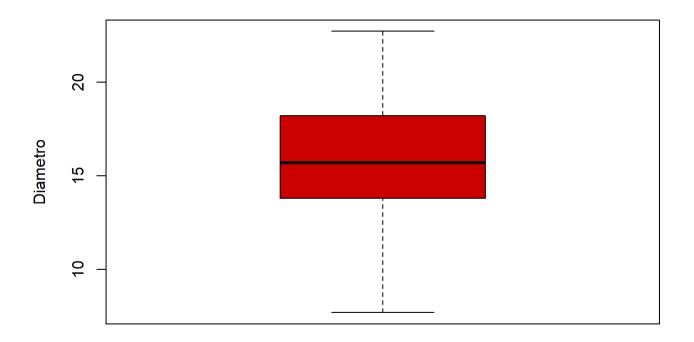
Script3.R

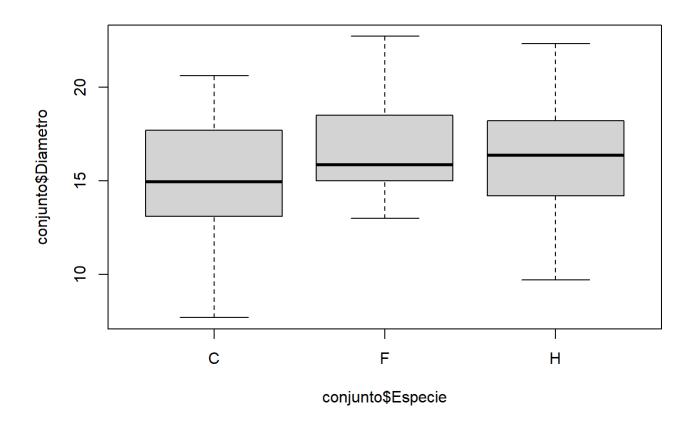
jairo

2023-03-02

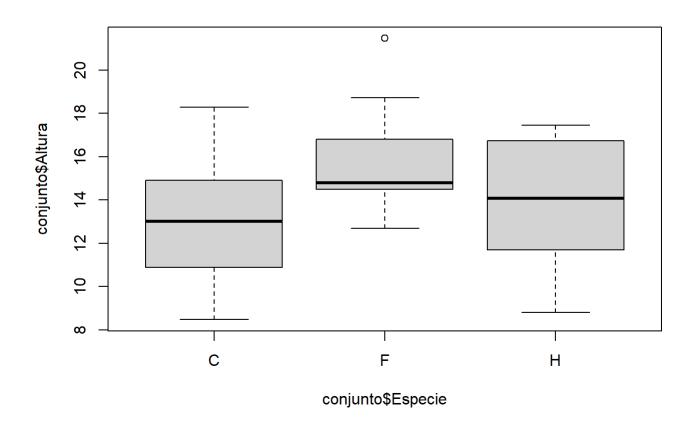
```
# Script 3 de clase
# Maestría en Ciencias Forestales UANL
# Almuno: Jairo Alberto Leal Gómez
# Matricula: 1723093
library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")</pre>
## Downloading data from: https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1
## SHA-1 hash of the downloaded data file is:
## 2bdde4663f51aa4198b04a248715d0d93498e7ba
head(conjunto)
##
     Arbol Fecha Especie Clase Vecinos Diametro Altura
                       F
                                      4
         1
              12
                              C
                                            15.3 14.78
## 1
                       F
## 2
         2
              12
                                      3
                                            17.8 17.07
## 3
         3
               9
                       C
                             D
                                      5
                                            18.2 18.28
         4
               9
                             S
                                      4
                                             9.7
## 4
                       Н
                                                   8.79
               7
         5
                       Н
                              Ι
## 5
                                      6
                                            10.8 10.18
## 6
              10
                       C
                              Ι
                                      3
                                            14.1 14.90
# int = número integral
# chr = carácter
# num = numero
# Para sobrescribir la variable a factor (número)
conjunto$Especie <- as.factor(conjunto$Especie)</pre>
conjunto$Clase <- as.factor(conjunto$Clase)</pre>
# Boxplot de diametro
boxplot(conjunto$Diametro,
        col = "red3",
        ylab = "Diametro")
```



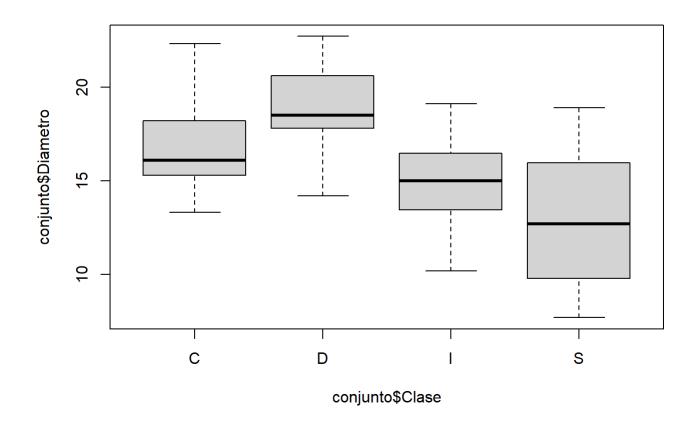
Boxplot diametro en función de la ESPECIE
boxplot(conjunto\$Diametro ~ conjunto\$Especie)



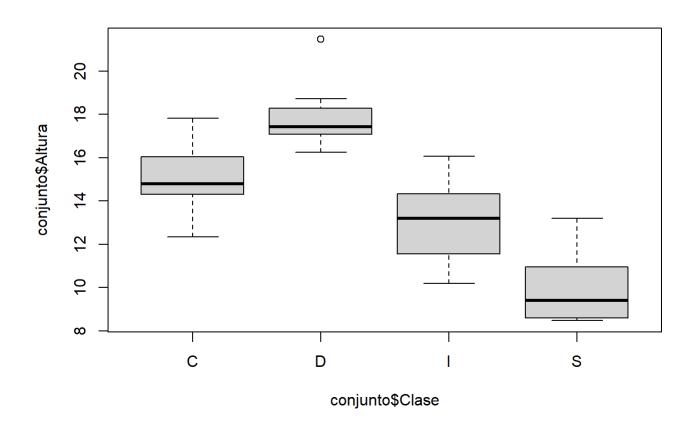
Boxplot altura en función de la ESPECIE boxplot(conjunto\$Altura ~ conjunto\$Especie)



Boxplot diametro en función de la CLASE
boxplot(conjunto\$Diametro ~ conjunto\$Clase)



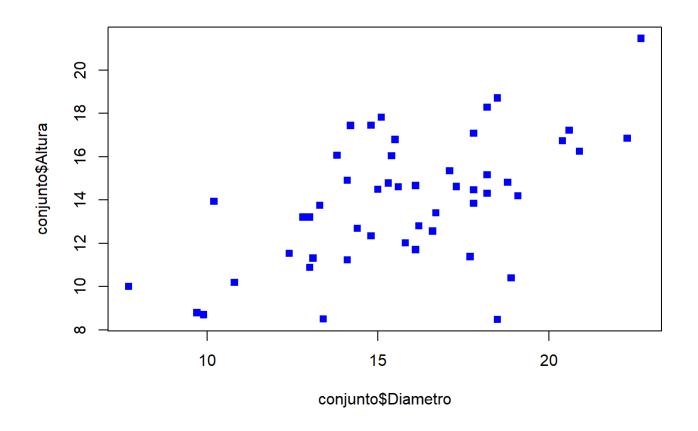
Boxplot altura en función de la CLASE boxplot(conjunto\$Altura ~ conjunto\$Clase)



```
# Correlacion
cor.test(conjunto$Diametro, conjunto$Altura) # <-- Correlacion baja, pero signficativa</pre>
```

```
##
## Pearson's product-moment correlation
##
## data: conjunto$Diametro and conjunto$Altura
## t = 4.7755, df = 48, p-value = 1.724e-05
## alternative hypothesis: true correlation is not equal to 0
## 95 percent confidence interval:
## 0.3434347 0.7304827
## sample estimates:
## cor
## 0.5675298
```

```
plot(conjunto$Diametro, conjunto$Altura, col = "blue", pch = 15)
```



- # No importa el orden de las variables
- # Prueba de t para comparar dos muestras
- # Análisis de varianza, ANOVA para comparar mas de 2 muestras
- # Las diferencias o semejanzas tiene que ver cuanto se traslapa el rango intercuantil (Q1-Q3) en tre muestras