Regresión Múltiple

Jacobo Hirsch Rodriguez

2024 - 09 - 17

 $\# {\it Lectura}$ del dataset vamos a le
er el dataset de las variables

```
alcorte=read.csv("./ALCorte.csv") #leer el dataset
print(alcorte)
```

##		Fuerza	Potencia	Temperatura	Tiempo	Resistencia
##	1	30	60	175	15	26.2
##	2	40	60	175	15	26.3
##	3	30	90	175	15	39.8
##	4	40	90	175	15	39.7
##	5	30	60	225	15	38.6
##	6	40	60	225	15	35.5
##	7	30	90	225	15	48.8
##	8	40	90	225	15	37.8
##	9	30	60	175	25	26.6
##	10	40	60	175	25	23.4
##	11	30	90	175	25	38.6
##	12	40	90	175	25	52.1
##	13	30	60	225	25	39.5
##	14	40	60	225	25	32.3
##	15	30	90	225	25	43.0
##	16	40	90	225	25	56.0
##	17	25	75	200	20	35.2
##	18	45	75	200	20	46.9
##	19	35	45	200	20	22.7
##	20	35	105	200	20	58.7
##	21	35	75	150	20	34.5
##	22	35	75	250	20	44.0
##	23	35	75	200	10	35.7
##	24	35	75	200	30	41.8
##	25	35	75	200	20	36.5
##	26	35	75	200	20	37.6
##	27	35	75	200	20	40.3
##	28	35	75	200	20	46.0
##	29	35	75	200	20	27.8
##	30	35	75	200	20	40.3

 $^{\# {\}rm An\'alisis}$ descriptivo de las variables

```
medias_alcorte <- colMeans(alcorte)
desviaciones_alcorte <- apply(alcorte, 2, sd)
minimos_alcorte <- apply(alcorte, 2, min)
maximos_alcorte <- apply(alcorte, 2, max)

medidas_alcorte <- data.frame(Medias = medias_alcorte, Desviaciones = desviaciones_alcorte, Minimos = m
print(medidas_alcorte)</pre>
```

```
##
               Medias Desviaciones Minimos Maximos
             35.00000
## Fuerza
                       4.548588
                                 25.0
                                        45.0
## Potencia
             75.00000 13.645765
                                 45.0 105.0
## Temperatura 200.00000 22.742941 150.0 250.0
## Tiempo
            20.00000
                       4.548588 10.0 30.0
## Resistencia 38.40667
                        8.954403
                                22.7
                                         58.7
```

obtenemos la matriz de correlación de las variables:

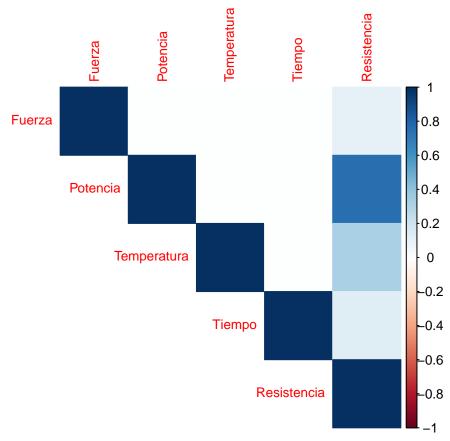
```
correlacion_alcorte <- cor(alcorte)</pre>
```

vamos a visualizar con un mapa de calor las correlaciones entre las variables

```
library(corrplot)
```

corrplot 0.94 loaded

```
# Visualizar la matriz de correlación con un heatmap
corrplot(correlacion_alcorte, method = "color", type = "upper", tl.cex = 0.8)
```



de acuerdo al mapa de calor, se observa que no existe mucha relación entre las variables explicativas, solo entre la variable dependiente y las explicativas, y ni aún así todas presentan una relación con esta, las que parecen ser que podrían explicar más la resistencia son la temperatura y la potencia, tendremos que comprobarlo buscando el mejor modelo, su significancia y podemos hacer una prueba VIF para buscar colinealidad entre las variables predictorias, aunque si tenemos razón, el mapa de calor no muestra una relación entre potencia y temperatura por lo que no hay indicios de colinalidad.

#2) Vamos a encontrar el mejor modelo de regresión

vamos a escribir el modelo inicial, que despues utilizaremos para encontrar el modelo optimo

```
# Modelo completo
modelo_alcorte <- lm(Resistencia ~ Fuerza + Potencia + Temperatura + Tiempo, data = alcorte)
summary(modelo_alcorte)</pre>
```

```
##
## Call:
## lm(formula = Resistencia ~ Fuerza + Potencia + Temperatura +
##
       Tiempo, data = alcorte)
##
##
  Residuals:
##
                  1Q
                       Median
                                     3Q
                                             Max
                                          7.5933
##
  -11.0900
            -1.7608
                      -0.3067
                                 2.4392
##
## Coefficients:
                Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
##
## (Intercept) -37.47667
                           13.09964 -2.861 0.00841 **
```

```
## Fuerza
                0.21167
                           0.21057
                                     1.005 0.32444
                0.49833
                           0.07019
                                     7.100 1.93e-07 ***
## Potencia
## Temperatura
                0.12967
                           0.04211
                                     3.079 0.00499 **
## Tiempo
                0.25833
                           0.21057
                                     1.227
                                           0.23132
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## Residual standard error: 5.158 on 25 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.714, Adjusted R-squared: 0.6682
## F-statistic: 15.6 on 4 and 25 DF, p-value: 1.592e-06
```

Análisis del modelo inicial:

el valor p del estadistico de f
 nos indica que el modelo es estadisticamente significativo, por lo que al menos una de las variables tiene un efecto significativo. Despues de considerar la cantidad de variables (usando el R
 cuadrado ajustado) se explica un 66.8% de la variabilidad en la resistencia. Tambien se puede ver que las variables potencia y temperatura tienen mucha influencia en la resistencia al corte.

Para encontrar el mejor modelo, vamos a usar el método de selección hacia atrás (backward selection) basado en el AIC:

```
# Selección hacia atrás
modelo_optimo_alcorte <- step(modelo_alcorte, direction = "backward")</pre>
## Start: AIC=102.96
## Resistencia ~ Fuerza + Potencia + Temperatura + Tiempo
##
##
                 Df Sum of Sq
                                   RSS
                                          AIC
                        26.88
## - Fuerza
                  1
                                692.00 102.15
## - Tiempo
                  1
                        40.04
                               705.16 102.72
## <none>
                                665.12 102.96
## - Temperatura 1
                       252.20 917.32 110.61
## - Potencia
                  1
                      1341.01 2006.13 134.08
##
## Step: AIC=102.15
## Resistencia ~ Potencia + Temperatura + Tiempo
##
##
                 Df Sum of Sq
                                   RSS
                               732.04 101.84
## - Tiempo
                        40.04
## <none>
                                692.00 102.15
## - Temperatura 1
                       252.20 944.20 109.47
## - Potencia
                  1
                      1341.01 2033.02 132.48
##
## Step: AIC=101.84
## Resistencia ~ Potencia + Temperatura
##
##
                 Df Sum of Sq
                                   RSS
                                          ATC
## <none>
                                732.04 101.84
                        252.2 984.24 108.72
## - Temperatura 1
## - Potencia
                  1
                       1341.0 2073.06 131.07
```

summary(modelo_optimo_alcorte)

```
## Call:
## lm(formula = Resistencia ~ Potencia + Temperatura, data = alcorte)
##
## Residuals:
##
       Min
                 1Q
                      Median
                                   3Q
                                            Max
## -11.3233 -2.8067 -0.8483
                               3.1892
                                        9.4600
##
## Coefficients:
##
               Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
                          10.07207 -2.472 0.02001 *
## (Intercept) -24.90167
## Potencia
                0.49833
                            0.07086
                                     7.033 1.47e-07 ***
## Temperatura
                0.12967
                            0.04251
                                     3.050 0.00508 **
## ---
## Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' 1
##
## Residual standard error: 5.207 on 27 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.6852, Adjusted R-squared: 0.6619
## F-statistic: 29.38 on 2 and 27 DF, p-value: 1.674e-07
```

Los resutlados coinciden con las predicciones iniciales, el mejor modelo es el que tiene las variables potencia y temperatura, el R ajustado no cambio pero el modelo es menos complejo y por ende es mejor, el valor p del estadístico aún muestra que el modelo es significativo que también es buena señal aunque era de esperarse.

Análisis del modelo encontrado

residuos del modelo optimo

```
residuos_alcorte <- residuals(modelo_optimo_alcorte)
```

##Normalidad de los residuos

hipotesis nula : los residuos siguen una distribución normal.

hipotesis alternativa : los residuos no siguen una distribución normal

regla de decisión : Si el valor p es menor a 0.05, se rechaza la hipótesis nula y se concluye que los residuos no siguen una distribución normal.

con interacción

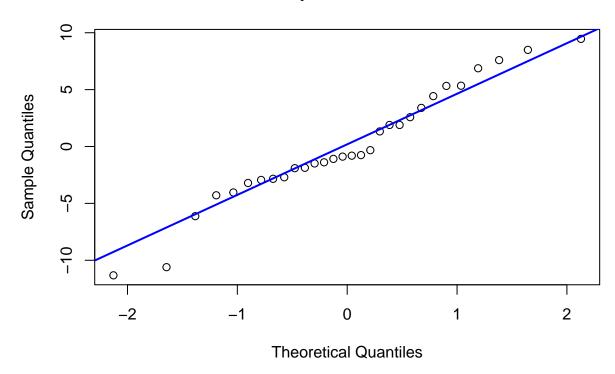
sacamos la prueba de shapiro-wilk

```
# Prueba de Shapiro-Wilk
shapiro.test(residuos_alcorte)
```

```
##
## Shapiro-Wilk normality test
##
## data: residuos_alcorte
## W = 0.96588, p-value = 0.4333
```

de acuerdo a la regla de decisión, no rechazamos la hipotesis nula, parece ser que los residuos siguen una distribución normal, vamos a realizar un qqplot para reafirmar los resultados de la prueba

Gráfico Q-Q para residuos normales



de acuerdo al qqplot en general, los datos no siguen exactamente una distribución normal, especialmente en los extremos. Los puntos en el centro están cerca de la línea, lo que sugiere que la mayor parte de los datos se comporta de manera normal, pero en las partes más alejadas (los extremos), los puntos se desvían bastante. Esto podría significar que hay valores atípicos o que la distribución tiene colas más largas o más cortas de lo esperado. Aún así, los datos en su mayoría muestran una tendencia normal, sumado al resultado de la prueba de shapiro-wilk podría decirse que si pasa la prueba.

##Verificación de media cero

hipotesis nula : la media de los errores es igual a 0

hiporesis al
rernativa : la media de los errores es diferente de 0

regla de decisión con prueba t: Si el valor p es menor que 0.05, se rechaza la hipótesis nula y se concluye que la media de los residuos es significativamente diferente de 0.

```
media_prueba_alcorte = mean(residuos_alcorte)
print(media_prueba_alcorte)
```

[1] 2.442491e-16

realizamos la prueba t para el modelo optimo

```
# Realizar la prueba t para verificar si la media es 0
prueba_t_alcorte <- t.test(residuos_alcorte, mu = 0)</pre>
# Mostrar el resultado de la prueba
print(prueba_t_alcorte)
##
    One Sample t-test
##
##
## data: residuos_alcorte
## t = 2.6627e-16, df = 29, p-value = 1
## alternative hypothesis: true mean is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## -1.876076 1.876076
## sample estimates:
##
      mean of x
## 2.442491e-16
para ambos casos el valor p fue de 1, el valor más alto posible que indica que no hay evidencia para descartar
la hipotesis nula
##Homocedasticidad
hipotesis nula: la varianza de los errores es constante (hay homocedasticidad)
hipotesis alternativa: la varianza de los errores no es constante (hay heterocedasticidad)
regla de decisión: si el valor p es menor o igual que 0.05 entonces rechazamos la hipotesis nula
para realizar las pruebas vamos a necesitar descargar un paquete que contiene la prueba que vamos a utilizar
# Cargar el paquete lmtest
library(lmtest)
## Loading required package: zoo
## Attaching package: 'zoo'
## The following objects are masked from 'package:base':
##
##
       as.Date, as.Date.numeric
vamos a realizar la prueba de white
# Realizar la prueba de White
prueba_white_alcorte <- bptest(modelo_optimo_alcorte, ~ fitted(modelo_optimo_alcorte) + I(fitted(modelo</pre>
# Mostrar los resultados de la prueba
print(prueba_white_alcorte)
```

```
##
## studentized Breusch-Pagan test
##
## data: modelo_optimo_alcorte
## BP = 4.0002, df = 2, p-value = 0.1353
vamos a verificar la hipotesis nula
# Extraer el valor p de la prueba
p_value_white_alcorte <- prueba_white_alcorte$p.value</pre>
# Comparar el valor p con el umbral de significancia de 0.05
if (p_value_white_alcorte > 0.05) {
 print("No se rechaza la hipótesis nula: no hay evidencia de heterocedasticidad.")
} else {
  print("Se rechaza la hipótesis nula: hay evidencia de heterocedasticidad.")
## [1] "No se rechaza la hipótesis nula: no hay evidencia de heterocedasticidad."
no hay evidencia suficiente para rechazar la hipotesis nula, por lo que podemos decir que no presenta
heterocedasticidad.
##independencia
hipotesis nula: los errores no estan correlacionados
hipotesis alternativa: los errores estan correlacionados
regla de decisión: si el valor p de la prueba es menor a 0.05 se rechaza la hipotesis nula
hacemos el modelo durbin watson para verificar independencia entre los residuos
# Realizar la prueba de Durbin-Watson
prueba_dw_alcorte <- dwtest(modelo_optimo_alcorte)</pre>
# Mostrar los resultados de la prueba
print(prueba_dw_alcorte)
##
   Durbin-Watson test
##
## data: modelo_optimo_alcorte
## DW = 2.3511, p-value = 0.8267
## alternative hypothesis: true autocorrelation is greater than 0
verificamos que el valor p no sea menor a 0
# Extraer el valor p
p_value_dw_alcorte <- prueba_dw_alcorte$p.value</pre>
# Interpretar los resultados
if (p_value_dw_alcorte > 0.05) {
 print("No hay evidencia de correlación en los residuos (hipótesis nula no rechazada).")
  print("Hay evidencia de correlación en los residuos (hipótesis nula rechazada).")
```

```
## [1] "No hay evidencia de correlación en los residuos (hipótesis nula no rechazada)."
```

Parece ser que no existe evidencia de correlación en los residuos, hasta el momento una muy buena señal de que el modelo será de utilidad.

Para terminar de analizar los residuos, vamos a verificar la linealidad entre estos:

##linealidad

para verificar la linealidad vamos a utilizar una prueba RESET

La prueba RESET de Ramsey (Regression Equation Specification Error Test) es utilizada para detectar posibles errores de especificación en un modelo de regresión lineal. La prueba examina si hay variables omitidas o si la forma funcional del modelo es incorrecta.

hipotesis nula: no hay términos omitidos que indican linealidad

hipotesis alternativa: hay una especificación errónea en el modelo que indica no linealidad

vamos a hacer la prueba reset

```
# Realizar la prueba RESET de Ramsey
prueba_reset_alcorte <- resettest(modelo_optimo_alcorte)

# Mostrar los resultados de la prueba
print(prueba_reset_alcorte)</pre>
```

```
##
## RESET test
##
## data: modelo_optimo_alcorte
## RESET = 0.79035, df1 = 2, df2 = 25, p-value = 0.4647
```

extraemos el valor p para evalualr la regla de decisión

```
# Extraer el valor p
p_value_reset_alcorte <- prueba_reset_alcorte$p.value

# Interpretar los resultados
if (p_value_reset_alcorte > 0.05) {
   print("No se rechaza la hipótesis nula: el modelo no parece tener errores de especificación.")
} else {
   print("Se rechaza la hipótesis nula: es probable que haya errores de especificación en el modelo.")
}
```

[1] "No se rechaza la hipótesis nula: el modelo no parece tener errores de especificación."

Excelentes noticias para nuestro modelo! parece ser que las pruebas sobre los residuos han terminado, y obtuvimos buenos resultados pero aún falta verificar que las variables explicativas no esten relacionadas. para ellos vamos a utilizar el Factor de Inflación de la Varianza (VIF)

```
library(car)
```

```
## Loading required package: carData
```

Cálculo del VIF vif(modelo_optimo_alcorte)

```
## Potencia Temperatura
## 1 1
```

como lo vimos desde el mapa de calor, los resultados de la medida VIF nos indican que nuestras variables predictoras no estan relacionadas.

#Conclusiones generales:

El modelo que incluye Potencia y Temperatura para predecir la Resistencia al corte es estadísticamente significativo, con un valor p global de 1.674e-07. Esto indica que al menos una de las variables predictoras tiene un impacto importante en la resistencia. El modelo explica alrededor del 68.52% de la variabilidad en la resistencia al corte, y el R^2 ajustado de 0.6619, que toma en cuenta el número de variables, sugiere que el modelo sigue siendo sólido. Ambas variables predictoras son significativas por separado, siendo la Potencia la que tiene el mayor efecto (coeficiente = 0.49833, p = 1.47e-07). Esto significa que a mayor potencia, mayor será la resistencia al corte. De manera similar, la Temperatura también es significativa (coeficiente = 0.12967, p = 0.00508), lo que implica que un aumento en la temperatura está asociado con un incremento en la resistencia, aunque con un efecto menor comparado con la potencia.

El modelo ha superado las pruebas de residuos, lo que sugiere que se cumplen los supuestos de homocedasticidad, normalidad e independencia, asegurando la validez del modelo. Además, el análisis de VIF muestra que no hay problemas de multicolinealidad entre las variables predictoras, reforzando la fiabilidad de los coeficientes estimados. Aunque el error estándar residual es de 5.207, lo que indica cierta dispersión en los valores predichos, este valor es aceptable dado el buen ajuste del modelo. En general, el modelo es adecuado para describir y predecir la resistencia al corte en función de la potencia y la temperatura, ofreciendo un equilibrio entre simplicidad y capacidad predictiva.