

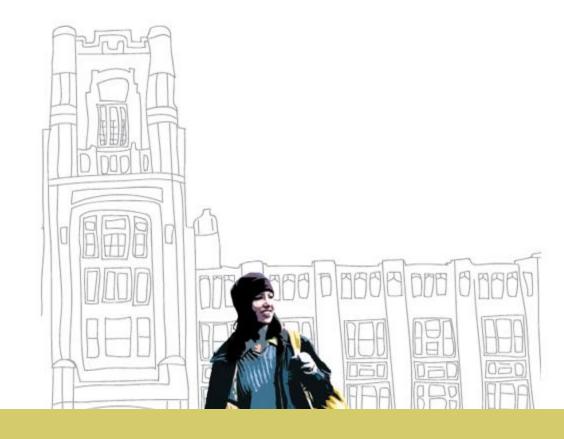
# 3 머신러닝



# 이 장에서 다룰 내용







# 1. 머신러닝 개요

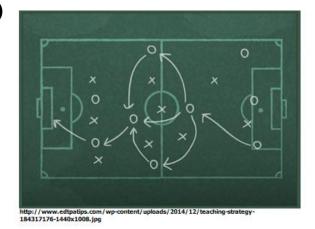


## 머신 러닝(Machine Learning) 정의

#### □ 머신 러닝(Machine Learning)이란?

- 아서 사무엘(Arthur samuelm 1959)
  - "머신러닝은 명시적인 프로그래밍 없이 학습하는 능력을 갖추게 하는 연구 분야이다."
- 톰 미첼(Tom Mitchell, 1997)
  - "어떤 작업 T에 대한 컴퓨터 프로그램의 성능을 P로 측정 했을때 경험 E로 성능이 향상 되었다면 이 컴퓨터 프로그램은 작업 T와 성능측정 P에 대헤 경험 E로 학습한 것이다."
- Ex1) 스팸필터
  - 스팸 메일과 일반 메일의 샘플을 이용해 스팸 메일 구분법을 배울 수 있는 머신런닝 프로그램
  - 시스템이 학습하는데 사용하는 샘플을 훈련데이터라고 한다.
  - T: 새로운 메일이 스팸매일인지 구분하는 것
  - E: 훈련데이터
  - P : 정확히 분류한 메일의 비율. 성능 측정을 정확도(accuarcy)라고 한다.

Ex2)



Example: A program for soccer tactics

T: Win the game

P: Goals

E: (x) Players' movements, (y)

**Evaluation** 



## 머신 러닝 사례

#### □머신 러닝 사용 사례

- 생산 라인에서 제품 이미지를 분석해서 자동으로 분류하기 합성곱 신경망(CNN)
   사용
- 뇌를 스캔하여 종양 진단하기 CNN을 사용해 이미지의 각 픽셀을 분류.(종양의 정확한 위치와 모양을 결정)
- 자동으로 뉴스 기사 분류하기 자연어 처리(NLP) 작업중 하나로 텍스트 분류 작업이다. RNN이나 CNN을 사용하여 해결 가능
- 다양한 성능 지표를 기반으로 내년도 회사의 수익 예측하기 -회귀(Regression)작업으로 선형회귀나 다항회귀, SVM, 랜덤 포레스트등과 같은 회귀모델을 사용해서 해결 가능
- 구매 이력을 기반으로 고객을 나누고 각 집합마다 다른 마케팅 전략을 계획하기 -군집(Clustering) 작업
- 신용카드 부정거래 감지하기 이상치 탐지 작업



- □ 머신러닝 시스템의 종류
  - 사람의 감독하에 훈련하는 것인지 아닌지에 따라 분류
    - 지도
    - 비지도
    - 준지도
    - 강화학습
  - 실시간으로 점진적인 학습을 하는 것인지 아닌지에 따른 분류
    - 온라인 학습
    - 배치 학습
  - 단순하게 알고 있는 데이터 포인터와 새 데이터 포인터를 비교하는 것인지 또는 훈련
     데이터 셋에서 패턴을 발견하여 예측 모델을 만드는지에 따른 분류
    - 사례 기반 학습
    - 모델 기반 학습



#### □ 지도학습(Supervised Learning)

- 지도학습에는 알고리즘에 주입하는 훈련 데이터에 레이블(Lable)이라는 원하는 답이 포함되어야 한다.
  - 분류(Classification)가 전형적인 지도 학습 작업이며, 숫자 인식을 좋은 예로 들 수 있다.
  - 예측 변수(Predictor Variable)라 불리는 특성(Feature, 주행거리, 연식, 브랜드등)을 사용해 가격 같은 최종적인 타깃 수치를 예측한다. 위와 같은 종류의 작업을 회귀(Regression)라고 부른다.
- 대표적인 지도 학습 알고리즘
  - K-최근접 이웃(k-Nearest Neighbors)
  - 선형 회귀(Linear Regression)
  - 로지스틱 회귀(Logistic Regression)
  - 서포트 벡터 머신(SVM, Support Vector Machine)
  - 결정 트리(Decision Tree)와 랜덤 포레스트(Random Forest)
  - 신경망(Neural Network)



- □ 비지도 학습(Unsupervised Learning)
  - 비지도 학습(Unsupervised Learning)은 지도 학습에서 필요했던 레이블이 필요하지 않으며 시스템이 아무런 도움 없이 학습해야 한다.
  - 대표적인 비지도 학습 알고리즘
    - 군집(Clustering)
      - K-평균(k-Means)
      - 계층 군집 분석(HCA, Hierarchical Cluster Analysis)
      - 기댓값 최대화(Expectation Maximization)
    - 시각화(Visualization)와 차원 축소(Dimensionality Reduction)
      - 주성분 분석(PCA, Principal Component Analysis)
      - 커널 PCA(Kernel PCA)
    - 연관 규칙 학습(Association Rule Learning)
      - 어프라이어리(Apriori)
      - 이클렛(Eclat)
  - 계층 군집 알고리즘을 사용하면 각 그룹을 더 작은 그룹으로 세분화할 수 있다.
  - 차원 축소는 너무 많은 정보를 잃지 않으면서 데이터를 간소화하는데 사용된다.
    - 예를 들어 차의 주행거리는 연식과 매우 연관되어 있으므로 차원 축소 알고리즘으로 두 특성을 차의 마모 정도를 나타내는 하나의 특성으로 합칠 수 있다. 이를 특성 추출(Feature Extraction)이라고 한다.
  - 연관 규칙 학습은 대량의 데이터에서 특성 간의 흥미로운 관계를 찾는다.
    - 어떠한 상품을 구매한 사람이 다른 상품을 구매하는 경향이 있다는 것을 찾을 때 활용한다.

- □ 준지도 학습(Semisupervised Learning)
  - 준지도 학습(Semisupervised Learning)에서는 레이블이 일부만 있어도 데이터를 다룰수 있다.
  - Ex) 구글 포토 호스팅 서비스
    - 이 서비스에 가족사진을 모두 올리면 사람 A는 사진 1, 5, 11에 있고, 사람 B는 사진 2, 5, 7에 있다고 자동으로 인식(군집, Clustering)하며 이는 비지도 학습이다.
    - 이제 이 사람들이 누구인가 하는 정보인데 사람마다 레이블이 하나씩만 주어지면(지도 학습) 사진에 있는 모든 사람의 이름을 알 수 있고, 편리하게 사진을 찾을 수 있다.
- □ 강화 학습(Reinforcement Learning)
  - 학습하는 시스템을 에이전트(Agent)라고 부르며 환경(Environment)을 관찰해서 행동(Action)을 실행하고 보상(Reward)을 받는다. 시간이 지나면서 가장 큰 보상을 얻기 위해 정책(Policy)이라고 부르는 최상의 전략을 스스로 학습하고 정책은 주어진 상황에서 에이전트가 어떻게 행동해야 하는지를 판단한다.
  - Ex) 알파고

#### □ 배치 학습(Batch Learning)

- 시스템이 점진적으로 학습할 수 없으며 가용한 데이터를 모두 사용해 훈련시켜야 하는 방식이다.
- 시간과 자원을 많이 소모하여 일반적으로 오프라인에서 사용한다.
- 먼저 시스템을 훈련시키고 제품 시스템에 적용하면 더 이상의 학습 없이 실행된다. 즉, 학습한 것을 적용할 뿐이다. 이를 오프라인 학습(Offline Learning)이라고도 한다.

#### □ 온라인 학습(Online Learning)

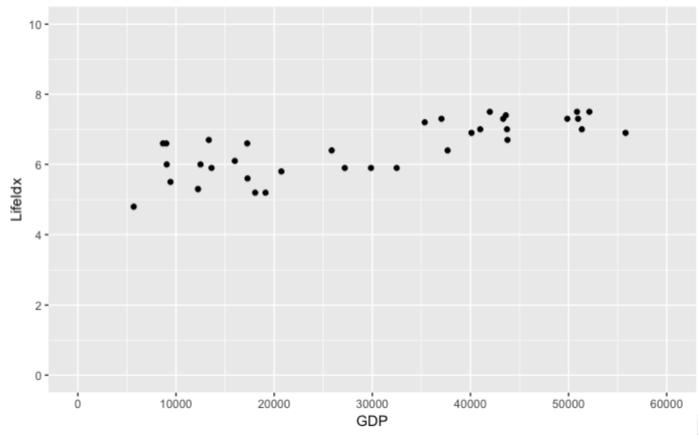
- 데이터를 순차적으로 한 개씩 또는 미니배치(Mini-Batch)라 부르는 작은 묶음 단위로 주입하여 시스템을 훈련시키는 방식으로 매 학습 단계가 빠르고 비용이 적게 들어 시스템은 데이터가 도착하는 대로 즉시 학습할 수 있다.
- 온라인 학습은 연속적으로 데이터를 받고 빠른 변화에 스스로 적응해야 하는 시스템에 적합하다.
- 온라인 학습 시스템에서 중요한 파라미터 중 하나는 변화하는 데이터에 얼마나 빠르게 적응할 것인지 이다. 이를 학습률(Learning Rate)이라고 한다.
- 학습률을 높게 하면 시스템이 데이터에 빠르게 적응하지만 예전 데이터를 금방 잊어버리게 된다. 학습률이 낮으면 시스템의 관성이 더 커져서 더 느리게 학습되지만 새로운데이터에 있는 잡음이나 대표성 없는 데이터 포인트에 덜 민감해진다.

- □ 사례 기반 학습 (Instance-Based Learning)
  - 시스템이 사례를 기억함으로써 학습하는 방식이다.
  - 스팸 메일과 동일한 메일을 스팸이라고 지정하는 대신 스팸 메일과 매우 유사한 메일을 구분하도록 스팸 필터를 프로그램할 수 있는데 이렇게 하려면 두 메일 사이의 유사도(Similarity)를 측정해야 한다. 두 메일 사이의 매우 간단한 유사도 측정 방법은 공통으로 포함한 단어의 수를 세는 것이며 스팸 메일과 공통으로 가지고 있는 단어가 많으면 스팸으로 분류한다.
- □모델 기반 학습(Model-Based Learning)
  - 샘플들의 모델을 만들어 예측하는 방식이다.

- 모델 기반 학습의 예시로 돈이 사람을 행복하게 만드는지 알아보도록 하자.
- OECD 웹사이트에서 더 나은 삶의 지표(Better Life Index) 데이터와 IMF 웹사이트에서 1인당 GDP 통계를 내려 받은 다음 두 데이터 테이블을 합치고 1인당 GDP로 정렬한다.

| Country<br><fctr></fctr> | <b>Lifeldx</b><br><dbl></dbl> | GDP<br><dbl></dbl> |
|--------------------------|-------------------------------|--------------------|
| Luxembourg               | 6.9                           | 101994.09          |
| Switzerland              | 7.5                           | 80675.31           |
| Norway                   | 7.5                           | 74822.11           |
| United States            | 6.9                           | 55805.20           |
| Denmark                  | 7.5                           | 52114.17           |
| Ireland                  | 7.0                           | 51350.74           |
| Australia                | 7.3                           | 50961.87           |
| Iceland                  | 7.5                           | 50854.58           |
| Sweden                   | 7.3                           | 49866.27           |
| United Kingdom           | 6.7                           | 43770.69           |

■ 위 데이터를 보기 편하게 시각화 하면 다음과 같이 나타난다.



삶의 만족도는 국가의 1인당 GDP가 증가할수록 거의 선형으로 상승하는 것을 확인할수 있었다. 그러므로, 1인당 GDP의 선형 함수로 삶의 만족도를 모델링 해보겠습니다.
 이 단계를 모델 선택(Model Selection)이라고 한다. 1인당 GDP라는 특성 하나를 가진 삶의 만족도에 대한 선형 모델(Linear Model)이다.

13

#### ■ 실습 예제

```
import sklearn
import os
datapath = os.path.join("datasets", "lifesat", "")
import matplotlib as mpl
mpl.rc('axes', labelsize=14)
mpl.rc('xtick', labelsize=12)
mpl.rc('ytick', labelsize=12)
# 데이터 다운로드
import urllib
DOWNLOAD_ROOT = "https://raw.githubusercontent.com/rickiepark/handson-ml2/master/"
os.makedirs(datapath, exist ok=True)
for filename in ("oecd_bli_2015.csv", "gdp_per_capita.csv"):
   print("Downloading", filename)
   url = DOWNLOAD ROOT + "datasets/lifesat/" + filename
   urllib.request.urlretrieve(url, datapath + filename)
```

```
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
import pandas as pd
import sklearn.linear model
oecd bli = pd.read csv(datapath + "oecd bli 2015.csv", thousands=',')
oecd bli
gdp_per_capita = pd.read_csv(datapath + "gdp_per_capita.csv",thousands=',',delimiter='\tilde{t}',
                     encoding='latin1', na_values="n/a")
gdp_per_capita
oecd bli = oecd bli[oecd bli["INEQUALITY"]=="TOT"]
oecd bli
oecd bli = oecd bli.pivot(index="Country", columns="Indicator", values="Value")
oecd_bli
gdp_per_capita.rename(columns={"2015": "GDP per capita"}, inplace=True)
gdp_per_capita
gdp_per_capita.set_index("Country", inplace=True)
gdp_per_capita
full_country_stats = pd.merge(left=oecd_bli, right=gdp_per_capita, left_index=True,right_index=True)
full country stats
```

```
full country stats.sort values(by="GDP per capita", inplace=True)
full country stats
remove indices = [0, 1, 6, 8, 33, 34, 35]
keep_indices = list(set(range(36)) - set(remove_indices))
keep indices
country_stats = full_country_stats[["GDP per capita", 'Life satisfaction']].iloc[keep_indices]
country_stats
X = np.c [country stats["GDP per capita"]]
X
y = np.c [country stats["Life satisfaction"]]
у
# 데이터 시각화
country_stats.plot(kind='scatter', x="GDP per capita", y='Life satisfaction')
plt.show()
model = sklearn.linear model.LinearRegression() # 선형 모델 선택 . 선형 회귀 모델
model.fit(X, y) # 모델 훈련
X new = [[22587]] # 키프로스 1인당 GDP
print(model.predict(X_new)) # 키프로스에 대한 예측 출력 [[ 5.96242338]]
```

#### 나쁜 데이터와 나쁜 알고리즘

#### □러닝 머신의 주요 도전과제

 우리의 주요 작업은 학습 알고리즘을 선택해서 어떤 데이터에 훈련 시키는 것이므로 문제가 될 수 있는 두가지는 나쁜 데이터와 나쁜 알고리즘이다.

#### □ 나쁜 데이터

- 충분하지 않은 양의 훈련 데이터
  - 대부분의 머신러닝 알고리즘이 잘 작동하기 위해서는 데이터가 많아야 한다.
  - 이미지나 음성 인식 같은 복잡한 문제의 경우 수백만 개가 필요할 수 있다.
- 대표성 없는 훈련 데이터
  - 일반화가 잘되기 위해서는 우리가 일반화하기 원하는 새로운 사례를 훈련 데이터가 잘 대표하는 것이 중요하다.
  - 샘플이 작으면 샘플링 잡음(Sampling Noise)1이 생기고, 표본 추출 방법이 잘못되면 대표성을 띄지 못할 수 있다. 이를 샘플링 편향(Sampling Bias)이라고 한다.
- 낮은 품질의 데이터
  - 훈련 데이터가 에러, 이상치, 잡음으로 가득하다면 머신러닝 시스템이 내재되어 있는 패턴을 찾기 어려울 수 있다.
  - 다음은 훈련 데이터에 정제가 필요한 경우
    - 일부 샘플이 이상치라는게 명확하다면 그것을 무시하거나 수정하는 것이 좋다.
    - 일부 샘플에 특성이 몇 개 빠져 있다면 무시할지 빠진 값을 채울지 아니면 샘플을 무시할지 결정해야 한다.

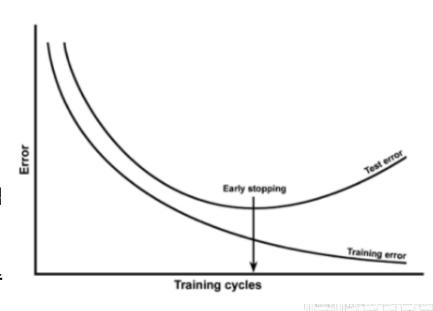
#### 나쁜 데이터와 나쁜 알고리즘

#### ■ 관련 없는 특성

- 훈련 데이터에 관련 없는 특성이 적고 관련 있는 특성이 충분해야 학습을 진행할 수 있다.
- 훈련에 사용할 좋은 특성들을 찾아야 하며, 이를 특성 공학(Feature Engineering)이라고 한다. 특성 공학은 다음과 같은 작업을 포함한다.
  - 특성 선택 (Feature Selection): 가지고 있는 특성 중에서 훈련에 가장 유용한 특성을 선택한다.
  - 특성 추출 (Feature Extraction) : 특성을 결합하여 더 유용한 특성을 만든다.
  - 새로운 데이터를 수집해 새 특성을 만든다.

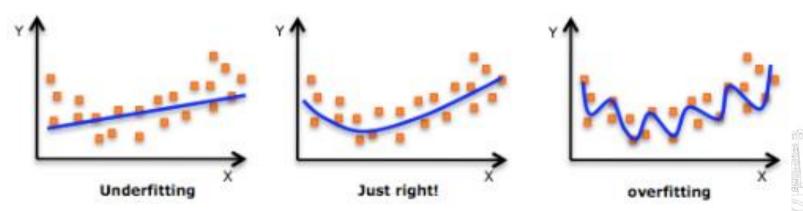
#### □ 나쁜 알고리즘

- 과대적합(Overfitting)
  - 학습데이터를 과하게 잘 학습한 것을 의미
  - 새로운 데이터나 테스트 데이터에서는 해당
     학습한 내용이 제대로 반영되지 못할 수 있다.
  - 학습 데이터에 대해서는 오차가 감소하지만, 실제 데이터에 대해서는 오차가 증가하는 지점 이 존재한다.
  - 그림에서는 테스트 에러가 감소하다 갑자기
     치솟는 부분에서 과대적합이 발생했다고 볼 수 있다.



#### 나쁜 데이터와 나쁜 알고리즘

- 과대적합의 해결 방법
  - 파라미터 수가 적은 모델을 선택하거나, 모델에 제약을 가하여 단순화시킨다.
  - 훈련 데이터를 더 많이 확보한다.
  - 훈련 데이터의 잡음을 줄인다. (Outlier, Error 제거)
- 과소적합(Underfitting)
  - 과대적합의 반대 개념
  - 델이 너무 단순해서 데이터의 내재된 구조를 학습하지 못할 때 발생한다.
  - 과소적합의 해결 방법
    - 파라미터가 더 많은 강력한 모델을 선택한다.
    - 학습 알고리즘에 더 좋은 특성을 제공한다.
    - \_ 모델의 제약을 줄인다.
- 데이터를 올바르게 학습시키기 위해서는 과대적합과 과소적합의 중간점을 찾는 것이 좋다. 아래 그림에서 보이는 바와 같이 너무 잘 분류해도, 분류하지 못해도 올바른 모델이라고 할 수 없다.



#### □ 테스트와 검증

- 모델이 새로운 샘플에 얼마나 잘 일반화 될지 아는 방법
  - 새로운 샘플에 실제로 테스트 하는 방법
    - 실제 서비스에 모델을 넣고 잘 동작하는지 모니터링 하는 것
  - 훈련 데이터를 훈련세트와 테스트 세트로 니누어 테스트 하는 방법
    - 새로운 샘플에 대한 오류 비율을 일반화 오차(Generalization Error)라고 하며 테스트 세트에서 모델을 평가 함으로써 이 오차에 대한 추정값(Estimation)을 얻는다.
    - 이 값이 새로운 샘플에 모델이 얼마나 잘 작동하는지 알려준다.
    - 훈련 오차가 낮고 일반화 오차가 높다면 이는 모델이 훈련에 의해 과적합 되었음을 뜻한다는것을 알 수 있다.
- 하이퍼파라미터 튜닝과 모델 선택
  - 딥러닝 모델을 구축할 때, 훈련 데이터와 테스트 데이터만으로도 훈련의 척도를 판단할 수 있다.
  - 하지만, 훈련 데이터에 대한 학습만을 바탕으로 모델의 설정(Hyperparameter)를 튜닝하게 되면 과대적합(overfitting)이 일어날 가능성이 매우 크다.
  - 또한, 테스트 데이터는 학습에서 모델에 간접적으로라도 영향을 미치면 안 되기 때문에 테스트 데이터로 검증을 해서는 안 된다.
  - 그래서 검증(validation) 데이터셋을 따로 두어 매 훈련마다 검증 데이터셋에 대해 평가하여 모델을 튜닝해야 한다.

- 홀드아웃 검증(Hold-out validation)
  - 기본적인 검증 방법으로 단순히 훈련데이터와 테스트 데이터로 나누고, 나눠진 훈련데이터에서 다시 검증 데이터셋을 따로 떼어내는 방법이다.



- 이 방식의 문재점은 데이터가 적을 때는 각 데이터셋이 전체 데이터를 통계적으로 대표하지 못할 가능성이 높다. 즉, 하나의 데이터셋에 다양한 특징을 지닌 데이터들이 포함되지 않을 수 있다는 것이다.
  - 이를 확인하는 방법은 새롭게 데이터를 셔플링하여 다시 모델을 학습시켰을 때 모델의 성능이 많이 차이가 나면 이 문제라고 볼 수 있다.
- K-겹 교차 검증(K-fold cross-validation)
  - 홀드아웃에 비해 훈련 세트의 분할에 덜 민감한 성능 추정을 얻을 수 있다.
  - 중복을 허락하지 않고 훈련 데이터 셋을 k개의 폴드로 랜덤하게 나눈 뒤, k-1개의 폴드로 모델을 훈련하고 나머지 하나의 폴드로 성능을 평가한다.
  - 이 과정을 k번 반복하여 k개의 모델과 성능 추정을 얻는다.
  - 만족할만한 성능이 나온 하이퍼파라미터를 찾은 후에는 전체 훈련 세트를 사용하여 모델을 다시 훈련하고 독립적인 테스트 세트를 이용하여 최종 성능 추정을 한다.
  - 모델의 총 validation score는 각 훈련의 validation score의 평균이다.



#### • 데이터를 나눌 시 주의점

- 대표성 : 훈련 데이터셋과 테스트 데이터셋은 전체 데이터에 대한 대표성을 띄고 있어야 한다.
- 시간의 방향: 과거 데이터로부터 미래 데이터를 예측하고자 할 경우에는 데이터를 섞어서는 안 된다.
   이런 문제는 훈련 데이터셋에 있는 데이터보다 테스트 데이터셋의 모든 데이터가 미래의 것이어야 한다.
- 데이터 중복: 각 훈련, 검증, 테스트 데이터셋에는 데이터 포인트의 중복이 있어서는 안 된다. 데이터가 중복되면 올바른 평가를 할 수 없기 때문이다.

#### □ K-fold cross-validation 예제(jupyter notebook 사용)

Ex1)

```
from sklearn.datasets import load_boston
import pandas as pd
boston = load_boston()

dfX = pd.DataFrame(boston.data, columns=boston.feature_names)

dfy = pd.DataFrame(boston.target, columns=["MEDV"])

df = pd.concat([dfX, dfy], axis=1)

df

from sklearn.model_selection import train_test_split

df_train, df_test = train_test_split(df, test_size=0.3, random_state=0)

df_train.shape, df_test.shape

dfX_train, dfX_test, dfy_train, dfy_test = train_test_split(dfX, dfy, test_size=0.3, random_state=0)

dfX_train.shape, dfy_train.shape, dfX_test.shape, dfy_test.shape
```

• # 교차검증 예제 1

```
from sklearn.model selection import KFold
import statsmodels.api as sm
import numpy as np
scores = np.zeros(5)
cv = KFold(5, shuffle=True, random state=0)
for i, (idx_train, idx_test) in enumerate(cv.split(df)):
  df_train = df.iloc[idx_train]
  df test = df.iloc[idx test]
  # 선형 회귀분석
  model = sm.OLS.from_formula("MEDV ~ " + "+".join(boston.feature_names),
                                                                          data=df train)
  result = model.fit()
  pred = result.predict(df test)
  rss = ((df test.MEDV - pred) ** 2).sum()
  tss = ((df test.MEDV - df test.MEDV.mean())** 2).sum() rsquared = 1 - rss / tss
  scores[i] = rsquared
   print("학습 R2 = {:.8f}, 검증 R2 = {:.8f}".format(result.rsquared, rsquared))
```

• # 교차검증 예제 2 from sklearn.metrics import r2\_score scores = np.zeros(5) cv = KFold(5, shuffle=True, random\_state=0) for i, (idx\_train, idx\_test) in enumerate(cv.split(df)): df\_train = df.iloc[idx\_train] df\_test = df.iloc[idx\_test] model = sm.OLS.from\_formula("MEDV ~ " + "+".join(boston.feature\_names), data=df\_train) result = model.fit() pred = result.predict(df\_test) rsquared = r2\_score(df\_test.MEDV, pred)

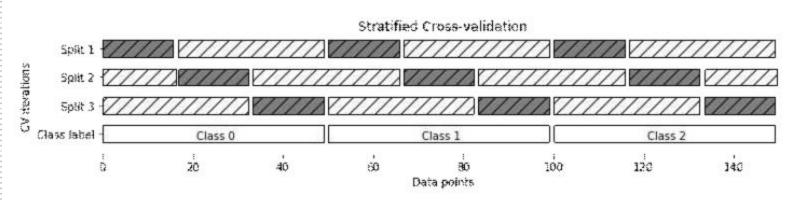
scores # 검증 결과 출력

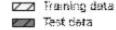
scores[i] = rsquared # 검증 결과 차례로 저장

• # 교차검증 예제 3 from sklearn.base import BaseEstimator, RegressorMixin import statsmodels.formula.api as smf import statsmodels.api as sm class StatsmodelsOLS(BaseEstimator, RegressorMixin): def init (self, formula): self.formula = formula self.model = None self.data = None self.result = None def fit(self, dfX, dfy): self.data = pd.concat([dfX, dfy], axis=1) self.model = smf.ols(self.formula, data=self.data) self.result = self.model.fit() def predict(self, new data): return self.result.predict(new data) from sklearn.model selection import cross val score model = StatsmodelsOLS("MEDV ~ " + "+".join(boston.feature names)) cv = KFold(5, shuffle=True, random state=0) cross val score(model, dfX, dfy, scoring="r2", cv=cv)

#### stratified

- 트레인셋과 밸리데이션셋을 무작위로 나누기 때문에 hold-out할 때 타겟 클래스가 일정하지 않을 수도 있다.
- 이 경우, 트레인셋과 밸리데이션셋의 데이터 분포가 달라지므로 학습에도 영향을 미친다.
- 기계학습은 학습 데이 터의 분포와 현실 세계 데이터의 분포가 동일하다는 전제가 있다. 기본 전제가 무너지므로 학습 모델의 성능이 떨어지게 되는 것이다.
- 이를 예방하기 위해서 타겟 클래스의 비율이 일정하게 나누어주는 것을 stratified 기법이 라고 한다.





#### Ex1)

```
# KFold 대신 StratifiedKFold 사용
from sklearn.datasets import load_iris
import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier
data = load iris()
iris = pd.DataFrame(data=data.data, columns=data.feature names)
target = pd.Series(data.target, dtype="category")
target =target.cat.rename_categories(data.target_names)
iris["species"] = target
iris.rename({"sepal length (cm)": "sepal length", "sepal width (cm)": "sepal width", "petal length
(cm)":"petal_length", "petal width (cm)":"petal_width"}, axis=1, inplace=True)
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(iris.iloc[:, :-1],
        iris.iloc[:, -1], test size=0.33, random state=42)
model = DecisionTreeClassifier(criterion="gini", splitter="best", max_depth=None,
           min_samples_split=2, min_samples_leaf=1, min_weight_fraction_leaf=0.0,
           max_features=None, random_state=42, max_leaf_nodes=None,
```

min impurity decrease=0.0, min impurity split=None,

class weight=None)

```
# KFold 대신 StratifiedKFold 사용
from sklearn.model_selection import StratifiedKFold
from sklearn.model_selection import cross_val_score

cv = StratifiedKFold(n_splits=10, shuffle=True, random_state=42)
results = cross_val_score(model, X_train, y_train, cv=cv)
fin_result = np.mean(results)
for i, _ in enumerate(results):
    print("{}번째 교차검증 정확도: {}".format(i, _))

print("교차검증 최종 정확도: {}".format(fin_result))
```

#### ■ Ex2) 앞부분은 앞 예제와 동일

```
# StratifiedKFold 대신 KFold 사용

cv = KFold(n_splits=10, shuffle=True, random_state=42)

results = cross_val_score(model, X_train, y_train, cv=cv)

fin_result = np.mean(results)

for i, _ in enumerate(results):
    print("{}번째 교차검증 정확도: {}".format(i, _))

print("교차검증 최종 정확도: {}".format(fin_result))
```