

Univerza na Primorskem UP FAMNIT Študijsko leto 2024/2025

Algoritmi v bioinformatiki - 1. DOMAČA NALOGA

Maksimalno število točk: 40. Rok za oddajo: 2.4.2025

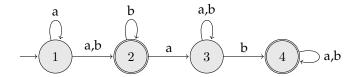
1. Konstruirajte deterministični končni avtomat, ki v mRNK materialu prepozna zaključne kodone.

(a) grafično (4 točke)

(b) s formalnim opisom peterike $[\Sigma, Q, q_0, F, \delta]$

(2,5 točk)

- 2. Kako se rešitev 1. naloge spremeni, če želimo s pomočjo končnega avtomata poiskati vse pojavitve zaključnih kodonov? Zapišite algoritem in ponazorite njegovo delovanje na delu mRNK AUAUAUGCUUGA. Koliko zaključnih kodonov vsebuje dani mRNK? (4,5 točk)
- 3. Konstruirajte determinističen končni avtomat za naslednji nedeterminističen končni avtomat



(4 točke)

- 4. Poleg postopka z uporabo končnih avtomatov, poznamo tudi druge načine, kako odgovoriti na vprašanje »Kje in kolikokrat se vzorec p pojavi v besedilu t?«. Naj bo naše besedilo t = ACCACCGACGCCCGA.
 - (a) Za vzorec p=CCGA, ponazorite delovanje algoritma KMP tako, da poiščete vzorec p v besedilu t in opišite, kako nam pri tem pomaga funkcija π . Kolikokrat in kje se vzorec p pojavi v besedilu t? (5 točk)
 - (b) Zgradite priponsko drevo za besedilo t. Opišite, kako s pomočjo priponskega drevesa učinkovito odgovorimo na vprašanje »Kje in kolikokrat se v besedilu t pojavi aminokislina prolin?« (5 točk)
 - (c) Zgradite priponsko polje za besedilo t. Opišite, kako s pomočjo priponskega polja učinkovito odgovorimo na vprašanje »Kje in kolikokrat se v besedilu t pojavi aminokislina prolin?« (5 točk)
 - (d) Besedilo t želimo zakodirati. Kateri način kodiranja nam bo dal najkrajši zapis:
 - uporaba fiksne dolžine kod,
 - uporaba Huffmanovega algoritma,
 - uporaba Burrows-Wheeler transformacije, algoritma MTF in Huffmanovega algoritma (v tem vrstnem redu).

Odgovor ustrezno utemeljite.

(10 točk)