

Lab 6. Cloud. Jaime carreto Sánchez

Durante la práctica hemos aprendido a utilizar Docker, una herramienta que permite construir contenedores. Estos contenedores facilitan el uso de herramientas de software específicas en el ordenador, evitando procesos de instalación complicados y ahorrando tiempo.

Como es habitual, para utilizar Docker primero tuve que instalar su versión de escritorio desde la página oficial, ya que se trata de un software de uso libre. Lo más complicado fue instalar el kernel de Linux; para lograrlo, tuve que reiniciar el ordenador varias veces y entrar en la BIOS. Aunque fue un proceso engorroso, al final logré instalarlo correctamente. Por último, creé una cuenta en DockerHub para subir las imágenes y contenedores.

Para comenzar la práctica, utilicé MobaXterm en una sesión local. Durante la mayor parte de la práctica, el programa funcionó correctamente. Sin embargo, encontré problemas al realizar la alineación utilizando **blastp**, ya que MobaXterm no reconocía bien la ruta. Una vez identifiqué este problema, lo solucioné rápidamente y no tuve más inconvenientes.

Por lo tanto, considero que el principal problema de la práctica fue este: especificar que MobaXterm puede tener dificultades al manejar ciertas rutas. Aunque yo tardé menos de 20 minutos en darme cuenta de lo que estaba ocurriendo, hubo compañeros que tardaron mucho más o incluso no lo detectaron hasta que se explicó en clase.

Por otro lado, los aspectos positivos de la práctica incluyen el comenzar a familiarizarnos con Docker, una habilidad esencial para nosotros como futuros bioinformáticos. No obstante, creo que, al menos en mi caso, necesitaré seguir aprendiendo más sobre esta herramienta, ya que hasta ahora solo hemos visto la punta del iceberg.