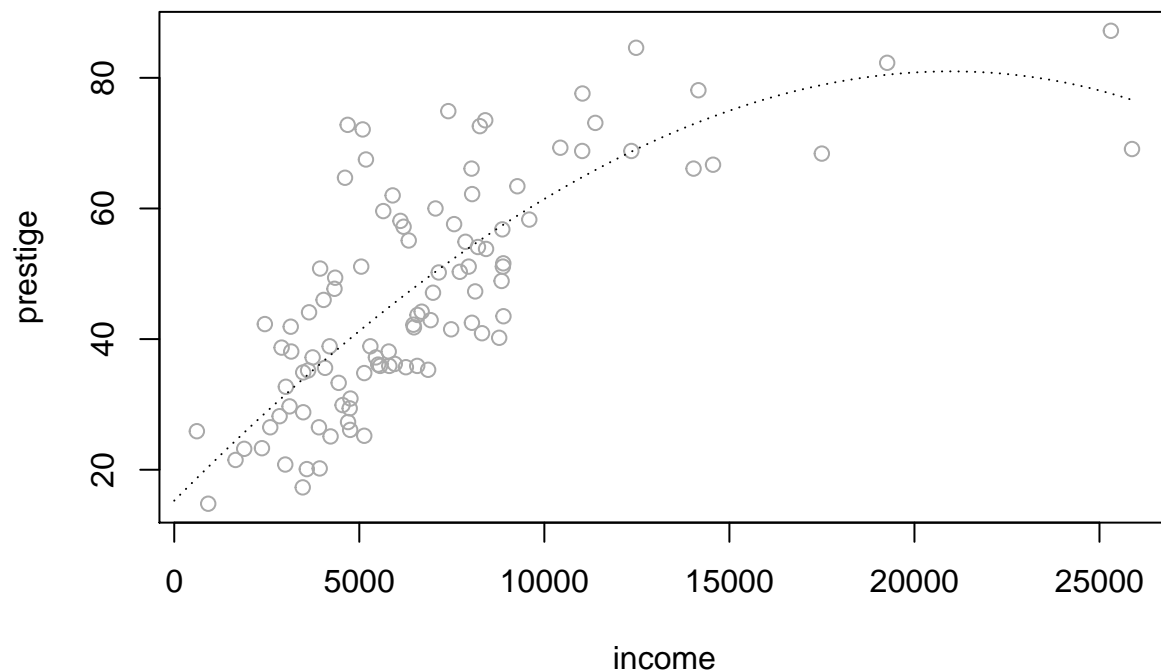
```
# library(car)
plot(prestige ~ income, data = Prestige, col = 'darkgray')
# Ajuste lineal
abline(lm(prestige ~ income, data = Prestige))
# Ajuste cuadrático
modelo <- lm(prestige ~ income + I(income^2), data = Prestige)
parest <- coef(modelo)
curve(parest[1] + parest[2]*x + parest[3]*x^2, lty = 2, add = TRUE)

legend("bottomright", c("Lineal", "Cuadrático"), lty = 1:2)
```



Alternativamente se podría emplear la función `poly`:

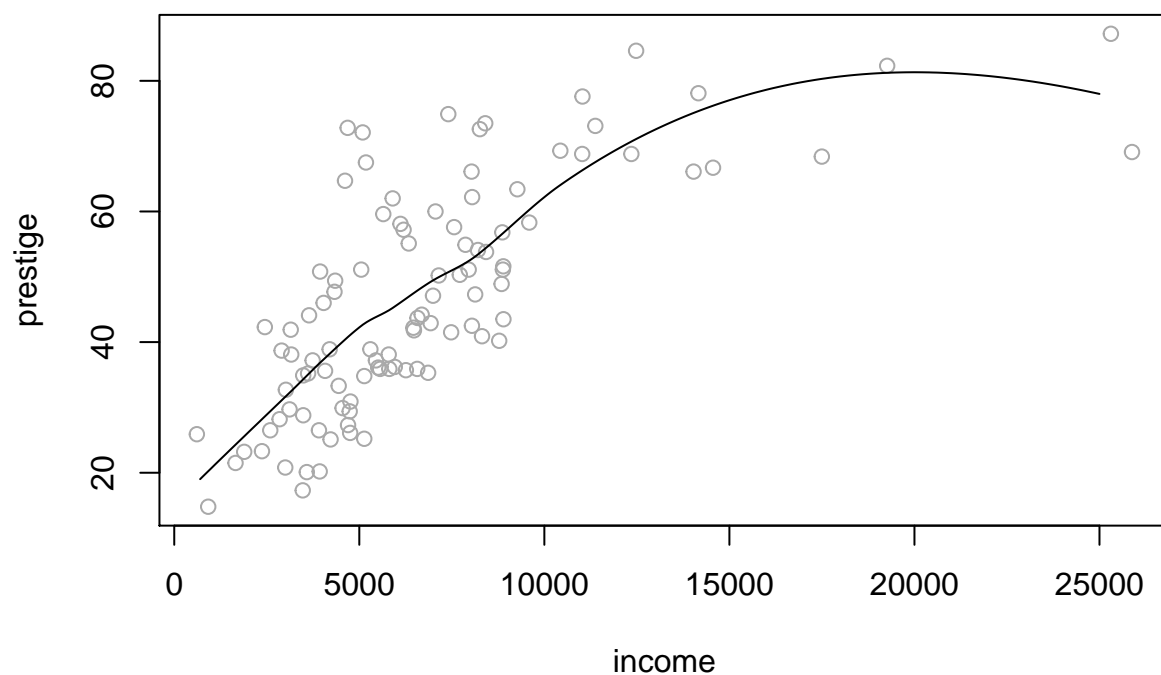
```
plot(prestige ~ income, data = Prestige, col = 'darkgray')
# Ajuste cúbico
modelo <- lm(prestige ~ poly(income, 3), data = Prestige)
valores <- seq(0, 26000, len = 100)
pred <- predict(modelo, newdata = data.frame(income = valores))
lines(valores, pred, lty = 3)
```



8.9.3 Ajuste polinómico local (robusto)

Si no se logra un buen ajuste empleando los modelos anteriores se puede pensar en utilizar métodos no paramétricos (p.e. regresión aditiva no paramétrica). Por ejemplo, enR es habitual emplear la función `loess` (sobre todo en gráficos):

```
plot(prestige ~ income, Prestige, col = 'darkgray')
fit <- loess(prestige ~ income, Prestige, span = 0.75)
valores <- seq(0, 25000, 100)
pred <- predict(fit, newdata = data.frame(income = valores))
lines(valores, pred)
```



Este tipo de modelos los trataremos con detalle más adelante...

Capítulo 9

Modelos lineales generalizados

Los modelos lineales generalizados son una extensión de los modelos lineales para el caso de que la distribución condicional de la variable respuesta no sea normal (por ejemplo discreta: Bernoulli, Binomial, Poisson, ...)

En los modelos lineales se supone que:

$$E(Y|\mathbf{X}) = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \cdots + \beta_p X_p$$

En los modelos lineales generalizados se introduce una función invertible g , denominada función enlace (o link):

$$g(E(Y|\mathbf{X})) = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \cdots + \beta_p X_p$$

9.1 Ajuste: función glm

Para el ajuste (estimación de los parámetros) de un modelo lineal generalizado a un conjunto de datos (por máxima verosimilitud) se emplea la función `glm`:

```
ajuste <- glm(formula, family = gaussian, datos, ...)
```

El parámetro `family` indica la distribución y el link. Por ejemplo:

- `gaussian(link = "identity"), gaussian(link = "log")`
- `binomial(link = "logit"), binomial(link = "probit")`
- `poisson(link = "log")`
- `Gamma(link = "inverse")`

Para cada distribución se toma por defecto una función link (mostrada en primer lugar; ver `help(family)` para más detalles).

Muchas de las herramientas y funciones genéricas disponibles para los modelos lineales son válidas también para este tipo de modelos: `summary`, `coef`, `confint`, `predict`, `anova`, ...

Veremos con más detalle el caso particular de la regresión logística.

9.2 Regresión logística

9.2.1 Ejemplo

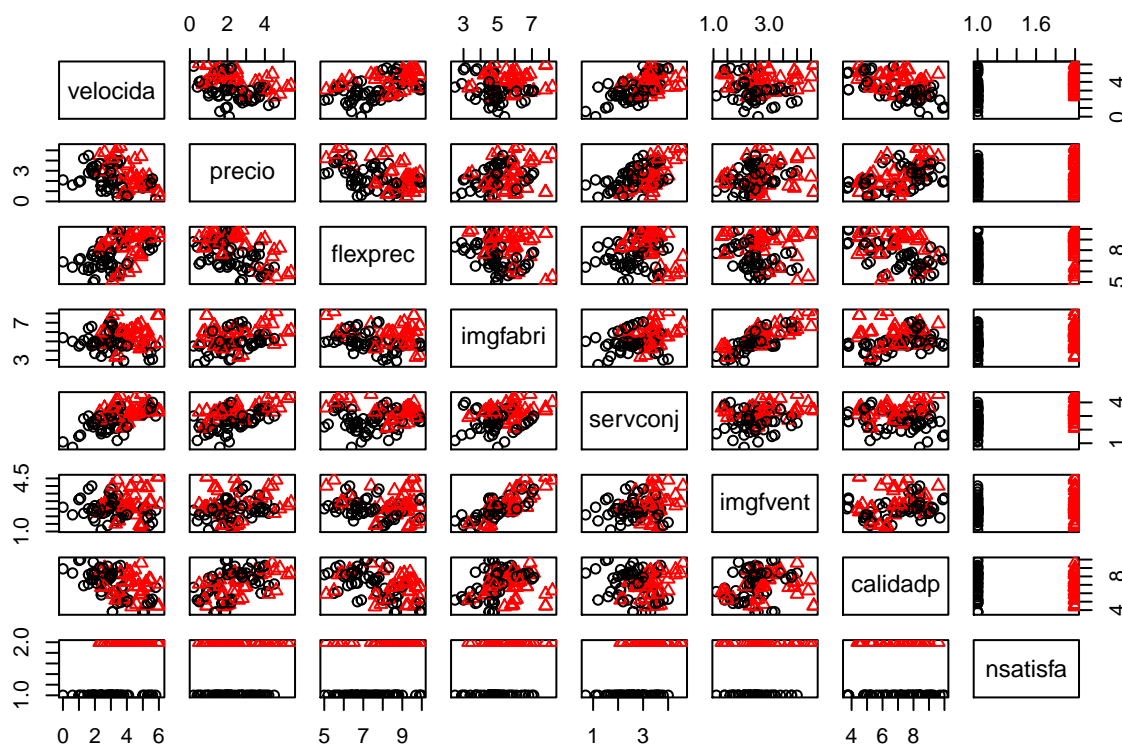
Como ejemplo emplearemos los datos de clientes de la compañía de distribución industrial (Compañía Hair, Anderson y Tatham).

```
load("datos/hatco.RData")
as.data.frame(attr(hatco, "variable.labels"))
```

```
##          attr(hatco, "variable.labels")
## empresa                Empresa
## tamano                 Tamaño de la empresa
## adquisic              Estructura de adquisición
## tindustr              Tipo de industria
## tsitcomp              Tipo de situación de compra
## velocida              Velocidad de entrega
## precio                Nivel de precios
## flexprec              Flexibilidad de precios
## imgfabri              Imagen del fabricante
## servconj              Servicio conjunto
## imgfvent              Imagen de fuerza de ventas
## calidadp              Calidad de producto
## fidelida              Porcentaje de compra a HATCO
## satisfac              Satisfacción global
## nfidelid              Nivel de compra a HATCO
## nsatisfac              Nivel de satisfacción
```

Consideraremos como respuesta la variable *nsatisfac* y como variables explicativas el resto de variables continuas menos *fidelida* y *satisfac*. Eliminamos también la última fila por tener datos faltantes (realmente no sería necesario).

```
datos <- hatco[-100, c(6:12, 16)]
plot(datos, pch = as.numeric(datos$nsatisfac), col = as.numeric(datos$nsatisfac))
```



9.2.2 Ajuste de un modelo de regresión logística

Se emplea la función `glm` seleccionando `family = binomial` (la función de enlace por defecto será *logit*):

```
modelo <- glm(nsatisfa ~ velocida + imgfabri, family = binomial, data = datos)
modelo
```

```
##
## Call:  glm(formula = nsatisfa ~ velocida + imgfabri, family = binomial,
##        data = datos)
##
## Coefficients:
## (Intercept)      velocida      imgfabri
##    -10.127         1.203         1.058
##
## Degrees of Freedom: 98 Total (i.e. Null);  96 Residual
## Null Deviance:      136.4
## Residual Deviance: 88.64    AIC: 94.64
```

La razón de ventajas (OR) permite cuantificar el efecto de las variables explicativas en la respuesta (Incremento proporcional en la ventaja o probabilidad de éxito, al aumentar una unidad la variable manteniendo las demás fijas):

```
exp(coef(modelo))  # Razones de ventajas ("odds ratios")
```

```
## (Intercept)      velocida      imgfabri
## 3.997092e-05 3.329631e+00 2.881619e+00
```

```
exp(confint(modelo))
```

```
## Waiting for profiling to be done...
##              2.5 %      97.5 %
## (Intercept) 3.828431e-07 0.001621259
## velocida    2.061302e+00 5.976208357
## imgfabri    1.737500e+00 5.247303813
```

Para obtener un resumen más completo del ajuste también se utiliza `summary()`

```
summary(modelo)
```

```
##
## Call:
## glm(formula = nsatisfas ~ velocida + imgfabri, family = binomial,
##      data = datos)
##
## Deviance Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -1.8941  -0.6697  -0.2098   0.7865   2.3378
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept) -10.1274      2.1062  -4.808 1.52e-06 ***
## velocida      1.2029      0.2685   4.479 7.49e-06 ***
## imgfabri      1.0584      0.2792   3.790 0.000151 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
##      Null deviance: 136.42  on 98  degrees of freedom
## Residual deviance:  88.64  on 96  degrees of freedom
## AIC: 94.64
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 5
```

La desviación (deviance) es una medida de la bondad del ajuste de un modelo lineal generalizado (sería equivalente a la suma de cuadrados residual de un modelo lineal; valores más altos indican peor ajuste). La *Null deviance* se correspondería con un modelo solo con la constante y la *Residual deviance* con el modelo ajustado. En este caso hay una reducción de 47.78 con una pérdida de 2 grados de libertad (una reducción significativa).

Para contrastar globalmente el efecto de las covariables también podemos emplear:

```
modelo.null <- glm(nsatisfas ~ 1, binomial, datos)
anova(modelo.null, modelo, test = "Chi")
```

```
## Analysis of Deviance Table
##
## Model 1: nsatisfas ~ 1
## Model 2: nsatisfas ~ velocida + imgfabri
##   Resid. Df Resid. Dev Df Deviance Pr(>Chi)
## 1         98      136.42
## 2         96       88.64  2   47.783 4.207e-11 ***
## ---
```

```
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

9.3 Predicción

Las predicciones se obtienen también con la función `predict`:

```
p.est <- predict(modelo, type = "response")
```

El parámetro `type = "response"` permite calcular las probabilidades estimadas de la segunda categoría.

Podríamos obtener una tabla de clasificación:

```
cat.est <- as.numeric(p.est > 0.5)
tabla <- table(datos$nsatisfa, cat.est)
tabla
```

```
##      cat.est
##      0  1
## bajo 44 10
## alto  7 38
```

```
print(100*prop.table(tabla), digits = 2)
```

```
##      cat.est
##      0    1
## bajo 44.4 10.1
## alto  7.1 38.4
```

Por defecto `predict` obtiene las predicciones correspondientes a las observaciones (`modelo$fitted.values`). Para otros casos hay que emplear el argumento `newdata`.

9.4 Selección de variables explicativas

El objetivo sería conseguir un buen ajuste con el menor número de variables explicativas posible.

Para actualizar un modelo (p.e. eliminando o añadiendo variables) se puede emplear la función `update`:

```
modelo.completo <- glm(nsatisfa ~ ., family = binomial, data = datos)
summary(modelo.completo)
```

```
##
## Call:
## glm(formula = nsatisfa ~ ., family = binomial, data = datos)
##
## Deviance Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -2.01370  -0.31260  -0.02826   0.35423   1.74741
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept)  -32.6317     7.7121  -4.231 2.32e-05 ***
## velocidad    3.9980     2.3362   1.711 0.087019 .
## precio       3.6042     2.3184   1.555 0.120044
## flexprec     1.5769     0.4433   3.557 0.000375 ***
## imgfabri     2.1669     0.6857   3.160 0.001576 **
```

```
## servconj      -4.2655      4.3526  -0.980 0.327096
## imgfvent      -1.1496      0.8937  -1.286 0.198318
## calidadp       0.1506      0.2495   0.604 0.546147
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
##      Null deviance: 136.424  on 98  degrees of freedom
## Residual deviance:  60.807  on 91  degrees of freedom
## AIC: 76.807
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 7

modelo.reducido <- update(modelo.completo, . ~ . - calidadp)
summary(modelo.reducido)

##
## Call:
## glm(formula = nsatisfa ~ velocida + precio + flexprec + imgfabri +
##      servconj + imgfvent, family = binomial, data = datos)
##
## Deviance Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -2.0920  -0.3518  -0.0280   0.3876   1.7885
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept)  -31.6022     7.3962  -4.273 1.93e-05 ***
## velocida       4.1831     2.2077   1.895 0.058121 .
## precio        3.8872     2.1685   1.793 0.073044 .
## flexprec      1.5452     0.4361   3.543 0.000396 ***
## imgfabri      2.1984     0.6746   3.259 0.001119 **
## servconj     -4.6985     4.0597  -1.157 0.247125
## imgfvent     -1.1387     0.8784  -1.296 0.194849
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
##      Null deviance: 136.424  on 98  degrees of freedom
## Residual deviance:  61.171  on 92  degrees of freedom
## AIC: 75.171
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 7
```

Para obtener el modelo “óptimo” lo ideal sería evaluar todos los modelos posibles. En este caso no se puede emplear la función `regsubsets` del paquete `leaps` (sólo para modelos lineales), pero por ejemplo el paquete `bestglm` proporciona una herramienta equivalente (`bestglm()`).

9.4.1 Selección por pasos

La función `stepwise` del paquete `RcmdrMisc` (interfaz de `stepAIC` del paquete `MASS`) permite seleccionar el modelo por pasos según criterio AIC o BIC:

```
library(MASS)
library(RcmdrMisc)
modelo <- stepwise(modelo.completo, direction='backward/forward', criterion='BIC')
```

```
##
## Direction: backward/forward
## Criterion: BIC
##
## Start: AIC=97.57
## nsatisfi ~ velocida + precio + flexprec + imgfabri + servconj +
##         imgfvent + calidadp
##
##           Df Deviance    AIC
## - calidadp 1  61.171  93.337
## - servconj 1  61.565  93.730
## - imgfvent 1  62.668  94.834
## - precio   1  62.712  94.878
## - velocida 1  63.105  95.271
## <none>      60.807  97.568
## - imgfabri 1  76.251 108.416
## - flexprec 1  82.443 114.609
##
## Step: AIC=93.34
## nsatisfi ~ velocida + precio + flexprec + imgfabri + servconj +
##         imgfvent
##
##           Df Deviance    AIC
## - servconj 1  62.205  89.776
## - imgfvent 1  63.055  90.625
## - precio   1  63.698  91.269
## - velocida 1  63.983  91.554
## <none>      61.171  93.337
## + calidadp 1  60.807  97.568
## - imgfabri 1  77.823 105.394
## - flexprec 1  82.461 110.032
##
## Step: AIC=89.78
## nsatisfi ~ velocida + precio + flexprec + imgfabri + imgfvent
##
##           Df Deviance    AIC
## - imgfvent 1  64.646  87.622
## <none>      62.205  89.776
## + servconj 1  61.171  93.337
## + calidadp 1  61.565  93.730
## - imgfabri 1  78.425 101.401
## - precio   1  79.699 102.675
## - flexprec 1  82.978 105.954
## - velocida 1  88.731 111.706
##
## Step: AIC=87.62
## nsatisfi ~ velocida + precio + flexprec + imgfabri
##
##           Df Deviance    AIC
## <none>      64.646  87.622
```

```
## + imgfvent 1 62.205 89.776
## + servconj 1 63.055 90.625
## + calidadp 1 63.890 91.460
## - precio 1 80.474 98.854
## - flexprec 1 83.663 102.044
## - imgfabri 1 85.208 103.588
## - velocida 1 89.641 108.021
```

```
summary(modelo)
```

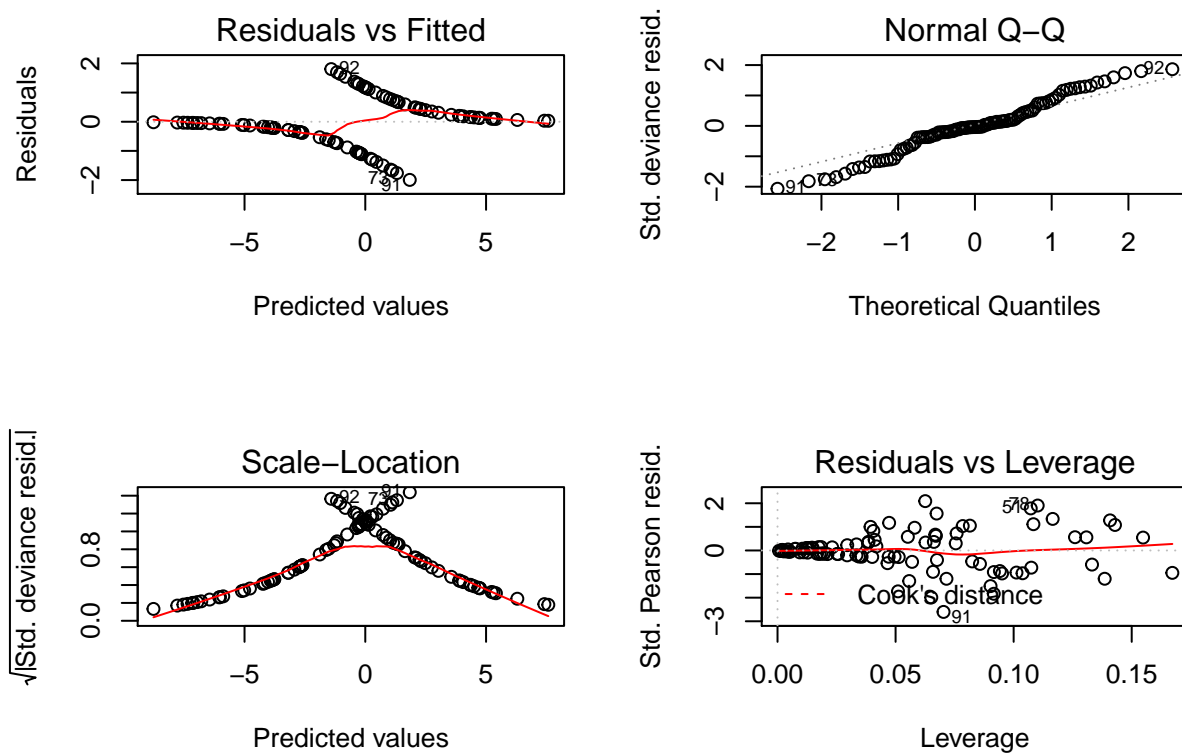
```
##
## Call:
## glm(formula = nsatisfa ~ velocida + precio + flexprec + imgfabri,
##      family = binomial, data = datos)
##
## Deviance Residuals:
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -1.99422  -0.36209  -0.03932   0.44249   1.80432
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept) -28.0825     6.4767  -4.336 1.45e-05 ***
## velocida      1.6268     0.4268   3.812 0.000138 ***
## precio        1.3749     0.4231   3.250 0.001155 **
## flexprec      1.3364     0.3785   3.530 0.000415 ***
## imgfabri      1.5168     0.4252   3.567 0.000361 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
##      Null deviance: 136.424  on 98  degrees of freedom
## Residual deviance:  64.646  on 94  degrees of freedom
## AIC: 74.646
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 6
```

9.5 Diagnóstico del modelo

9.5.1 Gráficas básicas de diagnóstico

Con la función `plot` se pueden generar gráficos de interés para la diagnosis del modelo:

```
oldpar <- par( mfrow=c(2,2))
plot(modelo)
```

```
par(oldpar)
```

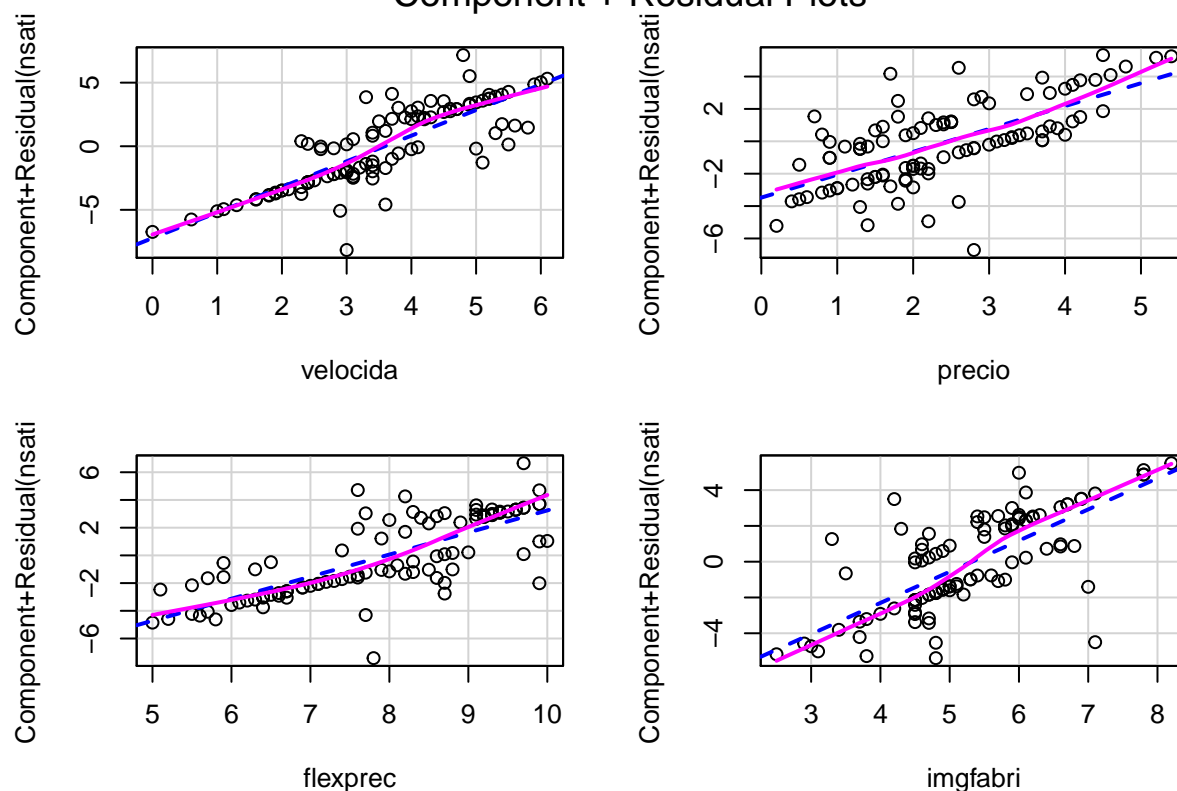
Aunque su interpretación difiere un poco de la de los modelos lineales...

9.5.2 Gráficos parciales de residuos

Se pueden generar gráficos parciales de residuos (p.e. `crPlots()` del paquete `car`):

```
# library(car)
crPlots(modelo)
```

Component + Residual Plots



9.5.3 Estadísticos

Se pueden emplear las mismas funciones vistas en los modelos lineales para obtener medidas de diagnóstico de interés (ver `help(influence.measures)`). Por ejemplo:

```
residuals(model, type = "deviance")
```

proporciona los residuos deviance.

En general, muchas de las herramientas para modelos lineales son también válidas para estos modelos. Por ejemplo:

```
# library(car)
vif(modelo)

## velocidad  precio flexprec imgfabri
## 2.088609 2.653934 2.520042 1.930409
```

9.6 Alternativas

Además de considerar ajustes polinómicos, pueden ser de interés emplear métodos no paramétricos. Por ejemplo, puede ser recomendable la función `gam` del paquete `mgcv`.

Capítulo 10

Regresión no paramétrica

No se supone ninguna forma concreta en el efecto de las variables explicativas:

$$Y = f(\mathbf{X}) + \varepsilon,$$

con f función “cualquiera” (suave).

- Métodos disponibles en R:
 - Regresión local (métodos de suavizado): `loess()`, `KernSmooth`, `sm`, ...
 - Modelos aditivos generalizados (GAM): `gam`, `mgcv`, ...
 - ...

10.1 Modelos aditivos

Se supone que:

$$Y = \beta_0 + f_1(\mathbf{X}_1) + f_2(\mathbf{X}_2) + \cdots + f_p(\mathbf{X}_p) + \varepsilon,$$

con f_i , $i = 1, \dots, p$, funciones cualesquiera.

- Los modelos lineales son un caso particular considerando $f_i(x) = \beta_i x$.
- Adicionalmente se puede considerar una función link: **Modelos aditivos generalizados** (GAM)
 - Hastie, T.J. y Tibshirani, R.J. (1990). Generalized Additive Models. Chapman & Hall.
 - Wood, S. N. (2006). Generalized Additive Models: An Introduction with R. Chapman & Hall/CRC

10.1.1 Ajuste: función `gam`

La función `gam` del paquete `mgcv` permite ajustar modelos aditivos (generalizados) empleando regresión por splines (ver `help("mgcv-package")`):

```
library(mgcv)
ajuste <- gam(formula, family = gaussian, datos, pesos, seleccion, na.action, ...)
```

Algunas posibilidades de uso son las que siguen:

- Modelo lineal:

```
ajuste <- gam(y ~ x1 + x2 + x3)
```

- Modelo aditivo con efectos no paramétricos para x_1 y x_2 , y un efecto lineal para x_3 :

```
ajuste <- gam(y ~ s(x1) + s(x2) + x3)
```

- Modelo no aditivo (con interacción):

```
ajuste <- gam(y ~ s(x1, x2))
```

- Modelo con distintas combinaciones:

```
ajuste <- gam(y ~ s(x1, x2) + s(x3) + x4)
```

10.1.2 Ejemplo

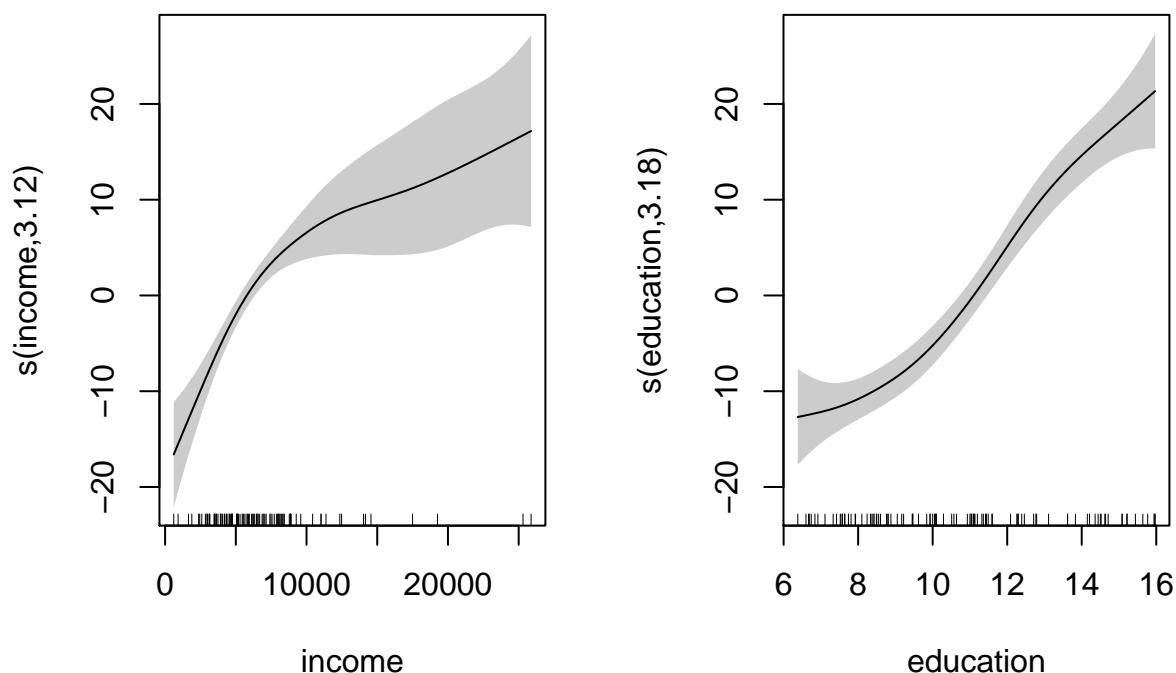
En esta sección utilizaremos como ejemplo el conjunto de datos `Prestige` de la librería `car`. Se tratará de explicar `prestige` (puntuación de ocupaciones obtenidas a partir de una encuesta) a partir de `income` (media de ingresos en la ocupación) y `education` (media de los años de educación).

```
library(mgcv)
library(car)
modelo <- gam(prestige ~ s(income) + s(education), data = Prestige)
summary(modelo)
```

```
##
## Family: gaussian
## Link function: identity
##
## Formula:
## prestige ~ s(income) + s(education)
##
## Parametric coefficients:
##             Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  46.8333    0.6889   67.98  <2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Approximate significance of smooth terms:
##             edf Ref.df    F  p-value
## s(income)    3.118  3.877 14.61 1.53e-09 ***
## s(education) 3.177  3.952 38.78 < 2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## R-sq.(adj) =  0.836   Deviance explained = 84.7%
## GCV = 52.143   Scale est. = 48.414     n = 102
```

En este caso la función `plot` representa los efectos (parciales) estimados de cada covariable:

```
par.old <- par(mfrow = c(1, 2))
plot(modelo, shade = TRUE) #
```



```
par(par.old)
```

10.1.3 Superficie de predicción

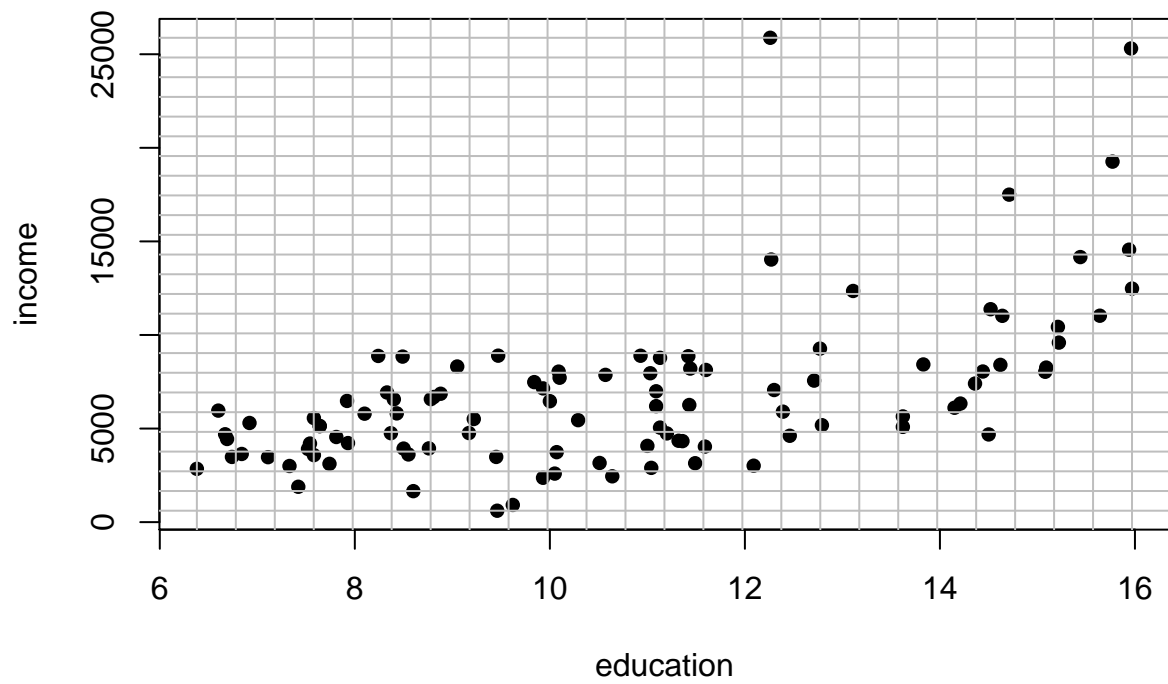
Las predicciones se obtienen también con la función `predict`:

```
pred <- predict(modelo)
```

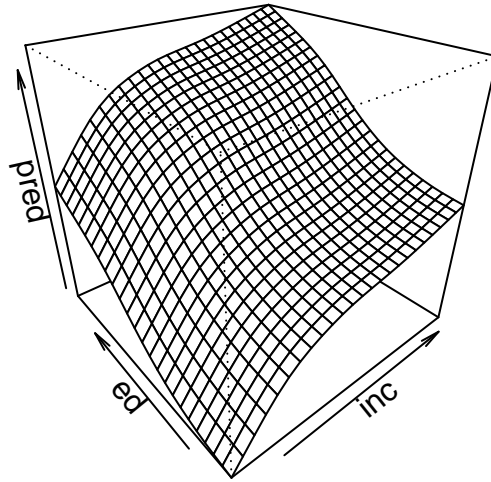
Por defecto `predict` obtiene las predicciones correspondientes a las observaciones (`modelo$fitted.values`). Para otros casos hay que emplear el argumento `newdata`.

Para representar las estimaciones (la superficie de predicción) obtenidas con el modelo se puede utilizar la función `persp`. Esta función necesita que los valores (x,y) de entrada estén dispuestos en una rejilla bidimensional. Para generar esta rejilla se puede emplear la función `expand.grid(x,y)` que crea todas las combinaciones de los puntos dados en x e y.

```
inc <- with(Prestige, seq(min(income), max(income), len = 25))
ed <- with(Prestige, seq(min(education), max(education), len = 25))
newdata <- expand.grid(income = inc, education = ed)
# Representamos la rejilla
plot(income ~ education, Prestige, pch = 16)
abline(h = inc, v = ed, col = "grey")
```

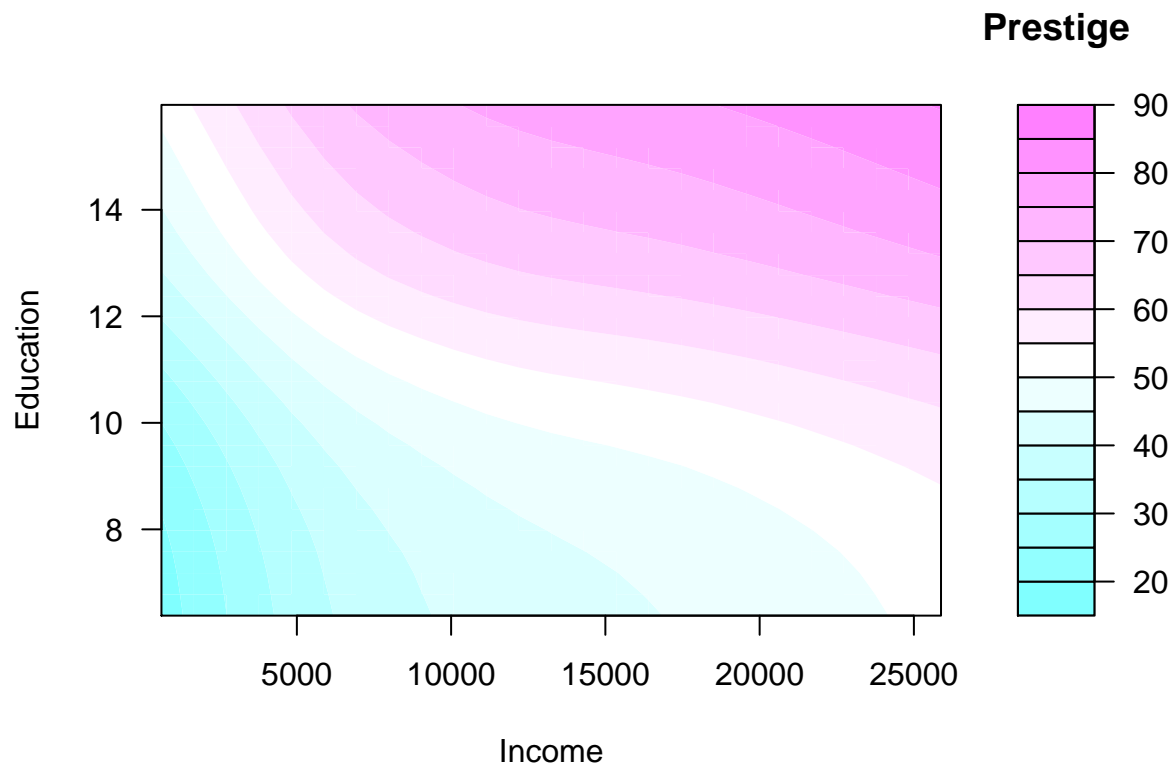


```
# Se calculan las predicciones
pred <- predict(modelo, newdata)
# Se representan
pred <- matrix(pred, nrow = 25)
persp(inc, ed, pred, theta = -40, phi = 30)
```



Alternativamente se podría emplear la función `contour` o `filled.contour`:

```
# contour(inc, ed, pred, xlab = "Income", ylab = "Education")  
filled.contour(inc, ed, pred, xlab = "Income", ylab = "Education", key.title = title("Prestige"))
```



Puede ser más cómodo emplear el paquete `modelr` junto a los gráficos `ggplot2` para trabajar con modelos y predicciones.

10.1.4 Comparación de modelos

Además de las medidas de bondad de ajuste como el coeficiente de determinación ajustado, también se puede emplear la función `anova` para la comparación de modelos. Por ejemplo, viendo el gráfico de los efectos se podría pensar que el efecto de `education` podría ser lineal:

```
# plot(modelo)
modelo0 <- gam(prestige ~ s(income) + education, data = Prestige)
summary(modelo0)

##
## Family: gaussian
## Link function: identity
##
## Formula:
## prestige ~ s(income) + education
##
## Parametric coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)   4.2240     3.7323   1.132   0.261
## education     3.9681     0.3412  11.630 <2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```



```
##
## Approximate significance of smooth terms:
##           edf Ref.df      F p-value
## s(income) 3.58  4.441 13.6 1.16e-09 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## R-sq.(adj) =  0.825   Deviance explained = 83.3%
## GCV = 54.798   Scale est. = 51.8       n = 102
anova(modelo0, modelo, test="F")
```

```
## Analysis of Deviance Table
##
## Model 1: prestige ~ s(income) + education
## Model 2: prestige ~ s(income) + s(education)
##   Resid. Df Resid. Dev      Df Deviance      F Pr(>F)
## 1     95.559     4994.6
## 2     93.171     4585.0 2.3886    409.58 3.5418 0.0257 *
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

En este caso aceptaríamos que el modelo original es significativamente mejor.

Alternativamente, podríamos pensar que hay interacción:

```
modelo2 <- gam(prestige ~ s(income, education), data = Prestige)
summary(modelo2)
```

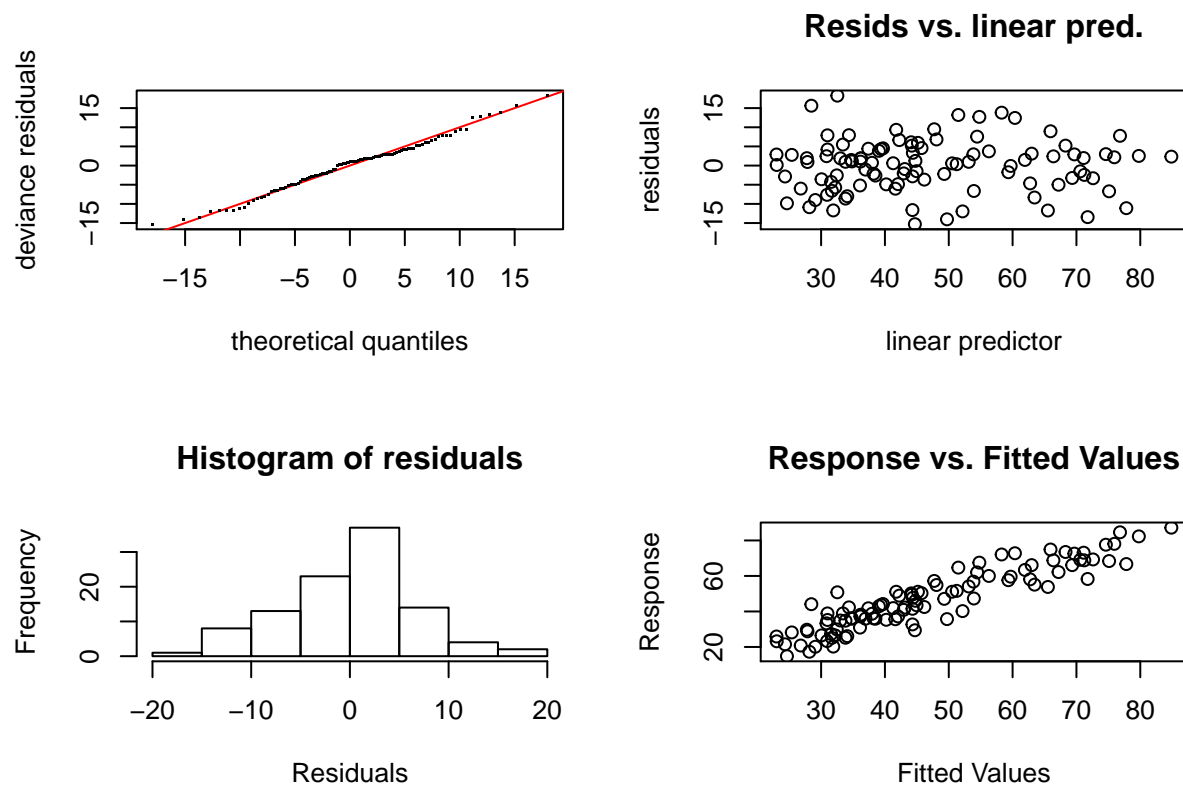
```
##
## Family: gaussian
## Link function: identity
##
## Formula:
## prestige ~ s(income, education)
##
## Parametric coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  46.8333     0.7138   65.61  <2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Approximate significance of smooth terms:
##              edf Ref.df      F p-value
## s(income,education) 4.94  6.303 75.41  <2e-16 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## R-sq.(adj) =  0.824   Deviance explained = 83.3%
## GCV = 55.188   Scale est. = 51.974       n = 102
# plot(modelo2, se = FALSE)
```

En este caso el coeficiente de determinación ajustado es menor...

10.1.5 Diagnósis del modelo

La función `gam.check` realiza una diagnósis del modelo:

```
gam.check(modelo)
```



```
##
## Method: GCV  Optimizer: magic
## Smoothing parameter selection converged after 4 iterations.
## The RMS GCV score gradient at convergence was 9.783945e-05 .
## The Hessian was positive definite.
## Model rank = 19 / 19
##
## Basis dimension (k) checking results. Low p-value (k-index<1) may
## indicate that k is too low, especially if edf is close to k'.
##
##           k'  edf k-index p-value
## s(income)  9.00 3.12   0.98   0.46
## s(education) 9.00 3.18   1.03   0.59
```

Lo ideal sería observar normalidad en los dos gráficos de la izquierda, falta de patrón en el superior derecho, y ajuste a una recta en el inferior derecho. En este caso parece que el modelo se comporta adecuadamente.

Capítulo 11

Programación

En este capítulo se introducirán los comandos básicos de programación en R...

11.1 Funciones

El lenguaje R permite al usuario definir sus propias funciones. El esquema de una función es el que sigue:

```
nombre <- function(arg1, arg2, ... ) {expresión}
```

- En la expresión anterior **arg1**, **arg2**, ... son los argumentos de entrada (también llamados parámetros).
- La **expresión** está compuesta de comandos que utilizan los argumentos de entrada para dar la **salida** deseada.
- La salida de una función puede ser un número, un vector, una grafica, un mensaje, etc.

11.1.1 Ejemplo: progresión geométrica

Para introducirnos en las funciones, vamos a escribir una función que permita trabajar con las llamadas **progresiones geométricas**.

Una progresión geométrica es una sucesión de números $a_1, a_2, a_3 \dots$ tales que cada uno de ellos (salvo el primero) es igual al anterior multiplicado por una constante llamada **razón**, que representaremos por r . Ejemplos:

- $a_1 = 1, r = 2$:
1, 2, 4, 8, 16,...
- $a_1 = -1, r = -2$:
1, -2, 4, -8, 16,...

Según la definición anterior, se verifica que:

$$a_2 = a_1 \cdot r; \quad a_3 = a_2 \cdot r = a_1 \cdot r^2; \quad \dots$$

y generalizando este proceso se obtiene el llamado término general:

$$a_n = a_1 \cdot r^{n-1}$$

También se puede comprobar que la suma de los n términos de la progresión es:

$$S_n = a_1 + \dots + a_n = \frac{a_1(r^n - 1)}{r - 1}$$

La siguiente función, que llamaremos `an` calcula el término a_n de una progresión geométrica pasando como entrada el primer elemento `a1`, la razón `r` y el valor `n`:

```
an <- function(a1, r, n) {
  a1 * r^(n - 1)
}
```

A continuación algún ejemplo para comprobar su funcionamiento:

```
an(a1 = 1, r = 2, n = 5)
```

```
## [1] 16
```

```
an(a1 = 4, r = -2, n = 6)
```

```
## [1] -128
```

```
an(a1 = -50, r = 4, n = 6)
```

```
## [1] -51200
```

Con la función anterior se pueden obtener, con una sola llamada, varios valores de la progresión:

```
an(a1 = 1, r = 2, n = 1:5)      # a1, ..., a5
```

```
## [1] 1 2 4 8 16
```

```
an(a1 = 1, r = 2, n = 10:15)   # a10, ..., a15
```

```
## [1] 512 1024 2048 4096 8192 16384
```

La función `Sn` calcula la suma de los primeros `n` elementos de la progresión:

```
Sn <- function(a1, r, n) {
  a1 * (r^n - 1) / (r - 1)
}
```

```
Sn(a1 = 1, r = 2, n = 5)
```

```
## [1] 31
```

```
an(a1 = 1, r = 2, n = 1:5)      # Valores de la progresión
```

```
## [1] 1 2 4 8 16
```

```
Sn(a1 = 1, r = 2, n = 1:5)      # Suma de los valores
```

```
## [1] 1 3 7 15 31
```

```
# cumsum(an(a1 = 1, r = 2, n = 1:5))
```

11.1.2 Argumentos de entrada

Como ya hemos comentado, los argumentos son los valores de entrada de una función.

- Por ejemplo, en la función anterior:

```
an <- function(a1, r, n) {a1 * r^(n - 1)}
```

los argumentos de entrada son `a1`, `r` y `n`.

Veamos alguna consideración sobre los argumentos:

- No es necesario utilizar el nombre de los argumentos. En este caso es obligatorio mantener el orden de entrada. Por ejemplo, las siguientes llamadas son equivalentes:

```
an(1, 2, 5)
```

```
## [1] 16
```

```
an(a1 = 1, r = 2, n = 5)
```

```
## [1] 16
```

- Si se nombran los argumentos, se pueden pasar en cualquier orden:

```
an(r = 2, n = 5, a1 = 1)
```

```
## [1] 16
```

```
an(n = 5, r = 2, a1 = 1)
```

```
## [1] 16
```

11.1.2.1 Argumentos por defecto

En muchas ocasiones resulta muy interesante que las funciones tengan argumentos por defecto.

Por ejemplo, si se quiere que en una función:

```
nombre <- function(arg1, arg2, arg3, arg4, ...) { expresión }
```

los argumento `arg2` y `arg3` tomen por defecto los valores `a` y `b` respectivamente bastaría con escribir:

```
nombre <- function(arg1, arg2 = a, arg3 = b, arg4, ...) { expresión }
```

Para comprender mejor esto considérese el siguiente ejemplo ilustrativo:

```
xy2 <- function(x = 2, y = 3) { x * y^2 }
xy2()
```

```
## [1] 18
```

```
xy2(x = 1, y = 4)
```

```
## [1] 16
```

```
xy2(y = 4)
```

```
## [1] 32
```

11.1.2.2 El argumento ...

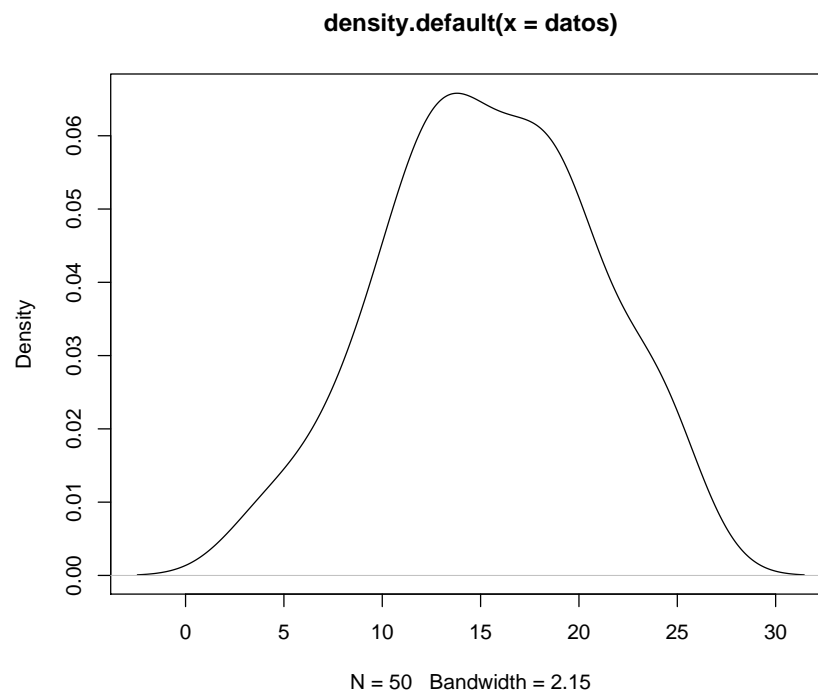
El argumento “...” permite pasar de manera “libre” argumentos adicionales para ser utilizados por otra “subfunción” dentro de la función principal.

Por ejemplo, en la función:

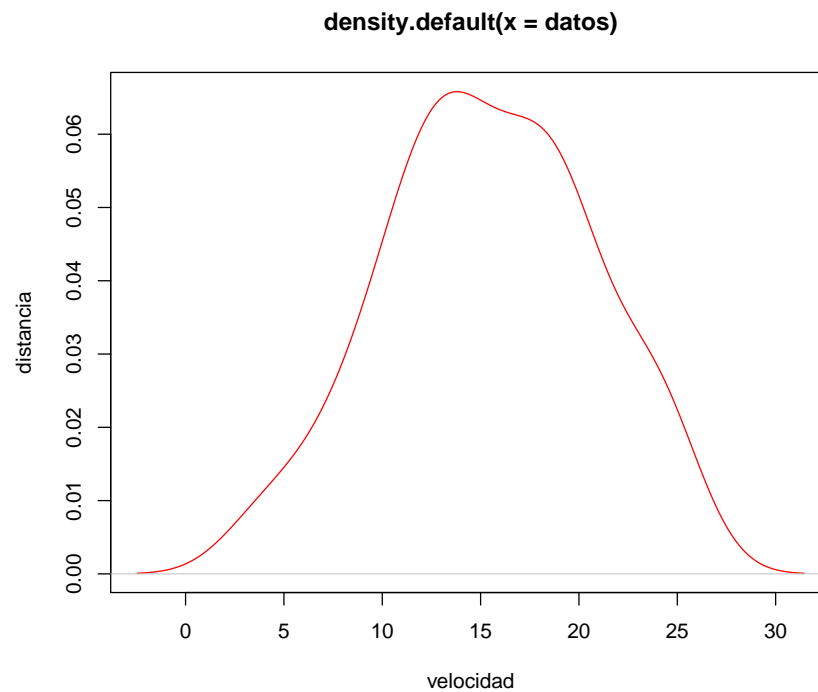
```
Density.Plot <- function(datos, ...) { plot(density(datos), ...) }
```

a partir del primer argumento, los argumentos se incluirán en ... y serán utilizados por la función `plot`.

```
data(cars)  
Density.Plot(cars$speed)
```



```
Density.Plot(cars$speed, col = 'red', xlab = "velocidad", ylab = "distancia")
```



Los argumentos de entrada de una función se obtienen ejecutando `args(funcion)`:

```
args(an)
```

```
## function (a1, r, n)
## NULL
```

```
args(xy2)
```

```
## function (x = 2, y = 3)
## NULL
```

```
str(args(Density.Plot))
```

```
## function (datos, ...)
```

Por otro lado, al escribir el nombre de una función se obtiene su contenido:

```
an
```

```
## function(a1, r, n) {
##     a1 * r^(n - 1)
## }
## <bytecode: 0x000000001d3f4ba0>
```

11.1.3 Salida

El valor que devolverá una función será:

- el último objeto evaluado dentro de ella, o
- lo indicado dentro de la sentencia **return**.

Como las funciones pueden devolver objetos de varios tipos es habitual que la salida sea una lista.

```

an <- function(a1, r, n) { a1 * r^(n - 1) }
Sn <- function(a1, r, n) { a1 * (r^n - 1) / (r - 1) }

asn <- function(a1 = 1, r = 2, n = 5) {
  A <- an(a1, r, n)
  S <- Sn(a1, r, n)
  ii <- 1:n
  AA <- an(a1, r, ii)
  SS <- Sn(a1, r, ii)
  return(list(an = A, Sn = S, salida = data.frame(valores = AA, suma = SS)))
}

```

La función `asn` utiliza las funciones `an` y `Sn` programadas antes y devuelve como salida una lista con las siguientes componentes:

- `an`: valor de a_n
- `Sn`: valor de S_n
- `salida`: data.frame con dos variables
 - `salida`: vector con las n primeras componentes de la progresión
 - `suma`: suma de las n primeras componentes

```
asn()
```

```

## $an
## [1] 16
##
## $Sn
## [1] 31
##
## $salida
##   valores suma
## 1      1    1
## 2      2    3
## 3      4    7
## 4      8   15
## 5     16   31

```

La salida de la función anterior es una lista y se puede acceder a los elementos de la misma:

```
res <- asn()
res$an
```

```
## [1] 16
```

```
res$Sn
```

```
## [1] 31
```

```
res$salida
```

```

##   valores suma
## 1      1    1
## 2      2    3
## 3      4    7
## 4      8   15
## 5     16   31

```


11.1.4 Otros ejemplos

11.1.4.1 Ejemplo: letra del DNI

A continuación se calculará la letra del DNI a partir de su correspondiente número. El método utilizado para obtener la letra del DNI consiste en dividir el número entre 23 y según el resto obtenido adjudicar la letra que figura en la siguiente tabla:

resto	letra	resto	letra	resto	letra
0	T	8	P	16	Q
1	R	9	D	17	V
2	W	10	X	18	H
3	A	11	B	19	L
4	G	12	N	20	C
5	M	13	J	21	K
6	Y	14	Z	22	E
7	F	15	S		

La siguiente función permite obtener la letra del DNI:

```
DNI <- function(numero) {
  letras <- c("T", "R", "W", "A", "G", "M", "Y", "F",
             "P", "D", "X", "B", "N", "J", "Z", "S",
             "Q", "V", "H", "L", "C", "K", "E")
  return(letras[numero %% 23 + 1])
}
```

```
DNI(50247828)
```

```
## [1] "G"
```

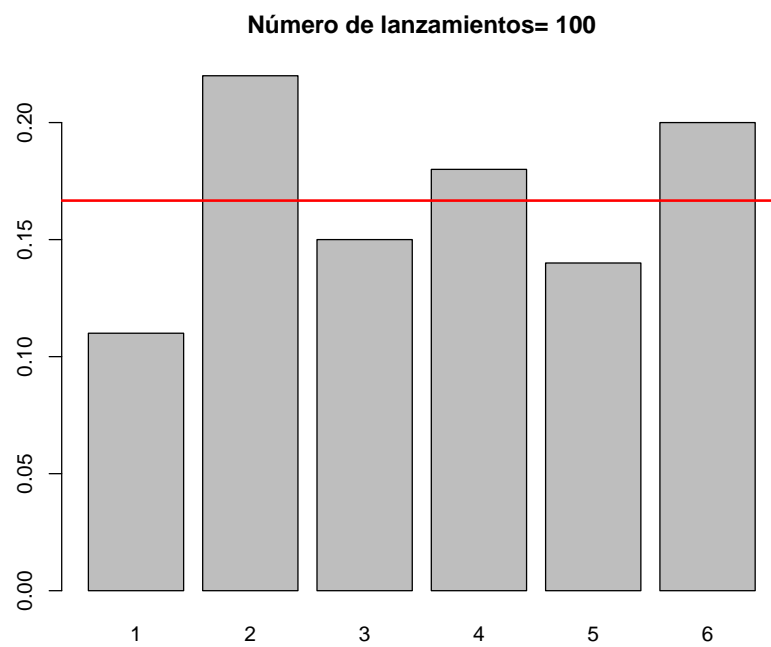
11.1.4.2 Ejemplo: simulación del lanzamiento de un dado

La siguiente función simula n (por defecto $n = 100$) lanzamientos de un dado. La función devuelve la tabla de frecuencias y realiza el correspondiente gráfico:

```
dado <- function(n = 100) {
  lanzamientos <- sample(1:6, n, rep = TRUE)
  frecuencias <- table(lanzamientos) / n
  barplot(frecuencias, main = paste("Número de lanzamientos=", n))
  abline(h = 1 / 6, col = 'red', lwd = 2)
  return(frecuencias)
}
```

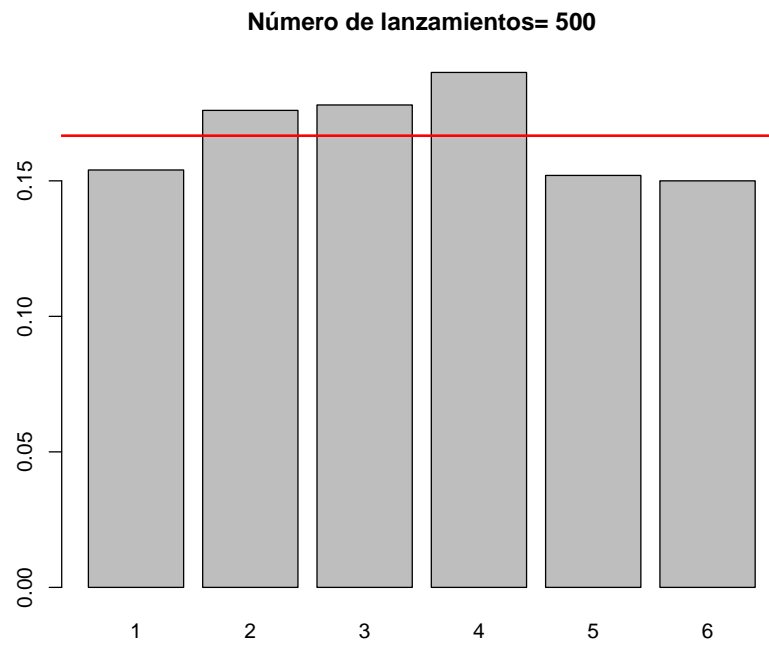
A continuación se muestran los resultados obtenidos para varias simulaciones:

```
dado(100)
```



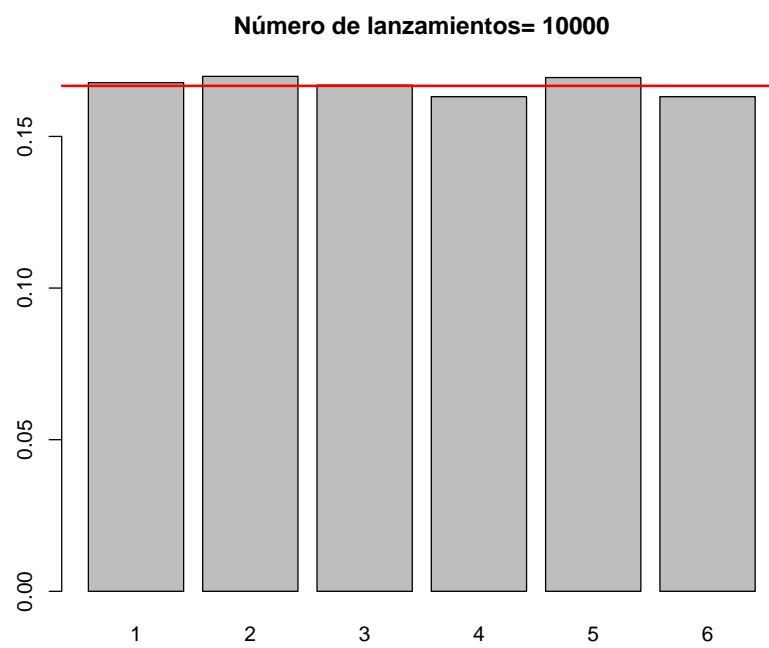
```
## lanzamientos
## 1 2 3 4 5 6
## 0.11 0.22 0.15 0.18 0.14 0.20
```

```
dado(500)
```



```
## lanzamientos
##      1      2      3      4      5      6
## 0.154 0.176 0.178 0.190 0.152 0.150
```

```
dato(10000)
```



```
## lanzamientos
##      1      2      3      4      5      6
## 0.1677 0.1698 0.1669 0.1631 0.1694 0.1631
```

Se puede comprobar que al aumentar el valor de n las frecuencias se aproximan al valor teórico $1/6 = 0.1667$.

11.1.5 Variables locales y globales

En R no es necesario declarar las variables usadas dentro de una función. Se utiliza la regla llamada “ámbito lexicográfico” para decidir si un objeto es local a una función o global.

Para entender mejor esto se consideran los siguientes ejemplos:

```
fun <- function() print(x)
x <- 1
fun()
```

```
## [1] 1
```

La variable `x` no está definida dentro de `fun`, así que R busca `x` en el entorno en el que se llamó a la función e imprimirá su valor.

Si `x` es utilizado como el nombre de un objeto dentro de la función, el valor de `x` en el ambiente global (fuera de la función) no cambia.

```
x <- 1
fun2 <- function() {
  x <- 2
  print(x)
}

fun2()
```

```
## [1] 2
```

```
x
```

```
## [1] 1
```

Para que el valor “global” de una variable pueda ser cambiado dentro de una función se utiliza la doble asignación `<<-`.

```
x <- 1
y <- 3
fun2 <- function() {
  x <- 2
  y <<- 5
  print(x)
  print(y)
}

fun2()
```

```
## [1] 2
```

```
## [1] 5
```

```
x # No cambió su valor
```

```
## [1] 1
```

```
y # Cambió su valor
```

```
## [1] 5
```

11.2 Ejecución condicional

Para hacer ejecuciones condicionales de código se usa el comando `if` con sintaxis:

```
if (condicion1) {expresión1} else {expresión2}
```

La siguiente función comprueba si un número es múltiplo de dos:

```
multiplo2 = function(x) {
  if (x %% 2 == 0) {
    print(paste(x, 'es múltiplo de dos'))
  } else {
    print(paste(x, 'no es múltiplo de dos'))
  }
}
```

```
multiplo2(5)
```

```
## [1] "5 no es múltiplo de dos"
```

```
multiplo2(-2.3)
```

```
## [1] "-2.3 no es múltiplo de dos"
```

```
multiplo2(10)
```

```
## [1] "10 es múltiplo de dos"
```

11.3 Bucles y vectorización

11.3.1 Bucles

R permite crear bucles repetitivos (loops) y la ejecución condicional de sentencias. R admite bucles `for`, `repeat` and `while`.

11.3.1.1 El bucle for

La sintaxis de un bucle `for` es la que sigue:

```
for (i in lista_de_valores) { expresión }
```

Por ejemplo, dado un vector x se puede calcular $y = x^2$ con el código:

```
x <- seq(-2, 2, 0.5)
n <- length(x)
y <- numeric(n) # Es necesario crear el objeto para acceder a los componentes...
for (i in 1:n) { y[i] <- x[i] ^ 2 }
x
```

```
## [1] -2.0 -1.5 -1.0 -0.5  0.0  0.5  1.0  1.5  2.0
```

```
y
## [1] 4.00 2.25 1.00 0.25 0.00 0.25 1.00 2.25 4.00
x^2
## [1] 4.00 2.25 1.00 0.25 0.00 0.25 1.00 2.25 4.00
```

Otro ejemplo:

```
for(i in 1:5) print(i)

## [1] 1
## [1] 2
## [1] 3
## [1] 4
## [1] 5
```

El siguiente código simula gráficamente el segundero de un reloj:

```
angulo <- seq(0, 360, length = 60)
radianes <- angulo * pi / 180
x <- cos(radianes)
y <- sin(radianes)

for (i in 1:360) {
  plot(y, x, axes = FALSE, xlab = "", ylab = "", type = 'l', col = 'grey')
  arrows(0, 0, y[i], x[i], col = 'blue')
  Sys.sleep(1) # espera un segundo
}
```

11.3.1.2 El bucle while

La sintaxis del bucle `while` es la que sigue:

```
while (condición lógica) { expresión }
```

Por ejemplo, si queremos calcular el primer número entero positivo cuyo cuadrado no excede de 5000, podemos hacer:

```
cuadrado <- 0
n <- 0
while (cuadrado <= 5000) {
  n <- n + 1
  cuadrado <- n^2
}
cuadrado
```

```
## [1] 5041
n
```

```
## [1] 71
n^2
```

```
## [1] 5041
```

Nota: Dentro de un bucle se puede emplear el comando `break` para terminarlo y el comando `next` para saltar a la siguiente iteración.

11.3.2 Vectorización

Como hemos visto en R se pueden hacer bucles. Sin embargo, es preferible evitar este tipo de estructuras y tratar de utilizar **operaciones vectorizadas** que son mucho más eficientes desde el punto de vista computacional.

Por ejemplo para sumar dos vectores se puede hacer con un `for`:

```
x <- c(1, 2, 3, 4)
y <- c(0, 0, 5, 1)
n <- length(x)
z <- numeric(n)
for (i in 1:n) {
  z[i] <- x[i] + y[i]
}
z
```

```
## [1] 1 2 8 5
```

Sin embargo, la operación anterior se podría hacer de modo más eficiente en modo vectorial:

```
z <- x + y
z
```

```
## [1] 1 2 8 5
```

11.3.3 Funciones `apply`

11.3.3.1 La función `apply`

Una forma de evitar la utilización de bucles es utilizando la sentica `apply` que permite evaluar una misma función en todas las filas, columnas, de un array de forma simultánea.

La sintaxis de esta función es:

```
apply(X, MARGIN, FUN, ...)
```

- `X`: matriz (o array)
- `MARGIN`: Un vector indicando las dimensiones donde se aplicará la función. 1 indica filas, 2 indica columnas, y `c(1,2)` indica filas y columnas.
- `FUN`: función que será aplicada.
- `...`: argumentos opcionales que serán usados por `FUN`.

Veamos la utilización de la función `apply` con un ejemplo:

```
x <- matrix(1:9, nrow = 3)
x
```

```
##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    4    7
## [2,]    2    5    8
## [3,]    3    6    9
```

```
apply(x, 1, sum)      # Suma por filas
```

```
## [1] 12 15 18
```

```
apply(x, 2, sum)      # Suma por columnas
```

```
## [1]  6 15 24
```

```

apply(x, 2, min)      # Mínimo de las columnas

## [1] 1 4 7
apply(x, 2, range)    # Rango (mínimo y máximo) de las columnas

##      [,1] [,2] [,3]
## [1,]    1    4    7
## [2,]    3    6    9

```

11.3.3.2 La función tapply

La función `tapply` es similar a la función `apply` y permite aplicar una función a los datos desagregados, utilizando como criterio los distintos niveles de una variable factor. La sintaxis de esta función es como sigue:

```
tapply(X, INDEX, FUN, ...)
```

- X: matriz (o array).
- INDEX: factor indicando los grupos (niveles).
- FUN: función que será aplicada.
- ...: argumentos opcionales.

Consideremos, por ejemplo, el data.frame `ChickWeight` con datos de un experimento relacionado con la repercusión de varias dietas en el peso de pollos.

```

data(ChickWeight)
head(ChickWeight)

##   weight Time Chick Diet
## 1     42    0     1    1
## 2     51    2     1    1
## 3     59    4     1    1
## 4     64    6     1    1
## 5     76    8     1    1
## 6     93   10     1    1

peso <- ChickWeight$weight
dieta <- ChickWeight$Diet
levels(dieta) <- c("Dieta 1", "Dieta 2", "Dieta 3", "Dieta 4")
tapply(peso, dieta, mean) # Peso medio por dieta

## Dieta 1 Dieta 2 Dieta 3 Dieta 4
## 102.6455 122.6167 142.9500 135.2627

tapply(peso, dieta, summary)

## $`Dieta 1`
##   Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
##   35.00  57.75   88.00 102.65 136.50 305.00
##
## $`Dieta 2`
##   Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
##   39.0   65.5   104.5   122.6 163.0   331.0
##
## $`Dieta 3`
##   Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
##   39.0   67.5   125.5   142.9 198.8   373.0

```



```
##
## $`Dieta 4`
##      Min. 1st Qu.  Median    Mean 3rd Qu.    Max.
##    39.00   71.25  129.50  135.26  184.75  322.00
```

Otro ejemplo:

```
provincia <- as.factor(c(1, 3, 4, 2, 4, 3, 2, 1, 4, 3, 2))
levels(provincia) = c("A Coruña", "Lugo", "Orense", "Pontevedra")
hijos <- c(1, 2, 0, 3, 4, 1, 0, 0, 2, 3, 1)
data.frame(provincia, hijos)
```

```
##      provincia hijos
## 1      A Coruña     1
## 2         Orense     2
## 3  Pontevedra     0
## 4         Lugo     3
## 5  Pontevedra     4
## 6         Orense     1
## 7         Lugo     0
## 8      A Coruña     0
## 9  Pontevedra     2
## 10        Orense     3
## 11         Lugo     1
```

```
tapply(hijos, provincia, mean) # Número medio de hijos por provincia
```

```
##      A Coruña      Lugo      Orense  Pontevedra
##    0.500000    1.333333    2.000000    2.000000
```

11.4 Aplicación: validación cruzada

Si deseamos evaluar la calidad predictiva de un modelo, lo ideal es disponer de suficientes datos para poder hacer dos grupos con ellos: una muestra de entrenamiento y otra de validación. Cuando hacer esto no es posible, disponemos como alternativa de la *validación cruzada*, una herramienta que permite estimar los errores de predicción utilizando una única muestra de datos. En su versión más simple (llamada en inglés *leave-one-out*):

- se utilizan todos los datos menos uno para realizar el ajuste, y se mide su error de predicción en el único dato no utilizado;
- a continuación se repite el proceso utilizando, uno a uno, todos los puntos de la muestra de datos;
- y finalmente se combinan todos los errores en un único error de predicción.

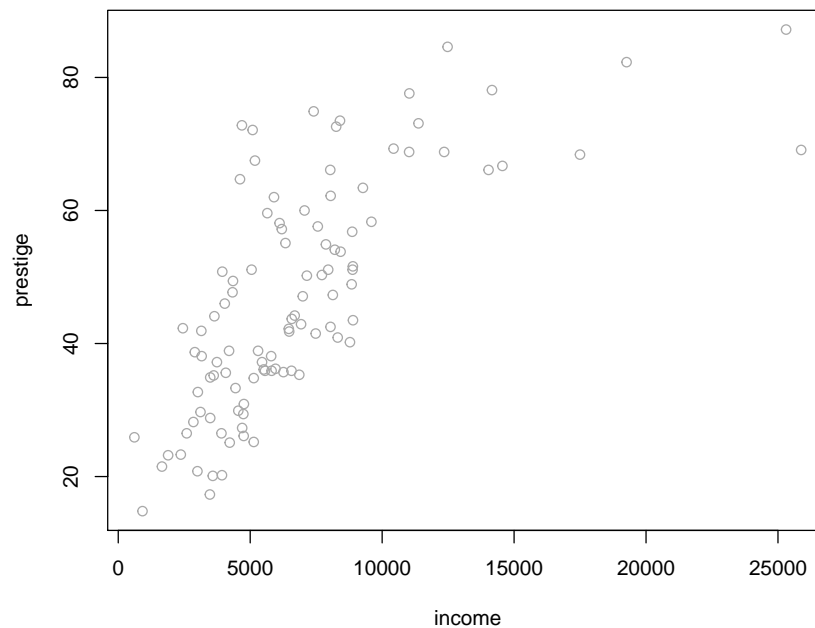
El proceso anterior se puede generalizar repartiendo los datos en distintos grupos, más o menos del mismo tamaño, y sustituyendo en la explicación anterior dato por grupo.

11.4.1 Primer ejemplo

Cuando disponemos de unos datos y los queremos ajustar utilizando un modelo que depende de un parámetro, por ejemplo un modelo de regresión polinómico que depende del grado del polinomio, podemos utilizar la validación cruzada para seleccionar el grado del polinomio que debemos utilizar.

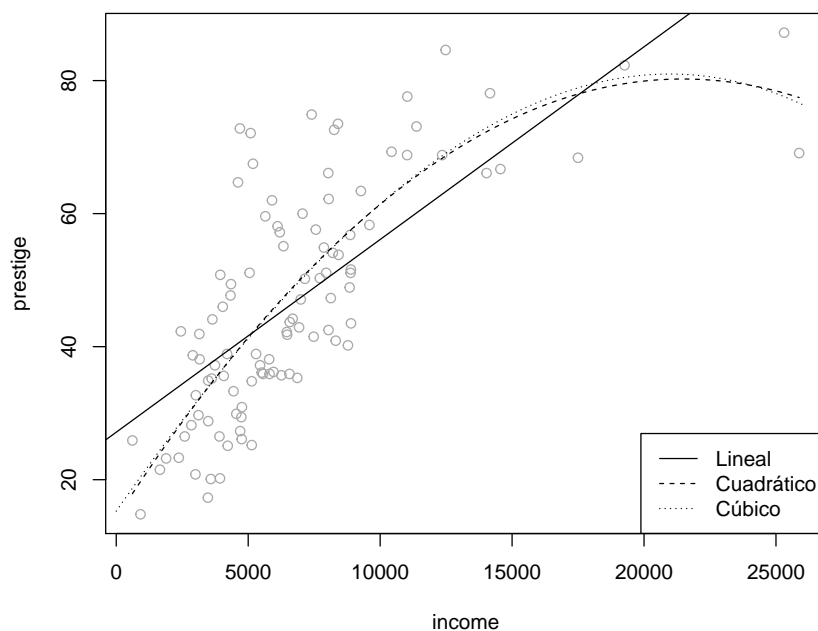
Véámoslo utilizando las variables *income* y *prestige* de la base de datos *Prestige*, incluida en el paquete *car*.

```
library(car)
plot(prestige ~ income, data = Prestige, col = 'darkgray')
```



Representemos, gráficamente, los ajustes lineal, cuadrático y cúbico.

```
plot(prestige ~ income, data = Prestige, col = 'darkgray')
# Ajuste lineal
abline(lm(prestige ~ income, data = Prestige))
# Ajuste cuadrático
modelo <- lm(prestige ~ income + I(income^2), data = Prestige)
parest <- coef(modelo)
curve(parest[1] + parest[2]*x + parest[3]*x^2, lty = 2, add = TRUE)
# Ajuste cúbico
modelo <- lm(prestige ~ poly(income, 3), data = Prestige)
valores <- seq(0, 26000, len = 100)
pred <- predict(modelo, newdata = data.frame(income = valores))
lines(valores, pred, lty = 3)
legend("bottomright", c("Lineal", "Cuadrático", "Cúbico"), lty = 1:3)
```

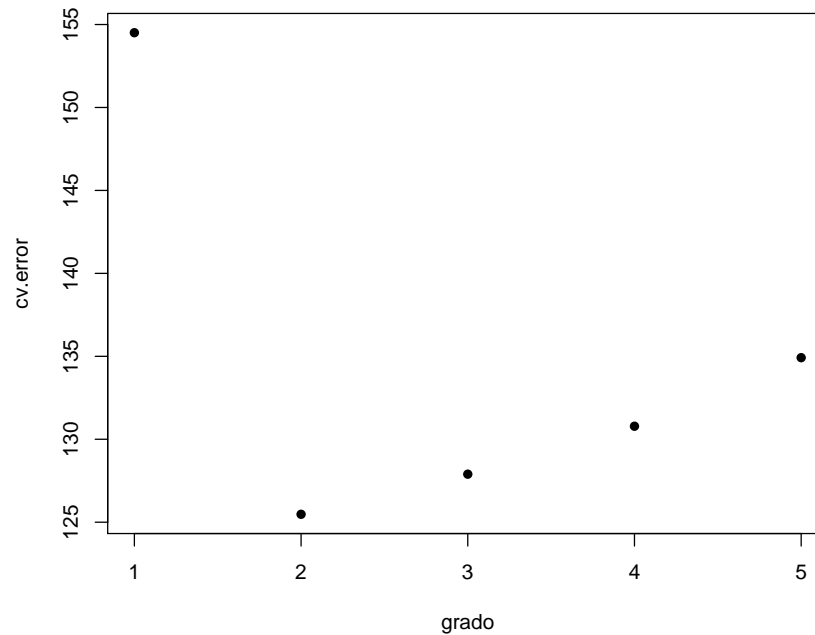


Vamos a escribir una función que nos devuelva, para cada dato (fila) de *Prestige*, la predicción en ese punto ajustando el modelo con todos los demás puntos.

```
cv.lm <- function(formula, datos) {
  n <- nrow(datos)
  cv.pred <- numeric(n)
  for (i in 1:n) {
    modelo <- lm(formula, datos[-i, ])
    cv.pred[i] <- predict(modelo, newdata = datos[i, ])
  }
  return(cv.pred)
}
```

Por último, calculamos el error de predicción (en este caso el *error cuadrático medio*) en los datos de validación. Repetimos el proceso para cada valor del parámetro (grado del ajuste polinómico) y minimizamos.

```
grado <- 1:5
cv.error <- numeric(5)
for(p in grado){
  cv.pred <- cv.lm(prestige ~ poly(income, p), Prestige)
  cv.error[p] <- mean((cv.pred - Prestige$prestige)^2)
}
plot(grado, cv.error, pch=16)
```



```
grado[which.min(cv.error)]
```

```
## [1] 2
```

11.4.2 Segundo ejemplo

En este segundo ejemplo vamos a aplicar una técnica de modelado *local* al problema de regresión del ejemplo anterior. El enfoque es *data-analytic* en el sentido de que no nos limitamos a una familia de funciones que dependen de unos parámetros (enfoque paramétrico), que son los que tenemos que determinar, sino que las funciones de regresión están determinadas por los datos. Aun así, sigue habiendo un parámetro que controla el proceso, cuyo valor debemos fijar siguiendo algún criterio de optimalidad.

Vamos a realizar, utilizando la función `loess`, un *ajuste polinómico local robusto*, que depende del parámetro `span`, que podemos interpretar como la proporción de datos empleada en el ajuste.

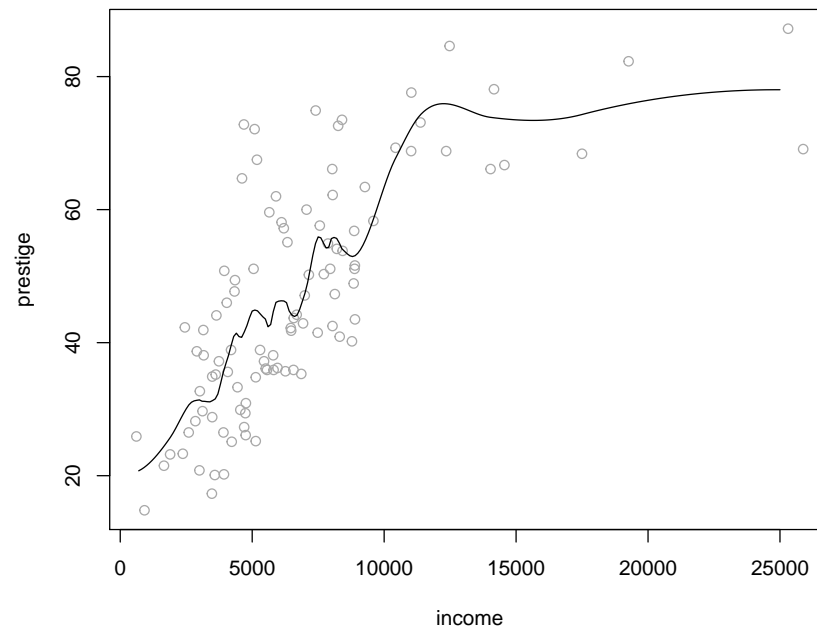
Utilizando un valor `span=0.25`:

```
plot

```

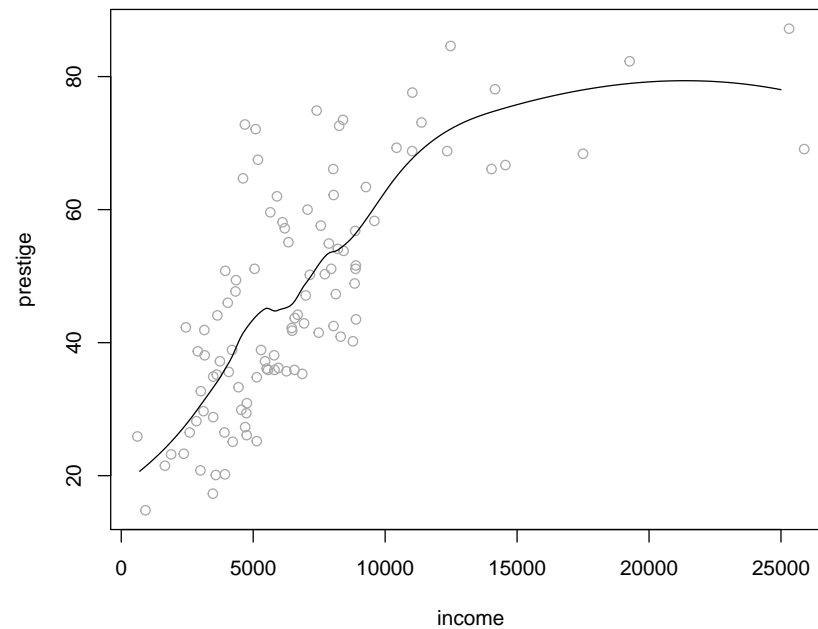
prestige ~ income, Prestige, col = 'darkgray')
fit <- loess(prestige ~ income, Prestige, span = 0.25)
valores <- seq(0, 25000, 100)
pred <- predict(fit, newdata = data.frame(income = valores))
lines(valores, pred)
```


```



Si utilizamos `span=0.5`:

```
plot(prestige ~ income, Prestige, col = 'darkgray')
fit <- loess(prestige ~ income, Prestige, span = 0.5)
valores <- seq(0, 25000, 100)
pred <- predict(fit, newdata = data.frame(income = valores))
lines(valores, pred)
```



Nuestro objetivo es seleccionar un valor razonable para `span`, y lo vamos a hacer utilizando validación cruzada y minimizando el error cuadrático medio de la predicción en los datos de validación.

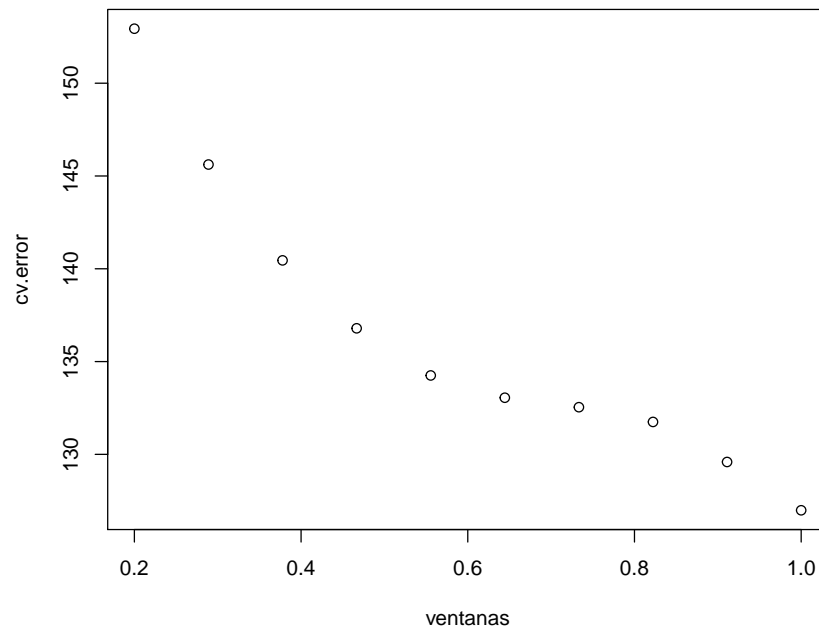
Utilizando la función

```
cv.loess <- function(formula, datos, p) {
  n <- nrow(datos)
  cv.pred <- numeric(n)
  for (i in 1:n) {
    modelo <- loess(formula, datos[-i, ], span = p,
                     control = loess.control(surface = "direct"))
    # control = loess.control(surface = "direct") permite extrapolaciones
    cv.pred[i] <- predict(modelo, newdata = datos[i, ])
  }
  return(cv.pred)
}
```

y procediendo de modo similar al caso anterior:

```
ventanas <- seq(0.2, 1, len = 10)
np <- length(ventanas)
cv.error <- numeric(np)
for(p in 1:np){
  cv.pred <- cv.loess(prestige ~ income, Prestige, ventanas[p])
  cv.error[p] <- mean((cv.pred - Prestige$prestige)^2)
  # cv.error[p] <- median(abs(cv.pred - Prestige$prestige))
}

plot(ventanas, cv.error)
```



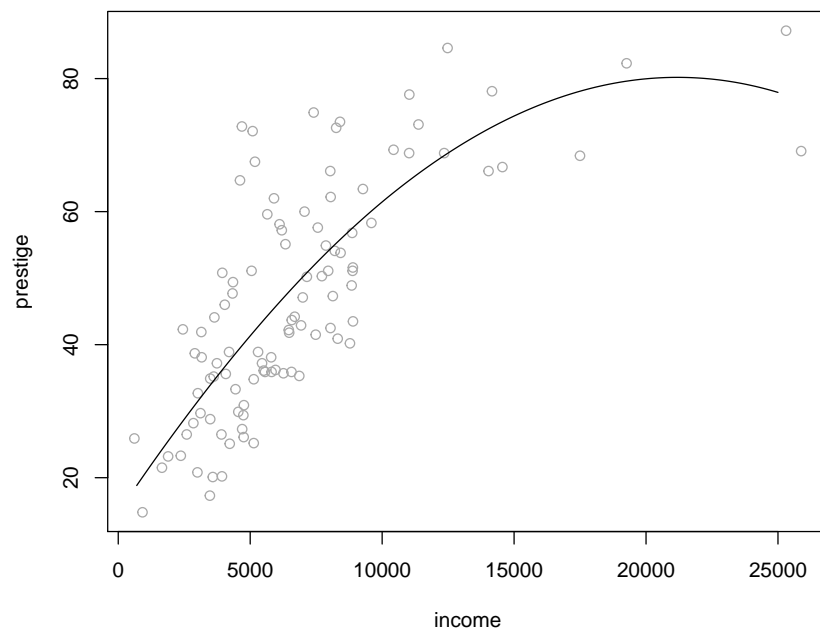
obtenemos la ventana “óptima” (en este caso el valor máximo):

```
span <- ventanas[which.min(cv.error)]  
span
```

```
## [1] 1
```

y la correspondiente estimación:

```
plot(prestige ~ income, Prestige, col = 'darkgray')  
fit <- loess(prestige ~ income, Prestige, span = span)  
valores <- seq(0, 25000, 100)  
pred <- predict(fit, newdata = data.frame(income = valores))  
lines(valores, pred)
```



Capítulo 12

Generación de informes

12.1 R Markdown

R-Markdown es recomendable para difundir análisis realizados con R en formato HTML, PDF y DOCX (Word), entre otros.

12.1.1 Introducción

R-Markdown permite combinar Markdown con R. Markdown se diseñó inicialmente para la creación de páginas web a partir de documentos de texto de forma muy sencilla y rápida (tiene unas reglas sintácticas muy simples). Actualmente gracias a múltiples herramientas como pandoc permite generar múltiples tipos de documentos (incluido LaTeX; ver Pandoc Markdown)

Para más detalles ver <http://rmarkdown.rstudio.com>.

También se dispone de información en la ayuda de *RStudio*:

- *Help > Markdown Quick Reference*
- *Help > Cheatsheets > R Markdown Cheat Sheet*
- *Help > Cheatsheets > R Markdown Reference Guide*

Al renderizar un fichero rmarkdown se generará un documento que incluye el código R y los resultados incrustados en el documento. En *RStudio* basta con hacer clic en el botón **Knit HTML**. En R se puede emplear la función `render` del paquete *rmarkdown* (por ejemplo: `render("8-Informes.Rmd")`). También se puede abrir directamente el informe generado:

```
library(rmarkdown)
browseURL(url = render("8-Informes.Rmd"))
```

12.1.2 Inclusión de código R

Se puede incluir código R entre los delimitadores ````\r{}```` y `````. Por defecto, se mostrará el código, se evaluará y se mostrarán los resultados justo a continuación:

```
head(mtcars[1:3])
```

```
##                mpg cyl  disp
## Mazda RX4      21.0   6   160
```

```
## Mazda RX4 Wag      21.0   6  160
## Datsun 710         22.8   4  108
## Hornet 4 Drive     21.4   6  258
## Hornet Sportabout  18.7   8  360
## Valiant            18.1   6  225
```

```
summary(mtcars[1:3])
```

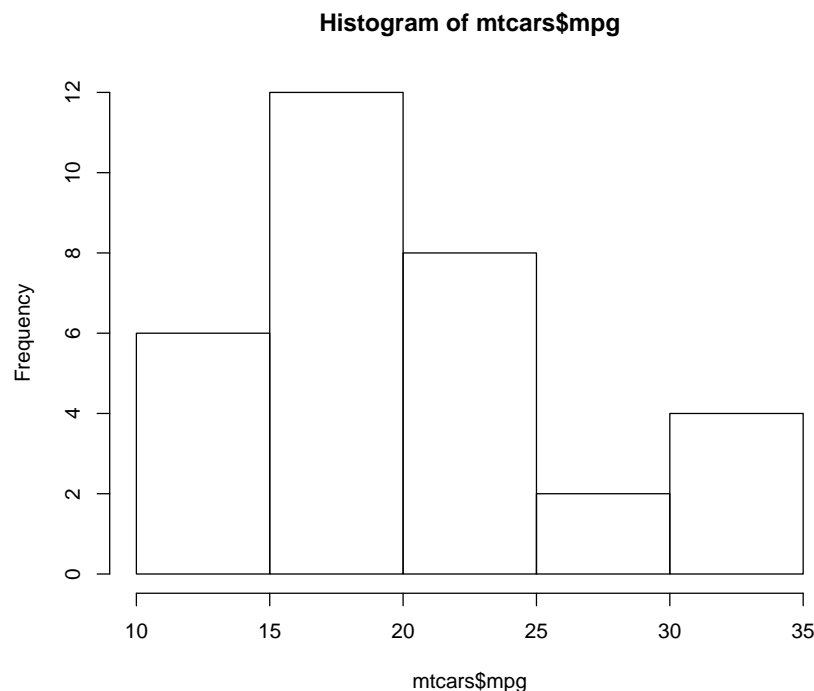
```
##      mpg      cyl      disp
##  Min.   :10.40  Min.    :4.000  Min.    : 71.1
##  1st Qu.:15.43  1st Qu.:4.000  1st Qu.:120.8
##  Median :19.20  Median :6.000  Median :196.3
##  Mean   :20.09  Mean   :6.188  Mean   :230.7
##  3rd Qu.:22.80  3rd Qu.:8.000  3rd Qu.:326.0
##  Max.   :33.90  Max.   :8.000  Max.   :472.0
```

En *RStudio* pulsando “Ctrl + Alt + I” o en el icono correspondiente se incluye un trozo de código.

Se puede incluir código en línea empleando ``r código``, por ejemplo ``r 2 + 2`` produce 4.

12.1.3 Inclusión de gráficos

Se pueden generar gráficos:



Los trozos de código pueden tener nombre y opciones, se establecen en la cabecera de la forma ````{r nombre, op1, op2}` (en el caso anterior no se muestra el código, al haber empleado ````{r, echo=FALSE}`). Para un listado de las opciones disponibles ver <http://yihui.name/knitr/options>.

En *RStudio* se puede pulsar en los iconos a la derecha del chunk para establecer opciones, ejecutar todo el código anterior o sólo el correspondiente trozo.

Tabla 12.2: Una kable knitr

	mpg	cyl	disp	hp	drat	wt	qsec	vs	am	gear	carb
Mazda RX4	21.0	6	160	110	3.90	2.620	16.46	0	1	4	4
Mazda RX4 Wag	21.0	6	160	110	3.90	2.875	17.02	0	1	4	4
Datsun 710	22.8	4	108	93	3.85	2.320	18.61	1	1	4	1
Hornet 4 Drive	21.4	6	258	110	3.08	3.215	19.44	1	0	3	1
Hornet Sportabout	18.7	8	360	175	3.15	3.440	17.02	0	0	3	2
Valiant	18.1	6	225	105	2.76	3.460	20.22	1	0	3	1

12.1.4 Inclusión de tablas

Las tablas en markdown son de la forma:

```
| First Header | Second Header |
| ----- | ----- |
| Row1 Cell1 | Row1 Cell2 |
| Row2 Cell1 | Row2 Cell2 |
```

Por ejemplo:

Variable	Descripción
mpg	Millas / galón (EE.UU.)
cyl	Número de cilindros
disp	Desplazamiento (pulgadas cúbicas)
hp	Caballos de fuerza bruta
drat	Relación del eje trasero
wt	Peso (miles de libras)
qsec	Tiempo de 1/4 de milla
vs	Cilindros en V/Straight (0 = cilindros en V, 1 = cilindros en línea)
am	Tipo de transmisión (0 = automático, 1 = manual)
gear	Número de marchas (hacia adelante)
carb	Número de carburadores

Para convertir resultados de R en tablas de una forma simple se puede emplear la función `ktable` del paquete *knitr*:

```
knitr::kable(
  head(mtcars),
  caption = "Una kable knitr"
)
```

Otros paquetes proporcionan opciones adicionales: *xtable*, *stargazer*, *pander*, *tables* y *ascii*.

12.1.5 Extracción del código R

Para generar un fichero con el código R se puede emplear la función `purl` del paquete *knitr*. Por ejemplo:

```
purl("8-Informes.Rmd")
```

Si se quiere además el texto rmarkdown como comentarios tipo *spin*, se puede emplear:

```
purl("8-Informes.Rmd", documentation = 2)
```

12.2 Spin

Una forma rápida de crear este tipo de informes a partir de un fichero de código R es emplear la función `spin` del paquete *knitr* (ver p.e. <http://yihui.name/knitr/demo/stitch>).

Para ello se debe comentar todo lo que no sea código R de una forma especial:

- El texto `rmarkdown` se comenta con `#'`. Por ejemplo:

```
#' # Este es un título de primer nivel
#' ## Este es un título de segundo nivel
```

- Las opciones de un trozo de código se comentan con `#+`. Por ejemplo:

```
#+ setup, include=FALSE
opts_chunk$set(comment=NA, prompt=TRUE, dev='svg', fig.height=6, fig.width=6)
```

Para generar el informe se puede emplear la función `spin` del paquete *knitr*. Por ejemplo: `spin("Ridge_Lasso.R")`. También se podría abrir directamente el informe generado:

```
browseURL(url = knitr::spin("Ridge_Lasso.R"))
```

Pero puede ser recomendable renderizarlo con `rmarkdown`:

```
library(rmarkdown)
browseURL(url = render(knitr::spin("Ridge_Lasso.R", knit = FALSE)))
```

En *RStudio* basta con pulsar “Ctrl + Shift + K” o seleccionar *File > Knit Document* (en las últimas versiones también *File > Compile Notebook* o hacer clic en el icono correspondiente).

Referencias

Ver Apéndice A.

Bibliografía complementaria

Beeley (2015). *Web Application Development with R Using Shiny*. Packt Publishing.

Bivand *et al.* (2008). *Applied Spatial Data Analysis with R*. Springer.

James *et al.* (2008). *An Introduction to Statistical Learning: with Applications in R*. Springer.

Kolaczyk y Csárdi (2014). *Statistical analysis of network data with R*. Springer.

Munzert *et al.* (2014). *Automated Data Collection with R: A Practical Guide to Web Scraping and Text Mining*. Wiley.

Ramsay *et al.* (2009). *Functional Data Analysis with R and MATLAB*. Springer.

Van der Loo y de Jonge (2012). *Learning RStudio for R Statistical Computing*. Packt Publishing.

Williams (2011). *Data Mining with Rattle and R*. Springer.

Wood (2006). *Generalized Additive Models: An Introduction with R*. Chapman.

Yihui Xie (2015). *Dynamic Documents with R and knitr*. Chapman.

Apéndice A

Enlaces

Recursos para el aprendizaje de R (<https://rubenfcasal.github.io/post/ayuda-y-recursos-para-el-aprendizaje-de-r>): A continuación se muestran algunos recursos que pueden ser útiles para el aprendizaje de R y la obtención de ayuda...

Ayuda online:

- Ayuda en línea sobre funciones o paquetes: RDocumentation
- Buscador RSeek
- StackOverflow

Cursos: algunos cursos gratuitos:

- Coursera:
 - Introducción a Data Science: Programación Estadística con R
 - Mastering Software Development in R
- DataCamp:
 - Introducción a R
- Stanford online:
 - Statistical Learning
- Curso UCA: Introducción a R, R-commander y shiny
- Udacity: Data Analysis with R
- Swirl Courses: se pueden hacer cursos desde el propio R con el paquete swirl.

Para información sobre cursos en castellano se puede recurrir a la web de R-Hispano en el apartado formación. Algunos de los cursos que aparecen en entradas antiguas son gratuitos. Ver: Cursos MOOC relacionados con R.

Libros

- ***Iniciación:***
 - 2011 - The Art of R Programming. A Tour of Statistical Software Design, (No Starch Press)
 - R for Data Science (online, O'Reilly)
 - Hands-On Programming with R: Write Your Own Functions and Simulations, by Garrett Grolemund (O'Reilly)

- **Avanzados:**
 - 2008 - Software for Data Analysis: Programming with R - Chambers (Springer)
 - Advanced R by Hadley Wickham (online: 1ª ed, 2ª ed, Chapman & Hall)
 - R packages by Hadley Wickham (online, O'Reilly)
- **Bookdown:** el paquete `bookdown` de R permite escribir libros empleando R Markdown y compartirlos. En <https://bookdown.org> está disponible una selección de libros escritos con este paquete (un listado más completo está disponible aquí). Algunos libros en este formato en castellano son:
 - Prácticas de Simulación (disponible en el repositorio de GitHub [rubenfcasal/simbook](https://github.com/rubenfcasal/simbook)).
 - Escritura de libros con bookdown (disponible en el repositorio de GitHub [rubenfcasal/bookdown_intro](https://github.com/rubenfcasal/bookdown_intro)).
 - R para profesionales de los datos: una introducción.
 - Estadística Básica Edulcorada.

Material online: en la web se puede encontrar mucho material adicional, por ejemplo:

- CRAN: Other R documentation
- Blogs en inglés:
 - <https://www.r-bloggers.com/>
 - <https://www.littlemissdata.com/blog/rstudioconf2019>
 - RStudio: <https://blog.rstudio.com>
 - Microsoft Revolutions: <https://blog.revolutionanalytics.com>
- Blogs en castellano:
 - <https://www.datanalytics.com>
 - <http://oscarperpinan.github.io/R>
 - <http://rubenfcasal.github.io>
- Listas de correo:
 - Listas de distribución de r-project.org: <https://stat.ethz.ch/mailman/listinfo>
 - Búsqueda en R-help: <http://r.789695.n4.nabble.com/R-help-f789696.html>
 - Búsqueda en R-help-es: <https://r-help-es.r-project.narkive.com>
<https://grokbase.com/g/r/r-help-es>
 - Archivos de R-help-es: <https://stat.ethz.ch/pipermail/r-help-es>

A.1 RStudio

RStudio:

- Online learning
- Webinars
- sparklyr
- shiny

tidyverse:

- dplyr
- tibble
- tidyr
- stringr
- readr
- Databases using R, dplyr as a database interface


CheatSheets:

- rmarkdown
- shiny
- dplyr
- tidyr
- stringr

Apéndice B

Instalación de R

En la web del proyecto R (www.r-project.org) está disponible mucha información sobre este entorno estadístico.



[Home]

Download

[CRAN](#)

R Project

[About R](#)

[Logo](#)

[Contributors](#)

[What's New?](#)

[Reporting](#)

[Bugs](#)

[Development](#)

[Site](#)

[Conferences](#)

[Search](#)

The R Project for Statistical Computing


Getting Started

R is a free software environment for statistical computing and graphics. It compiles and runs on a wide variety of UNIX platforms, Windows and MacOS. To **download R**, please choose your preferred [CRAN mirror](#).

If you have questions about R like how to download and install the software, or what the license terms are, please read our [answers to frequently asked questions](#) before you send an email.

News

- The R Foundation welcomes five new ordinary members: Jennifer Bryan, Dianne Cook, Julie Josse, Tomas Kalibera, and Balasubramanian Narasimhan.



CRAN

[Mirrors](#)

[What's new?](#)

[Task Views](#)

[Search](#)

About R

[R Homepage](#)

[The R Journal](#)

Software

[R Sources](#)

[R Binaries](#)

[Packages](#)

[Other](#)

Documentation

[Manuals](#)

[FAQs](#)

[Contributed](#)

The Comprehensive R Archive

Download and Install R

Precompiled binary distributions of the base and contributed packages, **Windows and Mac** users want one of these versions of R:

- [Download R for Linux](#)
- [Download R for \(Mac\) OS X](#)
- [Download R for Windows](#)

R is part of many Linux distributions, you should check your Linux package management system in a moment above.

Source Code for all Platforms

Windows and Mac users most likely want to download precompiled binaries listed in the upper box, source code. The sources have to be compiled before use. If you do not know what this means, you probably don't want to do it!

- The latest release (Monday 2016-10-31 15:00 UTC) [R-3.3.2.tar.gz](#), read [what's new](#) for details.
- Sources of [R alpha and beta releases](#) (development versions)

R-project

CRAN

Las descargas se realizan a través de la web del CRAN (The Comprehensive R Archive Network), con múltiples mirrors:

- Oficina de software libre (CIXUG)* ftp.cixug.es/CRAN.
- Spanish National Research Network (Madrid)* (RedIRIS) [es cran.es.r-project.org](http://cran.es.r-project.org).

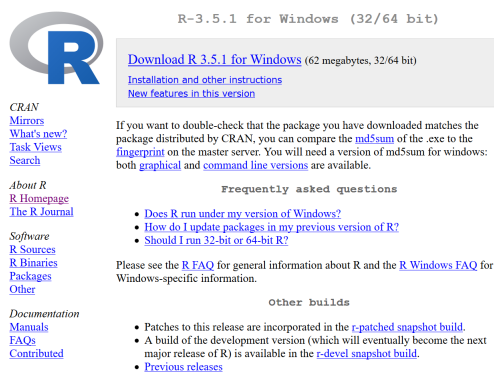


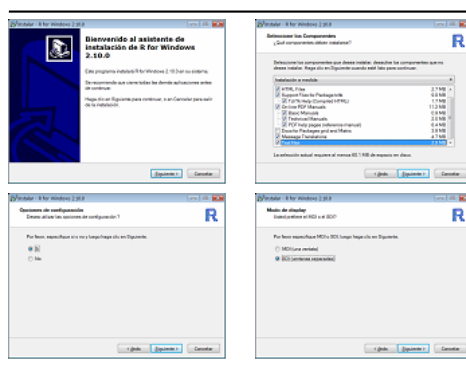
Figura B.1:

B.1 Instalación de R en Windows

Seleccionando Download R for Windows y posteriormente base accedemos al enlace con el instalador de R para Windows (actualmente de la versión 3.6.1).

B.1.1 Asistente de instalación

Durante el proceso de instalación la recomendación (para evitar posibles problemas) es seleccionar ventanas simples SDI en lugar de múltiples ventanas MDI (hay que *utilizar opciones de configuración*).



Una vez terminada la instalación, al abrir el programa R, aparece la ventana de la consola (simula una ventana de comandos de Unix) que permite ejecutar comandos de R al irlos introduciendo.

B.1.2 Instalación de paquetes

Después de la instalación de R, puede ser necesario instalar paquetes adicionales.

Para ejecutar los ejemplos mostrados en el libro será necesario tener instalados los siguientes paquetes: `lattice`, `ggplot2`, `foreign`, `car`, `leaps`, `MASS`, `RcmdrMisc`, `lmttest`, `glmnet`, `mgcv`, `rmarkdown`, `knitr`, `dplyr`. Por ejemplo mediante el comando:

```
pkgs <- c("lattice", "ggplot2", "foreign", "car", "leaps", "MASS", "RcmdrMisc",
          "lmttest", "glmnet", "mgcv", "rmarkdown", "knitr", "dplyr")

install.packages(setdiff(pkgs, installed.packages()[,"Package"]), dependencies = TRUE)
# Si aparecen errores debidos a incompatibilidades entre las versiones de los paquetes,
# probar a ejecutar en lugar de lo anterior:
# install.packages(pkgs, dependencies=TRUE) # Instala todos...
```

(puede que haya que seleccionar el repositorio de descarga, e.g. *Spain (Madrid)*).

La forma tradicional es esta:

Apéndice C

Interfaces gráficas

Aunque la consola de R dispone de un editor básico de código (script), puede ser recomendable trabajar con un editor de comandos más cómodo y flexible.

En los últimos años han surgido *interfaces gráficas* que permiten realizar las operaciones más comunes a través de periféricos como el ratón. Una lista de de estas interfaces puede ser encontrada en www.sciviews.org/SciViews-R

C.1 RStudio

Un entorno de R muy recomendable es el **RStudio**, <http://rstudio.org>:

Para instalarlo descargar el archivo de instalación de <http://rstudio.org/download/desktop>.

C.2 RCommander

RCommander es una de las interfaces más populares para R. Algunas de sus ventajas son:

- Se distribuye también bajo licencia GPL de GNU
- Fácil instalación
- Numerosa documentación en castellano
- Adecuado para la iniciación en la Estadística
- Introduce a la programación de R al mostrar el código asociado a las acciones de los menús.

C.2.1 Instalación de R-Commander

Por ejemplo, la instalación de la interfaz gráfica R-Commander se puede hacer directamente desde la ventana de consola tecleando

```
> install.packages("Rcmdr")
```

Otra posibilidad es seleccionar el menú **Paquetes e Instalar paquetes...**

A continuación se abrirá una nueva ventana con todos los posibles espejos, donde conviene seleccionar el espejo de Madrid.

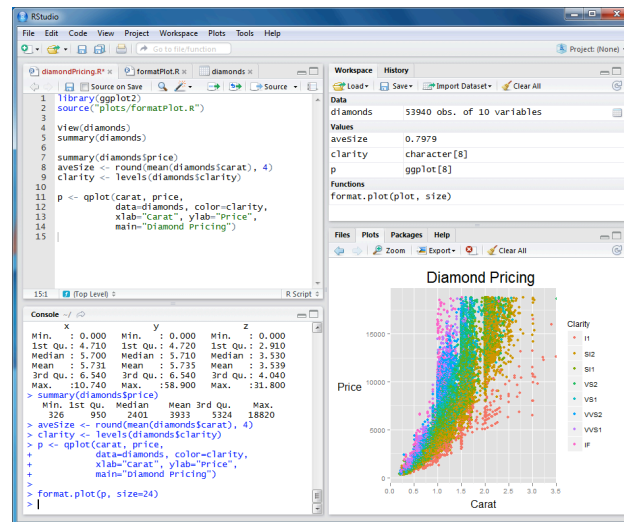


Figura C.1:

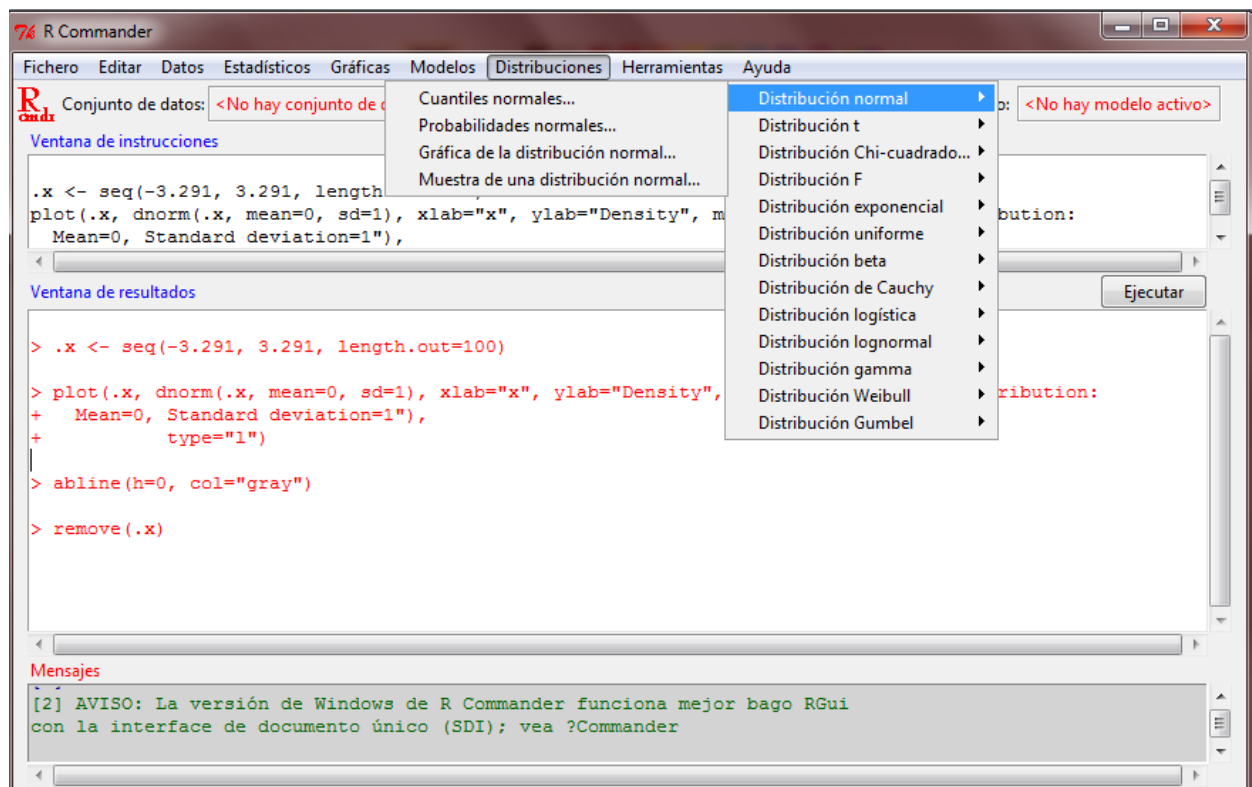


Figura C.2:

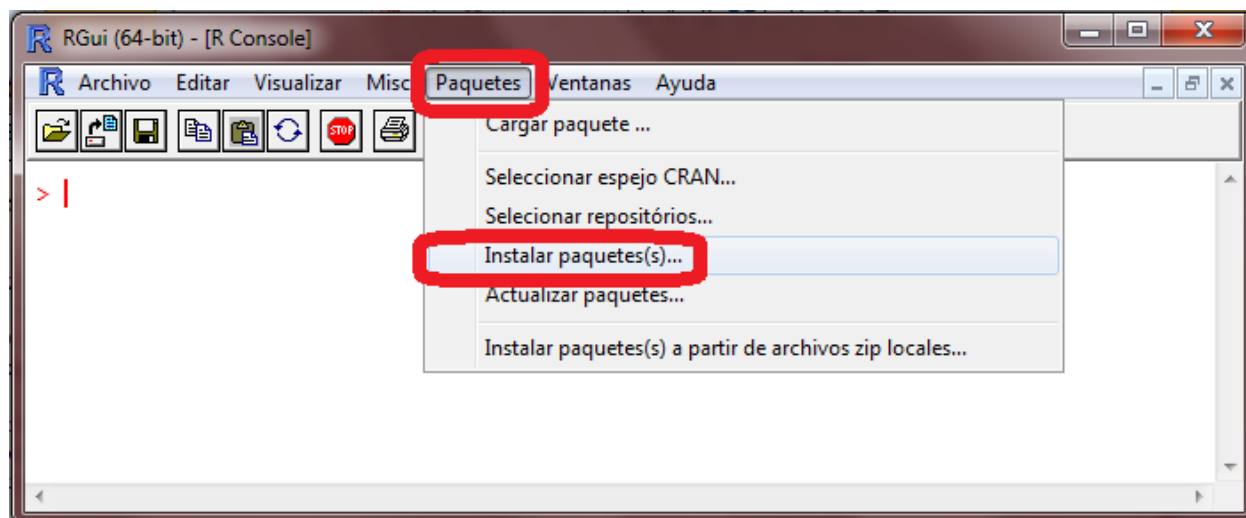


Figura C.3:

Una vez elegido el espejo (figura de la izquierda) se seleccionará el paquete `Rcmdr` (figura de la derecha).

El programa R realizará la correspondiente instalación y, una vez finalizada, mostrará la pantalla de consola. Entonces se escribe en la consola

```
>library(Rcmdr)
```

y se abrirá la siguiente ventana de R-Commander.

La ayuda sobre este paquete se obtiene con

```
>help(package="Rcmdr")
```

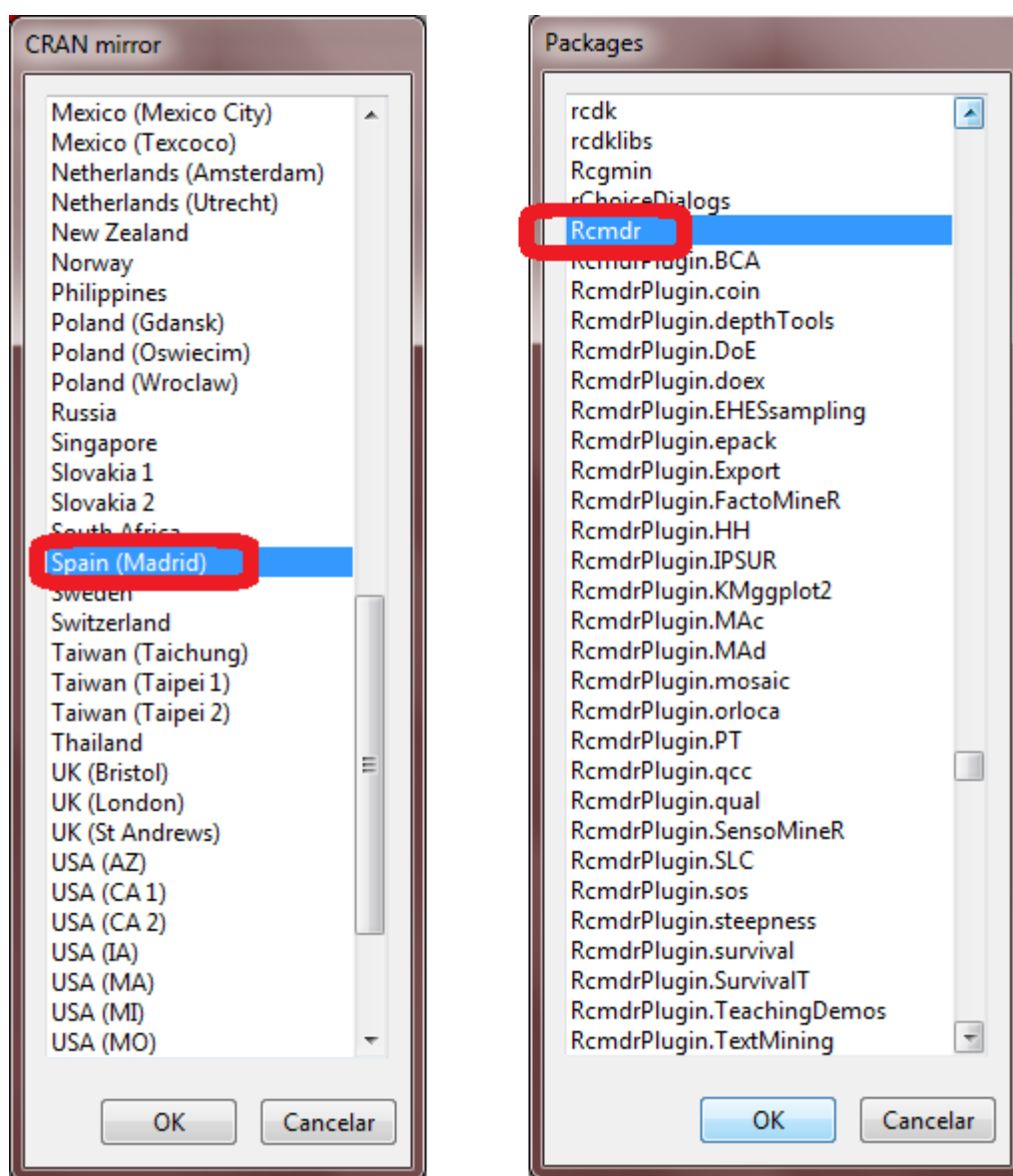


Figura C.4:

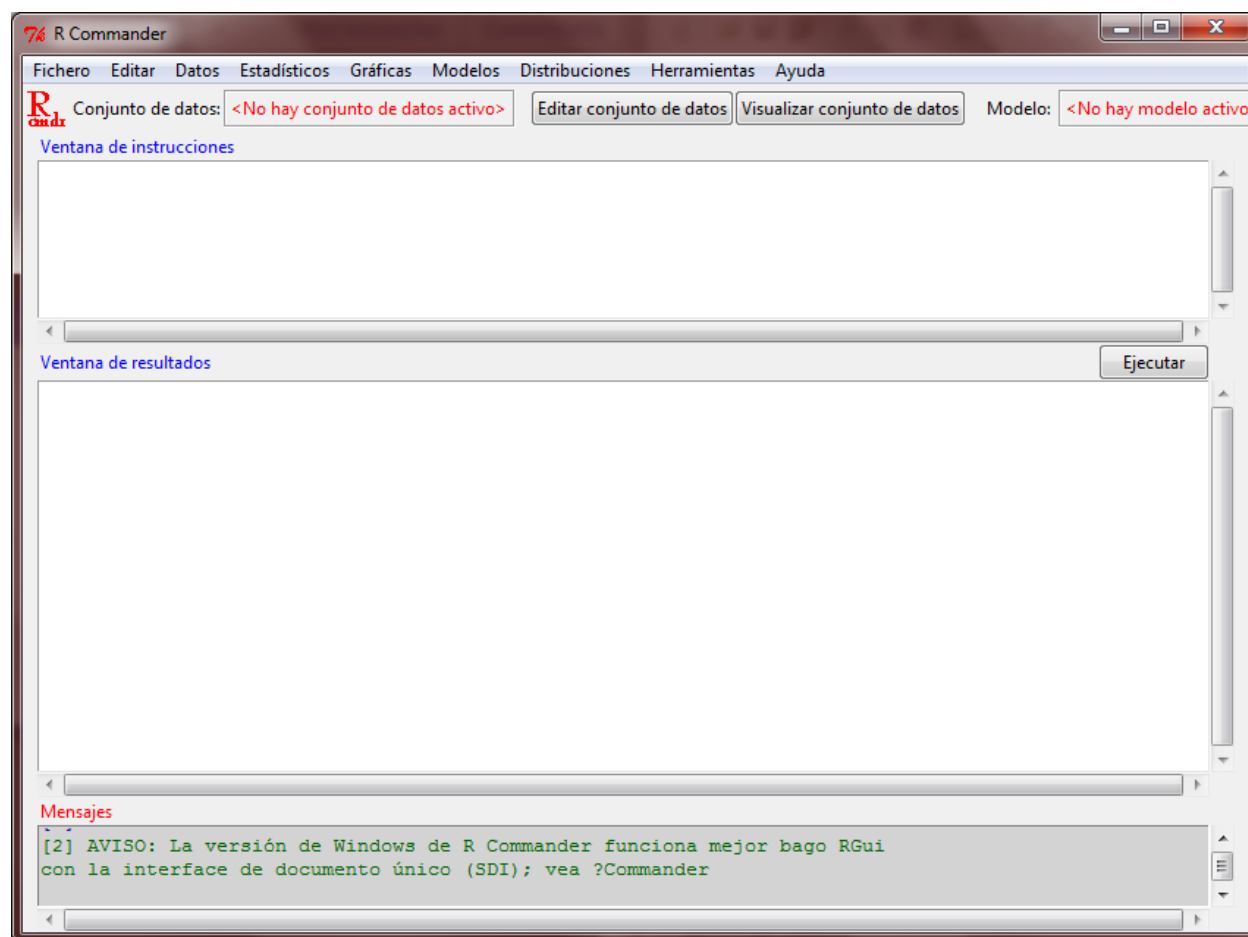


Figura C.5:

Apéndice D

Manipulación de datos con dplyr

D.1 El paquete dplyr

```
library(dplyr)
```

dplyr Permite sustituir funciones base de R (como `split()`, `subset()`, `apply()`, `sapply()`, `lapply()`, `tapply()` y `aggregate()`) mediante una “gramática” más sencilla para la manipulación de datos:

- `select()` seleccionar variables/columnas (también `rename()`).
- `mutate()` crear variables/columnas (también `transmute()`).
- `filter()` seleccionar casos/filas (también `slice()`).
- `arrange()` ordenar o organizar casos/filas.
- `summarise()` resumir valores.
- `group_by()` permite operaciones por grupo empleando el concepto “dividir-aplicar-combinar” (`ungroup()` elimina el agrupamiento).

Puede trabajar con conjuntos de datos en distintos formatos:

- `data.frame`, `data.table`, `tibble`, ...
- bases de datos relacionales (lenguaje SQL), ...
- bases de datos *Hadoop* (paquete `plymr`).

En lugar de operar sobre vectores como las funciones base, opera sobre objetos de este tipo (solo nos centraremos en `data.frame`).

D.1.1 Datos de ejemplo

El fichero `empleados.RData` contiene datos de empleados de un banco. Supongamos por ejemplo que estamos interesados en estudiar si hay discriminación por cuestión de sexo o raza.

```
load("datos/empleados.RData")
data.frame(Etiquetas = attr(empleados, "variable.labels")) # Listamos las etiquetas
```

```
##                               Etiquetas
## id                           Código de empleado
## sexo                         Sexo
## fechnac                       Fecha de nacimiento
## educ                         Nivel educativo (años)
## catlab                       Categoría Laboral
```

```
## salario          Salario actual
## salini           Salario inicial
## tiempemp         Meses desde el contrato
## expprev          Experiencia previa (meses)
## minoria          Clasificación étnica
## sexoraza         Clasificación por sexo y raza

attr(empleados, "variable.labels") <- NULL # Eliminamos las etiquetas para que no mole
```

D.2 Operaciones con variables (columnas)

D.2.1 Seleccionar variables con select()

```
emplea2 <- select(empleados, id, sexo, minoria, tiempemp, salini, salario)
head(emplea2)
```

```
##   id  sexo minoria tiempemp salini salario
## 1  1 Hombre     No      98 27000  57000
## 2  2 Hombre     No      98 18750  40200
## 3  3 Mujer      No      98 12000  21450
## 4  4 Mujer      No      98 13200  21900
## 5  5 Hombre     No      98 21000  45000
## 6  6 Hombre     No      98 13500  32100
```

Se puede cambiar el nombre (ver también `?rename()`)

```
head(select(empleados, sexo, noblanca = minoria, salario))
```

```
##      sexo noblanca salario
## 1 Hombre      No  57000
## 2 Hombre      No  40200
## 3  Mujer      No  21450
## 4  Mujer      No  21900
## 5 Hombre      No  45000
## 6 Hombre      No  32100
```

Se pueden emplear los nombres de variables como índices:

```
head(select(empleados, sexo:salario))
```

```
##      sexo   fechnac educ      catlab salario
## 1 Hombre 1952-02-03  15   Directivo  57000
## 2 Hombre 1958-05-23  16 Administrativo 40200
## 3  Mujer 1929-07-26  12 Administrativo 21450
## 4  Mujer 1947-04-15   8 Administrativo 21900
## 5 Hombre 1955-02-09  15 Administrativo 45000
## 6 Hombre 1958-08-22  15 Administrativo 32100
```

```
head(select(empleados, -(sexo:salario)))
```

```
##   id salini tiempemp expprev minoria  sexoraza
## 1  1 27000      98    144     No Blanca varón
## 2  2 18750      98     36     No Blanca varón
## 3  3 12000      98    381     No Blanca mujer
## 4  4 13200      98    190     No Blanca mujer
```

```
## 5 5 21000      98      138      No Blanca varón
## 6 6 13500      98       67      No Blanca varón
```

Hay opciones para considerar distintos criterios: `starts_with()`, `ends_with()`, `contains()`, `matches()`, `one_of()` (ver `?select`).

```
head(select(empleados, starts_with("s")))
```

```
##      sexo salario salini      sexoraza
## 1 Hombre   57000  27000 Blanca varón
## 2 Hombre   40200  18750 Blanca varón
## 3 Mujer    21450  12000 Blanca mujer
## 4 Mujer    21900  13200 Blanca mujer
## 5 Hombre   45000  21000 Blanca varón
## 6 Hombre   32100  13500 Blanca varón
```

D.2.2 Generar nuevas variables con `mutate()`

```
head(mutate(emplea2, incsal = salario - salini, tsal = incsal/tiempemp ))
```

```
##   id  sexo minoria tiempemp salini salario incsal      tsal
## 1  1 Hombre      No      98  27000  57000  30000 306.12245
## 2  2 Hombre      No      98  18750  40200  21450 218.87755
## 3  3 Mujer      No      98  12000  21450   9450  96.42857
## 4  4 Mujer      No      98  13200  21900   8700  88.77551
## 5  5 Hombre      No      98  21000  45000  24000 244.89796
## 6  6 Hombre      No      98  13500  32100  18600 189.79592
```

D.3 Operaciones con casos (filas)

D.3.1 Seleccionar casos con `filter()`

```
head(filter(emplea2, sexo == "Mujer", minoria == "Sí"))
```

```
##   id  sexo minoria tiempemp salini salario
## 1 14 Mujer      Sí      98  16800  35100
## 2 23 Mujer      Sí      97  11100  24000
## 3 24 Mujer      Sí      97   9000  16950
## 4 25 Mujer      Sí      97   9000  21150
## 5 40 Mujer      Sí      96   9000  19200
## 6 41 Mujer      Sí      96  11550  23550
```

D.3.2 Organizar casos con `arrange()`

```
head(arrange(emplea2, salario))
```

```
##   id  sexo minoria tiempemp salini salario
## 1 378 Mujer      No      70  10200  15750
## 2 338 Mujer      No      74  10200  15900
## 3  90 Mujer      No      92   9750  16200
## 4 224 Mujer      No      82  10200  16200
```

```
## 5 411 Mujer      No      68 10200 16200
## 6 448 Mujer      Sí      66 10200 16350
```

```
head(arrange(emplea2, desc(salini), salario))
```

```
##   id  sexo  minoria  tiempemp  salini  salario
## 1  29 Hombre      No      96  79980 135000
## 2 343 Hombre      No      73  60000 103500
## 3 205 Hombre      No      83  52500  66750
## 4 160 Hombre      No      86  47490  66000
## 5 431 Hombre      No      66  45000  86250
## 6  32 Hombre      No      96  45000 110625
```

D.4 Resumir valores con summarise()

```
summarise(empleados, sal.med = mean(salario), n = n())
```

```
##   sal.med  n
## 1 34419.57 474
```

D.5 Agrupar casos con group_by()

```
summarise(group_by(empleados, sexo, minoria), sal.med = mean(salario), n = n())
```

```
## # A tibble: 4 x 4
## # Groups:   sexo [2]
##   sexo  minoria sal.med    n
##   <fct> <fct>    <dbl> <int>
## 1 Hombre No      44475.   194
## 2 Hombre Sí      32246.    64
## 3 Mujer No      26707.   176
## 4 Mujer Sí      23062.    40
```

D.6 Operador *pipe* %>% (tubería, redirección)

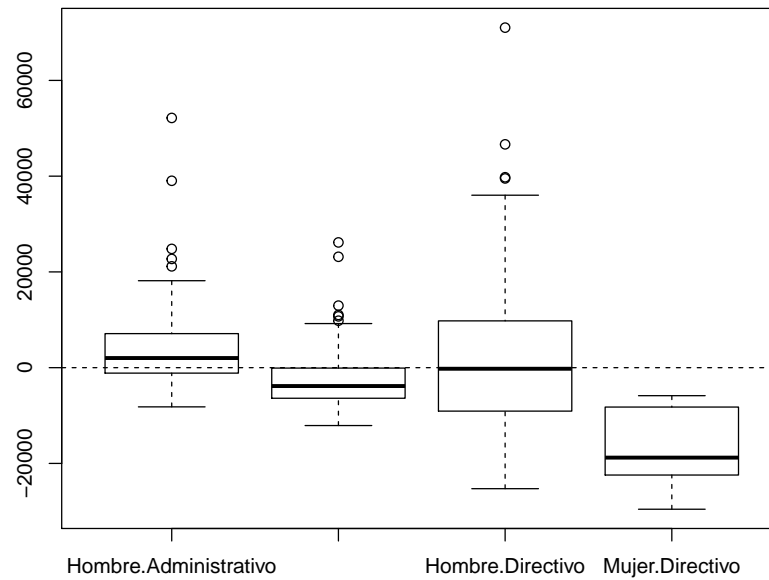
Este operador le permite canalizar la salida de una función a la entrada de otra función. `segundo(primer(datos))` se traduce en `datos %>% primero %>% segundo` (lectura de funciones de izquierda a derecha).

Ejemplos:

```
empleados %>% filter(catlab == "Directivo") %>%
  group_by(sexo, minoria) %>%
  summarise(sal.med = mean(salario), n = n())
```

```
## # A tibble: 3 x 4
## # Groups:   sexo [2]
##   sexo  minoria sal.med    n
##   <fct> <fct>    <dbl> <int>
## 1 Hombre No      65684.    70
## 2 Hombre Sí      76038.     4
## 3 Mujer No      47214.    10
```

```
empleados %>% select(sexo, catlab, salario) %>%
  filter(catlab != "Seguridad") %>%
  group_by(catlab) %>%
  mutate(saldif = salario - mean(salario)) %>%
  ungroup() %>%
  boxplot(saldif ~ sexo*droplevels(catlab), data = .)
abline(h = 0, lty = 2)
```



Para mas información sobre *dplyr* ver por ejemplo la 'vignette' del paquete:
Introduction to dplyr.

Apéndice E

Compañías que usan R

Cada vez son más las empresas que utilizan R.

- Grupo de empresas que apoyan a la Fundación R y a la comunidad R.
- Otras compañías:
 - Facebook, Twitter, Bank of America, Monsanto, ...

E.1 Microsoft

- Diseñado para entornos Big Data y computación de altas prestaciones.
- Versión de R con rendimiento mejorado.
 - Microsoft R Application Network:
MRAN: <https://mran.microsoft.com>
- Integración de R con: SQL Server, PowerBI, Azure y Cortana Analytics.



Figura E.1:



Figura E.2:



Figura E.3:

E.2 RStudio

Además del entorno de desarrollo (IDE) con múltiples herramientas, descrito en el Apéndice C.1:

- Interfaz web que permite ejecutar RStudio en el servidor.
 - Evita el movimiento de datos a los clientes.
 - Ediciones Open Source y Professional.
- Compañía muy activa en el desarrollo de R:
 - Múltiples paquetes: Shiny, rmarkdown, knitr, ggplot2, dplyr, tidyr, ...
 - Hadley Wickham (Jefe científico de RStudio).

Ver enlaces en el Apéndice A.1.