

## Align results

## Overview

## Trees

### Percent Identity Matrix

## Text Output

## Input Parameters

## API Request

Map IDs  Download  Resubmit

"Similarity" highlight ▾ Showing "Mutagenesis" in "sp|Q8WUI4|HDAC7\_HUMAN" ▾

View: ☐ Overview ☒ Wrapped

Species	Sequence	Score
sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- - - - -	0
sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- - - - -	8
sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	- - - - - M H S M I S S V	31
sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	M N S P N E S D G M S G R E P S L E I L P R T S L H S I P V T V	61
sp P56524 HDAC4_HUMAN	M S S Q S H P D G L S G R D Q P V E L L N P A R V N H M P S T V	56

### Q8WUI4:Mutagenesis

Species	Protein	Sequence	Score
<input type="checkbox"/>	sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- - - - -	0
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	P - - - P V - - - - E P P P E P T L L A L Q R P Q R L H H H L	44
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	M M M P V V D P V V R E K Q L Q Q E L L L I Q Q Q Q Q I Q K Q L	92
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	A L V G S V D P T L R E Q Q L Q Q E L L A L K Q Q Q Q L Q K Q L	125
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	F S L P V A E P A L R E Q Q L Q Q E L L A L K Q K Q Q I Q R Q I	120

### Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- - - - -	M T S T G Q	- - - - -	- - - - -	- - - - -	D S T T T R	- - - - -	- - - - -	17
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- - - - -	P	- - - - -	- - - - -	M R L S M D T P M P E L Q V	- - - - -	- - - - -	- - - - -	91
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	I K Q Q Q E L L E K E Q K L E Q Q	- - - - -	- - - - -	R Q E Q E V E R	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	149
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	A K Q Q Q E M L A A K R Q Q E L E Q Q R Q R E Q Q R Q E E L E K	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	- - - - -	189
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	M K H Q Q E L L E H Q R K L E R H	- - - - -	- - - - -	- - - - -	R Q E Q E L E K	- - - - -	- - - - -	- - - - -	177

### Q8WUI4:Mutagenesis

Protein	Sequence	Score
<input type="checkbox"/> sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/> sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/> sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/> sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/> sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- - - - -	29
<input checked="" type="checkbox"/> sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	V I L K K Q Q A A L E R T - - V - - - H P N S P G I P Y R T L E	144

## Feedback



<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	F L L S K S A T D T P N G K N H S V S R H P K L W Y T A A H	209
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	F L L S K S K - - E P T P G G L N H S L P Q H P K C W G A - - H	235
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	F V L N K K K - - A L A H R N L N H C I S S D P R Y W Y G K T Q	

Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- - - - - T S K R N I - - - - - K K G - A V P R S I P	68
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	P E H F P L R K T V S E P N L K L R Y K P K K S - L E R R K N P	200
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	K D D F P L R K T A S E P N L K V R S R L K Q K V A E R R S S P	266
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	R D D F P L R K T A S E P N L K V R S R L K Q K V A E R R S S P	310
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	K D D F P L R K T A S E P N L K L R S R L K Q K V A E R R S S P	291

Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- - - - - V G L Q G M D L N -	108
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	S S S T P A S G C S S P N D S E H G P - - - - - N P I	254
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	S S S S P G S G P S S P N N G P T G S V T E N E T S V L P P T P	330
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	C N S A P G S G P S S P N S S H - S T I A E N G F T G S V P N I	372
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	C S S A P G S G P S S P N N S S G S V S A E N G I A P A V P S I	354

Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	P E R L H A I K E Q L I Q E G L L D R C V S F Q A R F A E K E E	172
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	T L G L P A P A R A D S - - - - -	284
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	T L G L P A V P S Q L N A - - - - - S N S L K E K Q -	369
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	S L G L Q A T V T V T N S - - - - - H L T A S P K L S T Q Q E	418
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	T L G L P A T G P S A G T - - - - - A G Q Q D	388



Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - -	0
<input type="checkbox"/>	sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	S V Y L H P N S Y S C A C L A S G S V L R L V D A V L G A E I R	236
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- - - H - - - - - T P L F L P - H G L E P E A - G G T L P S R L	330
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	G S I P - - - - - A S S S H P H V T L E G K P P N S S H Q A L L	416
<input checked="" type="checkbox"/>	sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	S T S S - - - - - I P G C L L G V A L E G D G S P H G H A S L L	463
<input checked="" type="checkbox"/>	sp P56524 HDAC4_HUMAN	P G T H - - - - - L T P Y L S T S P L E R D G - G A A H S P L L	436

Q8WUI4:Mutagenesis























<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	Q[S]SPAAASVLPHPA - - - - -MDRPL - -	541
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	Q[S]SPAAPGGMKSP - - - - -PDQPV - -	654
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	Q[S]SPASATFPVSV - - - - -QEPPT - -	704
<input checked="" type="checkbox"/>		sp P56524 HDAC4_HUMAN		675



#### Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>		sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	A K I P K R A [S] M V H S L I E A Y A L H K Q M R I V K P K V A S	92
<input type="checkbox"/>		sp O15379 HDAC3_HUMAN	P M K P H R L A L T H S L V L H Y G L Y K K M I V F K P Y Q A S	84
<input type="checkbox"/>		sp Q92769 HDAC2_HUMAN	P M K P H R I R M T H N L L L N Y G L Y R K M E I Y R P H K A T	91
<input type="checkbox"/>		sp Q13547 HDAC1_HUMAN	P M K P H R I R M T H N L L L N Y G L Y R K M E I Y R P H K A N	90
<input type="checkbox"/>		sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	P E V P Q R I L R I M C R L E E L G L A G R C L T L T P R P A T	559
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	P E H A G R I Q S I W S R L Q E R G L R S Q C E C L R G R K A S	604
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	P E H A G R I Q S I W S R L Q E T G L L N K C E R I Q G R K A S	717
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	P E H A G R I Q [S] I W S R L Q E T G L L S K C E R I R G R K A T	767
<input checked="" type="checkbox"/>		sp P56524 HDAC4_HUMAN	P E H A G R I Q S I W S R L Q E T G L R G K C E C I R G R K A T	738


#### Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>		sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- - - - S I E Y G L G Y [D] C P - - - - A T E G I F D Y A A - - -	140
<input type="checkbox"/>		sp O15379 HDAC3_HUMAN	- - - - L N A F N V G D D C P - - - - V F P G L F E F C S - - -	132
<input type="checkbox"/>		sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- - - - M Q R F N V G E D C P - - - - V F D G L F E F C Q - - -	139
<input type="checkbox"/>		sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- - - - M Q R F N V G E D C P - - - - V F D G L F E F C Q - - -	138
<input type="checkbox"/>		sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	H R E - - - - - - - - - - S S N F D S I Y I C P S T F A	608
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	A G L L A Q R M F V M L P C G G V G V D T D T I W N E L H S S N	667
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	L G D D S Q K F F S S L P C G G L G V D S D T I W N E L H S S G	780
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	L G P I S Q K M Y A V L P C G G I G V D S D T V W N E M H S S S	830
<input checked="" type="checkbox"/>		sp P56524 HDAC4_HUMAN	L G S L A S - V F V R L P C G G V G V D S D T I W N E V H S A G	800

#### Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>		sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	W[H]H A K K D E A S G F C Y L N D A V L G I L R L R R - - - K F	201
<input type="checkbox"/>		sp O15379 HDAC3_HUMAN	L H H A K K F E A S G F C Y V N D I V I G I L E L L K - - - Y H	193
<input type="checkbox"/>		sp Q92769 HDAC2_HUMAN	L H H A K K S E A S G F C Y V N D I V L A I L E L L K - - - Y H	200
<input type="checkbox"/>		sp Q13547 HDAC1_HUMAN	L H[H] A K K S E A S G F C Y V N D I V L A I L E L L K - - - Y H	199
<input type="checkbox"/>		sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	G H[H] A E Q D A A C G F C F F N S V A V A A R H A Q T I S G H A	672
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	G H H A D H S T A M G F C F F N S V A I A C R Q L Q Q Q S - K A	730
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	G H H A E E S T A M G F C F F N S V A I T A K Y L R D Q L - N I	843
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	G H H A E E S T A M G F C F F N S V A I T A K L L Q Q K L - N V	893
<input checked="" type="checkbox"/>		sp P56524 HDAC4_HUMAN	G H[H] A E E S T P M G F C Y F N S V A V A A K L L Q Q R L - S V	863

#### Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>		sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	K F S P G - F F P G - - T G D V S D V G L G K G R Y Y S V N V P	258
<input type="checkbox"/>		sp O15379 HDAC3_HUMAN	K Y G N Y - F F P G - - T G D M Y E V G A E S G R Y Y C L N V P	250
<input type="checkbox"/>		sp Q92769 HDAC2_HUMAN	K Y G E Y - - F P G - - T G D L R D I G A G K G K Y Y A V N F P	256
<input type="checkbox"/>		sp Q13547 HDAC1_HUMAN	K Y G E Y - - F P G - - T G D L R D I G A G K G K Y Y A V N Y P	255
<input type="checkbox"/>		sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	R Y D H G T F F P M G D E G A S S Q I G R A A G T G F T V N V A	733
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	R H D D G N F F P G - - S G A V D E V G A G S G E G F N V N V A	792
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	R Y D E G N F F P G - - S G A P N E V G T G L G E G Y N I N I A	905
<input checked="" type="checkbox"/>		sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	R Y D N G N F F P G - - S G A P E E V G G G P G V G Y N V N V A	955
<input checked="" type="checkbox"/>		sp P56524 HDAC4_HUMAN	R Y D D G N F F P G - - S G A P D E V G T G P G V G F N V N M A	925

A	V	V	L	Q	L	G	A	D	T	I	A	G	D	-	-	P	M	C	S	F	N	M	T	P	V	G	I	G	K	C	L	319
C	I	V	L	Q	C	G	A	D	S	L	G	C	D	-	-	R	L	G	C	F	N	L	S	I	R	G	H	G	E	C	V	311
A	V	V	L	Q	C	G	A	D	S	L	S	G	D	-	-	R	L	G	C	F	N	L	T	V	K	G	H	A	K	C	V	317
A	V	V	L	Q	C	G	S	D	S	L	S	G	D	-	-	R	L	G	C	F	N	L	T	I	K	G	H	A	K	C	V	316
L	V	L	V	S	A	G	F	D	A	A	R	G	D	-	-	P	L	G	G	C	Q	V	S	P	E	G	Y	A	H	L	T	795
L	V	L	V	S	A	G	F	D	A	A	E	G	H	P	A	P	L	G	G	Y	H	V	S	A	K	C	F	G	Y	M	T	856
M	V	L	V	S	A	G	F	D	A	L	E	G	H	T	P	P	L	G	G	Y	K	V	T	A	K	C	F	G	H	L	T	969
V	V	L	V	S	A	G	F	D	A	V	E	G	H	L	S	P	L	G	G	Y	S	V	T	A	R	C	F	G	H	L	T	1019
V	V	L	V	S	S	G	F	D	A	V	E	G	H	P	T	P	L	G	G	Y	N	L	S	A	R	C	F	G	Y	L	T	989

GV	I	L	G	K	T	L	S	S	E	I	P	D	H	E	F	F	T	A	Y	G	P	D	Y	V	L	E	I	T	P	S	377	
S	L	L	V	E	E	A	I	S	E	E	L	P	Y	S	E	Y	F	E	Y	F	A	P	D	F	T	L	H	P	D	V	S	372
A	V	A	L	D	C	E	I	P	N	E	L	P	Y	N	D	Y	F	E	Y	F	G	P	D	F	K	L	H	I	S	P	S	377
A	V	A	L	D	T	E	I	P	N	E	L	P	Y	N	D	Y	F	E	Y	F	G	P	D	F	K	L	H	I	S	P	S	376
R	S	L	L	G	D	P	P	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	P	L	L	T	L	P	R	P	P	L	840	
A	A	L	L	G	N	R	V	D	P	-	L	-	-	-	-	-	-	-	-	-	S	E	E	G	W	K	Q	K	P	N	904	
N	A	L	L	G	N	E	L	E	P	-	L	-	-	-	-	-	-	-	-	-	A	E	D	I	L	H	Q	S	P	N	1011	
S	A	L	L	S	V	E	L	Q	P	-	L	-	-	-	-	-	-	-	-	-	D	E	A	V	L	Q	Q	K	P	N	1067	
S	A	L	L	G	N	E	L	D	P	-	L	-	-	-	-	-	-	-	-	-	P	E	K	V	L	Q	Q	R	P	N	1037	








- - - - - 377  
P S V Q I H - - - - D V P A D L L T Y D R T D E A D A E E 412  
P G V Q M Q - - - - A I P E D A V H E D S G D E D G E D - 420  
P G V Q M Q - - - - A I P E D A I P E E S G D E D E D D - 419  
D R E G P S S S K L V T K K A P Q P A K P R - - - - L A E R M T 899  
P D S W V - - P R - - - - V P - G A D K E - - - - E V E A V T 942  
- - - - - 1011  
L G R S L - - R E - - - - A Q - A G E T E - - - - E A E T V S 1114  
A G R S L - - I E - - - - A Q - T C E N E - - - - E A E T V T 1076

```

- - - - - FYDGDHNDK - - - - - 377
- - - - - FSDSEDEGEGRNVADHK - - - KGA 428
- - - - - FSDSEDEGEGRNVADHK - - - KGA 463
- - - - - FSDSEDEGEGRNVADHK - - - KGA 461
TAVVALTQDQPSEAATGGATLAQTISEAAIGG 963
- - - - - LVEEEEP MNL - - - - - 952
- - - - - - - - - - - - - - - - - 1011
- - - - - PME QEPAL - - - - - 1122
- - - - - PMEEEPPL - - - - - 1084

```

..... 377  
 ..... 428  
 EDKSKDNSGEKTDTKGKSE .....

<input type="checkbox"/>	 sp Q92769 HDAC2_HUMAN	E E K T K E E - - - K P E A K G V K E E - - - - - - - - - -	488
<input type="checkbox"/>	 sp Q13547 HDAC1_HUMAN	Q T T S E D A V G G A T L G Q T T S E E A V G G A T L A Q T T S E	482
<input type="checkbox"/>	 sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	- -	1027
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- -	952
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	- -	1011
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	- -	1122
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp P56524 HDAC4_HUMAN	- -	1084

Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	 sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- -	377
<input type="checkbox"/>	 sp O15379 HDAC3_HUMAN	- -	428
<input type="checkbox"/>	 sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- -	488
<input type="checkbox"/>	 sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- -	482
<input type="checkbox"/>	 sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	D H Q T P P T S P V Q G T T P Q I S P S T L I G S L R T L E L G S	1091
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- -	952
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	- -	1011
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	- -	1122
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp P56524 HDAC4_HUMAN	- -	1084

Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	 sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- -	377
<input type="checkbox"/>	 sp O15379 HDAC3_HUMAN	- -	428
<input type="checkbox"/>	 sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- -	488
<input type="checkbox"/>	 sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- -	482
<input type="checkbox"/>	 sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	M Q G S R G L T D Q A I F Y A V T P L P W C P H L V A V C P I P A	1155
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- -	952
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	- -	1011
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	- -	1122
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp P56524 HDAC4_HUMAN	- -	1084

Q8WUI4:Mutagenesis

<input type="checkbox"/>	 sp Q9BY41 HDAC8_HUMAN	- -	377
<input type="checkbox"/>	 sp O15379 HDAC3_HUMAN	- -	428
<input type="checkbox"/>	 sp Q92769 HDAC2_HUMAN	- -	488
<input type="checkbox"/>	 sp Q13547 HDAC1_HUMAN	- -	482
<input type="checkbox"/>	 sp Q9UBN7 HDAC6_HUMAN	Y I N G H M L Q H H G N S G H P L V L S Y I D L S A W C Y Y C Q	1215
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q8WUI4 HDAC7_HUMAN	- -	952
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UKV0 HDAC9_HUMAN	- -	1011
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp Q9UQL6 HDAC5_HUMAN	- -	1122
<input checked="" type="checkbox"/>	 sp P56524 HDAC4_HUMAN	- -	1084

Q8WUI4:Mutagenesis





Core data	Supporting data	Information
Proteins (UniProtKB)	Literature citations	Cite UniProt™
Species (Proteomes)	Taxonomy	About & Help
Protein clusters (UniRef)	Keywords	UniProtKB manual
Sequence archive (UniParc)	Subcellular locations	Technical corner
	Cross-referenced databases	Expert biocuration
	Diseases	Statistics


Get in touch 



UniProt is an ELIXIR core data resource



UniProt is a GBC global core biodata resource



GLOBAL  
CORE  
BIODATA  
RESOURCE