#### Lær Python dag 2 - modul 2

#### Institut for Matematik og Datalogi, Syddansk Universitet

Mikkel Juul Vestergaard

https://moggel12.github.io/PythonWorkshop2021/

21. november, 2021

# Indhold

Strenge



I har set tekststrenge mange gange allerede.

```
name = str(input("Intast dit navn: "))
print("Hej " + name + "!")
```



Men strenge kan bruges til alt muligt, f.eks. til at repræsentere en DNA-sekvens eller en bog.

```
dna = "ATTAGCC" book = "Once upon a time ..."
```



En streng er i virkeligheden bare en liste af enkelte tegn.

dna = "ATTAGCC"

	Tegn	Α	Т	Т	Α	G	С	С
ſ	Index	0	1	2	3	4	5	6



En streng er i virkeligheden bare en liste af enkelte tegn.

dna = "ATTAGCC"

	Tegn	Α	Т	Т	Α	G	С	С
ſ	Index	0	1	2	3	4	5	6

Så derfor kan vi bruge mange af de samme funktioner som vi lærte til lister!

5/20

Indeksering

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna[1])
```



Indeksering

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna[1])
```



#### Indeksering

```
dna = "ATTAGCC"
print (dna [1])
```

Т

#### Slicing

```
dna = "ATTAGCC"

print (dna [2:5])
```



#### Indeksering

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna[1])
```

Т

Slicing

```
dna = "ATTAGCC"
print (dna [2:5])
```

TAG

#### Indeksering

```
dna = "ATTAGCC"
print (dna [1])
```

Т

#### Slicing

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna [2:5])
```

TAG

#### Længde

```
dna = "ATTAGCC"
print(len(dna))
```

#### Indeksering

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna[1])
```

Т

#### Slicing

dna = "ATTAGCC" print (dna [2:5])

TAG

#### Længde

dna = "ATTAGCC"
print(len(dna))

7

Gennemløb af liste (iterate)

```
dna = "ATTAGCC"
for c in dna:
    print(c)
```



Gennemløb af liste (iterate)

dna = "ATTAGCC"
for c in dna:
 print(c)

A T T A G C

Lister er mutable, hvad med strenge?

```
mylist = [1, 2, 3, 4]

mylist [0] = 5

print ( mylist )

dna = "ATTAGCC"

dna[0] = "G"

print (dna)
```

Lister er mutable, hvad med strenge?

```
mylist = [1, 2, 3, 4]
mylist [0] = 5
print(mylist)

dna = "ATTAGCC"
dna[0] = "G"
print(dna)
```

```
[5, 2, 3, 4]
Traceback (most recent call last ):
File "test.py", line 6, in <module>
dna[0] = "G"
TypeError: 'str' object does not support item assignment
```

En løsning på immutability er at bygge nye strenge

```
dna = "ATTAGCC"
newdna = "G" + dna[1:]
print(newdna)
```



En løsning på immutability er at bygge nye strenge

```
dna = "ATTAGCC"
newdna = "G" + dna[1:]
print(newdna)
```

**GTTAGCC** 



Hvad med .append?

```
dna = "ATTAGCC"
dna.append("A")
print(dna)
```



Hvad med .append?

```
dna = "ATTAGCC"
dna.append("A")
print(dna)
```

```
Traceback (most recent call last):

File "test.py", line 2, in <module>
dna.append("A")

AttributeError: 'str' object has no attribute 'append'
```

Heldigvis ved vi at vi kan sætte sammen (concatenation) med "+"

```
dna = "ATTAGCC"
dna = dna + "A"
print(dna)
```



Heldigvis ved vi at vi kan sætte sammen (concatenation) med "+"

```
dna = "ATTAGCC"
dna = dna + "A"
print(dna)
```

**ATTAGCCA** 

# 11/20

Der er også visse funktioner (metoder) som er lavet til strenge, f.eks. .lower() og .upper() som ændrer alle bogstaver til henholdsvis små og store.

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna.lower())
```



Der er også visse funktioner (metoder) som er lavet til strenge, f.eks. .lower() og .upper() som ændrer alle bogstaver til henholdsvis små og store.

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna.lower())
```

attagcc



Hvis man er interesseret i at vide hvor i en streng et tegn forekommer, kan man bruge .find().

```
dna = "ATTAGCC"
print (dna. find ("G"))
```

Hvis man er interesseret i at vide hvor i en streng et tegn forekommer, kan man bruge .find().

```
dna = "ATTAGCC"
print (dna. find ("G"))
```

4

Hvis man er interesseret i at vide hvor i en streng et tegn forekommer, kan man bruge .find().

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna.find("G"))

4
```

Hvad hvis der er flere af den samme, eller slet ikke nogen?

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna.find("A"))
print(dna.find("B"))
```

Hvis man er interesseret i at vide hvor i en streng et tegn forekommer, kan man bruge .find().

```
dna = "ATTAGCC"
print (dna. find ("G"))

4
```

Hvad hvis der er flere af den samme, eller slet ikke nogen?

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna.find("A"))
print(dna.find("B"))
```

```
0
-1
```

Første forekomst og -1

Kan man søge på mere end bare et enkelt tegn?

```
dna = "ATTAGCC"
print(dna.find("TAG"))
```



Kan man søge på mere end bare et enkelt tegn?

dna = "ATTAGCC" print (dna. find ("TAG")) 2

Ja, svaret er index fra, hvor forekomsten starter.



Hvis man er ligeglad med HVOR en forekomst er, men bare vil vide OM det forekommer kan man bruge "in".

```
dna = "ATTAGCC"
print("TAG" in dna)
print("CAT" in dna)
```



Hvis man er ligeglad med HVOR en forekomst er, men bare vil vide OM det forekommer kan man bruge "in".

```
dna = "ATTAGCC"
print("TAG" in dna)
print("CAT" in dna)
```

True False

Hvis man vil inddele en sætning i ord, kan man skære den i stykker og få alle ordene i en liste. Her bruges .split() funktionen. Man skal fortælle ved hvilket slags tegn man gerne vil skære (ofte mellemrum).

```
s = "Jeg gik mig over sø og land"
l = s. split (" ")
print(|)
print(|[2])
```

# 16/20

Hvis man vil inddele en sætning i ord, kan man skære den i stykker og få alle ordene i en liste. Her bruges .split() funktionen. Man skal fortælle ved hvilket slags tegn man gerne vil skære (ofte mellemrum).

```
s = "Jeg gik mig over sø og land"
| = s. split (" ")
print(|)
print(|[2])
```

```
['Jeg', 'gik', 'mig', 'over', 'sø', 'og', 'land']
mig
```

Det modsatte af at splitte er at sætte sammen, her bruges .join() funktionen. Den sætter en streng ind mellem alle elementerne i listen. Det bruges ofte til hurtigt at lave en liste af strenge til en enkelt streng, ved at joine med mellemrum.

```
| = ['Jeg', 'gik', 'mig', 'over', 'sø', 'og', 'land']
| s = "-".join(|)
| print(s)
```

# 17/20

Det modsatte af at splitte er at sætte sammen, her bruges .join() funktionen. Den sætter en streng ind mellem alle elementerne i listen. Det bruges ofte til hurtigt at lave en liste af strenge til en enkelt streng, ved at joine med mellemrum.

```
| = ['Jeg', 'gik', 'mig', 'over', 'sø', 'og', 'land']
| s = "-".join(|)
| print(s)
```

Jeg-gik-mig-over-sø-og-land

Man kan også erstatte bogstaver med .replace() funktionen. Her skal man fortælle, hvad der skal ændres og hvad det skal ændres til. Vi kan f.eks. fjerne mellemrum.

```
s = "Jeg gik mig over sø og land"

# Erstatter mellemrum med ingenting = fjerner mellemrum
s2 = s.replace(" ", "")
print(s2)
```

Man kan også erstatte bogstaver med .replace() funktionen. Her skal man fortælle, hvad der skal ændres og hvad det skal ændres til. Vi kan f.eks. fjerne mellemrum.

```
s = "Jeg gik mig over sø og land"

# Erstatter mellemrum med ingenting = fjerner mellemrum
s2 = s.replace(" ", "")
print(s2)
```

Jeggikmigoversøogland

Eksempel, lad os lave en funktion som givet to ord (strenge), printer alle bogstaver der forekommer i begge ord.

def in\_both(word1, word2):

#code?



Eksempel, lad os lave en funktion som givet to ord (strenge), printer alle bogstaver der forekommer i begge ord.

def in\_both(word1, word2):

#code?



```
def in_both(word1, word2):
    for letter in word1:
        if letter in word2:
            print( letter )

in_both("APPLE", "PEN")
```

```
def in_both(word1, word2):
    for letter in word1:
        if letter in word2:
        print( letter )

in_both("APPLE", "PEN")
```

```
P
P
E
```