

Nuevo Proyecto

Nombre del proyecto

Description

Input file/dir

Enlace al drive



Dar acceso a la cuenta de correo: nanotax.catg@gmail.com

Debe seleccionar el formato de los archivos de entrada

Samples metadata
samples_metadata.xlsx

Análisis a realizar

☒ ON ☐ OFF Basecalling y demultiplexación

☒ ON ☐ OFF Asignación taxonómica

☒ ON ☐ OFF Índices de diversidad

☒ ON ☐ OFF Predicción funcional

Opciones avanzadas

Basecalling

QC

Taxonomic Assignment

Quality Check and filtering

Min length

1000

Max length

2000

Minimum Qscore

10

Subsampling to

100000

Min nreads

100000

SUBMIT DATA

Quitar el espacio anterior a Dar acceso a la cuenta de correo

** VERIFICAR LAS COLUMNAS SI ES QUE SE HACE EL ANALISIS CON PICRUST QUE INCLUYA LAS COLUMNAS CLASS Y SUBCLASS ** Hay algunos pathways o vías que te gustaria que se destaquen en el analisis? o que te gustaria saber los valores.

si es que el usuario pone por Ejemplo desde QC hay que verificar que el input sea fastq, si es que pone basecalling tiene que ser pod5.. y asi