Projekt ZUM

Temat: Tworzenie zespołu modeli klasyfikacji przez wielokrotne stosowanie dowolnego algorytmu klasyfikacji do bootstrapowych prób ze zbioru trenującego z losowo wybranym podzbiorem atrybutów. Porównanie z algorytmami klasyfikacji tworzącymi pojedyncze modele oraz implementacjami algorytmów bagging i random forest dostępnymi w środowisku R lub Python

Dokumentacja wstępna Autorzy: Jakub Szczepanowski, Oleh Hoba Prowadzący: Stanisław Kozdrowski

1. Interpretacja tematu projektu

Idea modeli zespołowych polega na stworzeniu modelu będącego silnym klasyfikatorem na podstawie wielu składowych klasyfikatorów słabych (modele bazowe). Najbardziej popularnym, ale również skutecznym modelem tego typu jest las losowy. Las losowy to metoda uczenia zespołowego, w którym jak sama nazwa wskazuje stosuje się wiele drzew decyzyjnych do predykcji. Słowo "losowy" w nazwie wskazuje na zastosowanie losowości w celu otrzymania różnych, słabszych modeli, które razem będą głosować do jakiej klasy należy przyporządkować dany przykład. Metody zespołowe charakteryzują się swobodą w zapewnianiu różnorodności modeli bazowych, dlatego można eksperymentować stosując różne algorytmy, zbiory trenujące itd. W tym projekcie zostaną zastosowane różne modele bazowe, które będą trenowane za pomocą różnych losowych podzbiorów zbioru uczącego powstałych poprzez losowanie próbek ze zwracaniem zwane agregacją. Do tego należy również dołożyć losowanie atrybutów dla każdego podzbioru, żeby osiągnąć jeszcze większą różnorodność. Ta druga opcja powinna zostać dodana jako hiperparametr regularyzacyjny estymatora. Liczba losowanych atrybutów może być różna, ale popularnym wyznacznikiem ilości jest zaokraglona w dół wartość pierwiastka kwadratowego z liczby atrybutów. Druga stosowaną techniką jest zlogarytmowanie liczby atrybutów z użyciem podstawy 2.

Niezbędnym z punktu widzenia modeli zespołowych elementem predyktora jest głosowanie. Może odbywać się ono na dwa różne sposoby. Jeżeli modele bazowe zwracają wynik wskazując na konkretną klasę użyte zostanie głosowanie twarde. W tym przypadku klasa, która otrzymała najwięcej głosów wygrywa. Natomiast jeżeli modele składowe są w stanie zwrócić wartość prawdopodobieństwa przynależności do danych klas zostanie użyte tzw. głosowanie miękkie. Dzięki technice głosowania miękkiego można uzyskać lepszą jakość, ponieważ zawiera się w nim miara pewności modelu za wskazaniem jakiejś konkretnej klasy. Samo głosowanie odbywa się poprzez uśrednianie prawdopodobieństw i zwracanie maksymalnego wyniku.

Elementem algorytmu uczenia maszynowego jest osłabianie modeli składowych za pomocą technik zwanych: agregacją bootstrapową, wklejaniem oraz stosowaniem podprzestrzeni losowych. Agregacja - jak to już zostało wspomniane - polega na losowaniu próbek ze zbioru trenującego ze zwracaniem, wklejanie natomiast na próbkowaniu bez zwracania. Zastosowanie podprzestrzeni losowej to po prostu wylosowanie atrybutów, do których ma być zawężone uczenie modelu bazowego.

2. Opis części implementacyjnej

Zakres prac projektowych zawęża się do zaimplementowania klasy modelu zespołowego, wraz z technikami agregacji bootstrapowej, głosowania oraz losowania atrybutów. Obiekty różnych technik klasyfikacji będą pochodziły z gotowej implementacji pochodzącej z pakietu Scikit-Learn. Cały projekt zostanie wykonany w języku Python. Następnym etapem będzie przeprowadzenie eksperymentów porównujących własną implementację z działaniem gotowej klasy stosującej bagging (agregowanie), lasu losowego oraz pojedynczego modelu.

3. Lista algorytmów, które będą wykorzystane w eksperymentach

- Bagging
- Logistic Regression (regresja logistyczna)
- Drzewo decyzyjne
- KNN (k-nearest neighbors)
- SVM (Support Vector Machines)
- Random Forest
- Naive Bayes
- Można też rozważyć wykorzystanie innych algorytmów klasyfikacji

4. Plan badań

W celu porównania skuteczności różnych algorytmów klasyfikacji i tworzenia zespołów modeli klasyfikacji:

- 1) Przeniesienie danych do preferowanych struktur takich jak ramka danych pakietu Pandas, czy struktura tablicowa pakietu NumPy
- 2) Wydzielenie etykiet
- 3) W razie potrzeby zmapowanie danych kategorycznych na dane numeryczne w zależności od ich charakterystyki (nominalne, rangowane)
- 4) Sprawdzenie, czy dane są kompletne oraz uzupełnienie ewentualnych wartości null wartością najczęstszej kategorii (dane kategoryczne) lub mediany (dane numeryczne)
- 5) Standaryzacja danych
- 6) Podział zbiorów danych na zbiór treningowy (80%) i zbiór testowy (20%)
- 7) Stworzenie pojedynczych modeli klasyfikacji za pomocą algorytmów:
 - o Drzewo decyzyjne
 - KNN (k-nearest neighbors)

- Logistic Regression (regresja logistyczna)
- o Naive Bayes
- SVM (Support Vector Machines)
- 8) Stworzenie zespołów modeli klasyfikacji za pomocą algorytmów:
 - o Bagging z wykorzystaniem powyższych algorytmów
 - Własnej implementacji z wykorzystaniem powyższych algorytmów
 - o Random Forest
- 9) Porównanie skuteczności pojedynczych modeli klasyfikacji, zespołów modeli klasyfikacji na podstawie metryk:
 - Accuracy (dokładność)
 - o Precision (precyzja)
 - o Recall (czułość)
 - o F1 score
 - o macierz pomyłek
 - o krzywa ROC wraz z AUC
- 10) Analiza wyników i wnioski.
- 11) Opcjonalnie, porównanie czasu trenowania i predykcji każdego algorytmu.

5. Zbiór danych

W celu przeprowadzenia eksperymentów można wykorzystać popularne zbiory danych, takie jak:

- Iris dataset zbiór danych dotyczący trzech gatunków irysów (Setosa, Versicolor, Virginica), których pąki i płatki zostały zmierzone pod względem długości i szerokości
- Breast Cancer dataset zbiór danych zawierający informacje o guzach piersi, w tym ich rozmiar, kształt, konsystencję i inne czynniki
- Wine dataset zbiór danych dotyczący cech wina, takich jak zawartość alkoholu, kwasowość, pH itp., dla trzech różnych gatunków wina
- Pima Indians Diabetes dataset zbiór danych zawierający dane diagnostyczne w celu wykrywania cukrzycy u pacjenta