

# Intro Datenanalyse - zweiter Teil

Jan-Philipp Kolb

07 Mai, 2019

# Einfache Graphiken erstellen

# Ein Plot sagt mehr als 1000 Worte

- Grafisch gestützte Datenanalyse ist toll
- Gute Plots können zu einem besseren Verständnis beitragen
- Einen Plot zu generieren geht schnell
- Einen guten Plot zu machen kann sehr lange dauern
- Mit R Plots zu generieren macht Spaß
- Mit R erstellte Plots haben hohe Qualität
- Fast jeder Plottyp wird von R unterstützt
- R kennt eine große Menge an Exportformaten für Grafiken

- Bereits das base Package bringt eine große Menge von Plot Funktionen mit
- Das lattice Packet erweitert dessen Funktionalität
- Eine weit über diese Einführung hinausgehende Übersicht findet sich in Murrell, P (2006): R Graphics.

# CRAN Task Views

- Zu einigen Themen sind alle Möglichkeiten in R zusammengestellt. (Übersicht der Task Views)
- Zur Zeit gibt es 35 Task Views
- Alle Pakete eines Task Views können mit folgendem Befehl installiert werden:

```
install.packages("ctv")  
library("ctv")  
install.views("Bayesian")
```

## CRAN Task Views

<a href="#">Bayesian</a>	Bayesian Inference
<a href="#">ChemPhys</a>	Chemometrics and Computational Physics
<a href="#">ClinicalTrials</a>	Clinical Trial Design, Monitoring, and Analysis
<a href="#">Cluster</a>	Cluster Analysis & Finite Mixture Models
<a href="#">DifferentialEquations</a>	Differential Equations
<a href="#">Distributions</a>	Probability Distributions
<a href="#">Econometrics</a>	Econometrics
<a href="#">Environmetrics</a>	Analysis of Ecological and Environmental Data
<a href="#">ExperimentalDesign</a>	Design of Experiments (DoE) & Analysis of Experimental Data
<a href="#">ExtremeValue</a>	Extreme Value Analysis
<a href="#">Finance</a>	Empirical Finance

# Task View zu Thema Graphiken

CRAN Task View: Graphic Displays & Dynamic Graphics & Graphic Devices & Visualization

**Maintainer:** Nicholas Lewin-Koh

**Contact:** nikko at hailmail.net

**Version:** 2015-01-07

**URL:** <https://CRAN.R-project.org/view=Graphics>

R is rich with facilities for creating and developing interesting graphics. Base R contains functionality for many plot types including coplots, mosaic plots, biplots, and the list goes on. There are devices such as postscript, png, jpeg and pdf for outputting graphics as well as device drivers for all platforms running R. [lattice](#) and grid are supplied with R's recommended packages and are included in every binary distribution. [lattice](#) is an R implementation of William Cleveland's trellis graphics, while grid defines a much more flexible graphics environment than the base R graphics.

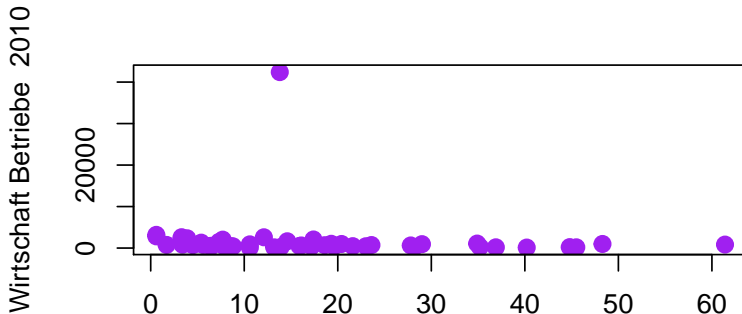
# Grafiken für bedingte, bi- und multivariate Verteilungen

## - Scatterplots

- Funktion `plot()` ist eine generische Funktion - bspw. kann ein einfacher Scatterplot erstellt werden
- Für einen solchen muss `plot()` ein `x` und ein `y` Beobachtungsvektor übergeben werden
- Um die Farbe der Plot-Symbole anzupassen gibt es die Option `col` (Farbe als character oder numerisch)
- Die Plot-Symbole selbst können mit `pch` (plotting character) angepasst werden (character oder numerisch)
- Die Achsenbeschriftungen (labels) werden mit `xlab` und `ylab` definiert

# Beispiel - Beschäftigten Datensatz

```
plot(dat[,7],dat[,4],ylab=colnames(dat)[4],  
      xlab=colnames(dat)[7],pch=20,cex=2,col="purple")
```



Wirtschaftsbeschäftigte in Betrieben im Produzierenden Gewerbe in %



```
library(mlmRev)
data(Chem97)
```

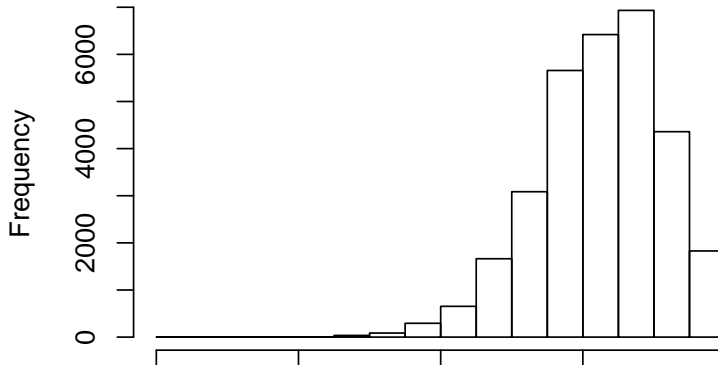
- [lea] Local Education Authority - a factor
- [school] School identifier - a factor
- [student] Student identifier - a factor
- [score] Point score on A-level Chemistry in 1997
- [gender] Student's gender
- [age] Age in month, centred at 222 months or 18.5 years
- [gcsescore] Average GCSE score of individual.
- [gcsecnt] Average GCSE score of individual, centered at mean.

# Histogramm - Die Funktion hist()

Wir erstellen ein Histogramm der Variable gcsescore:

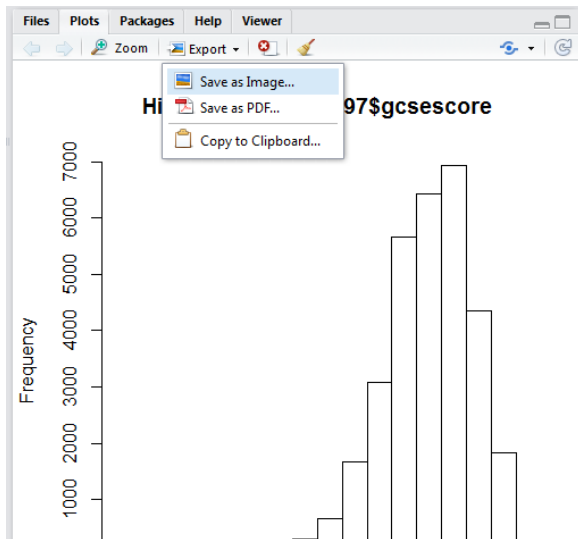
```
hist(Chem97$gcsescore)
```

**Histogram of Chem97\$gcsescore**



# Graphik speichern

- Mit dem button Export in Rstudio kann man die Grafik speichern.



# Befehl um Graphik zu speichern

- Alternativ auch bspw. mit den Befehlen `png`, `pdf` oder `jpeg`

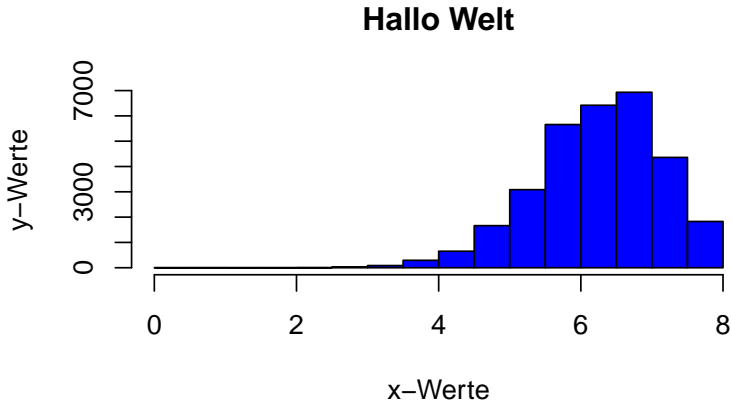
```
png("Histogramm.png")  
hist(Chem97$gcsescore)  
dev.off()
```

- Die Funktion `hist()` plottet ein Histogramm der Daten
- Der Funktion muss mindestens ein Beobachtungsvektor übergeben werden
- `hist()` hat noch sehr viel mehr Argumente, die alle (sinnvolle) default values haben

	Argument	Bedeutung	Beispiel
main	Überschrift		main='Hallo Welt'
xlab	x-Achsenbeschriftung		xlab='x-Werte'
ylab	y-Achsenbeschriftung		ylab='y-Werte'
col	Farbe		col='blue'

# Histogramm

```
hist(Chem97$gcsescore,col="blue",  
     main="Hallo Welt",ylab="y-Werte", xlab="x-Werte")
```



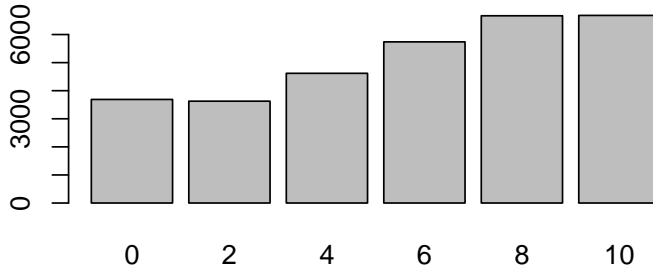
- Die Funktion `barplot()` erzeugt aus einer Häufigkeitstabelle einen Barplot
- Ist das übergebene Tabellen-Objekt zweidimensional wird ein bedingter Barplot erstellt

```
tabScore <- table(Chem97$score)
```

```
barplot(tabScore)
```

# Barplots und barcharts

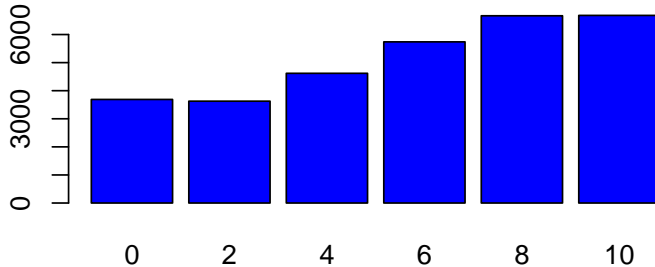
```
barplot(tabScore)
```



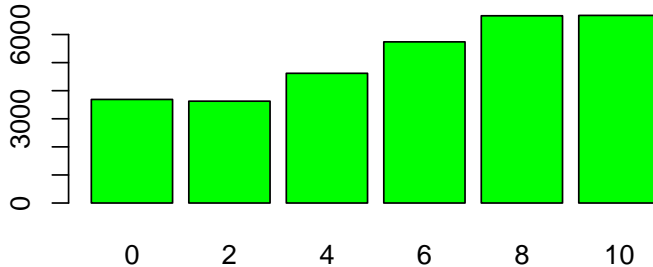


# Mehr Farben:

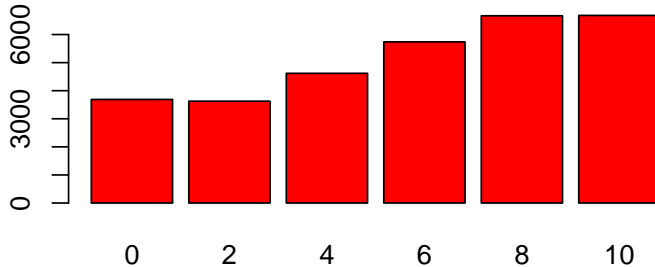
```
barplot(tabScore,col=rgb(0,0,1))
```



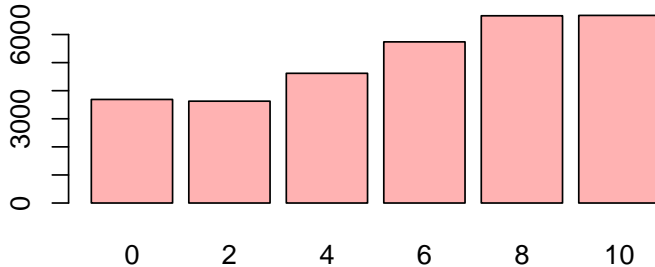
```
barplot(tabScore,col=rgb(0,1,0))
```



```
barplot(tabScore,col=rgb(1,0,0))
```



```
barplot(tabScore,col=rgb(1,0,0,.3))
```

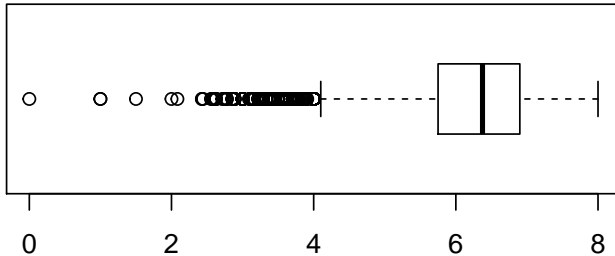


- Einen einfachen Boxplot erstellt man mit `boxplot()`
- Auch `boxplot()` muss mindestens ein Beobachtungsvektor übergeben werden

```
?boxplot
```

# Horizontaler Boxplot

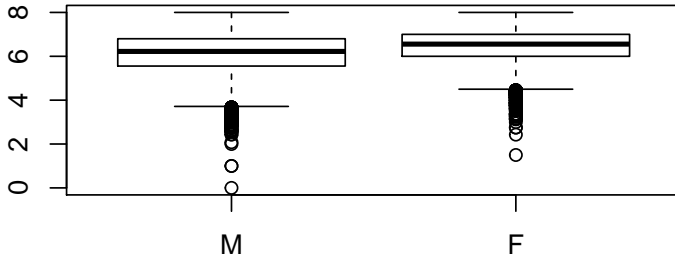
```
boxplot(Chem97$gcsescore,  
horizontal=TRUE)
```



- Ein sehr einfacher Weg, einen ersten Eindruck über bedingte Verteilungen zu bekommen ist über sog. Gruppierte notched Boxplots
- Dazu muss der Funktion `boxplot()` ein sog. Formel-Objekt übergeben werden
- Die bedingende Variable steht dabei auf der rechten Seite einer Tilde

# Beispiel grupierter Boxplot

```
boxplot(Chem97$gcsescore~Chem97$gender)
```





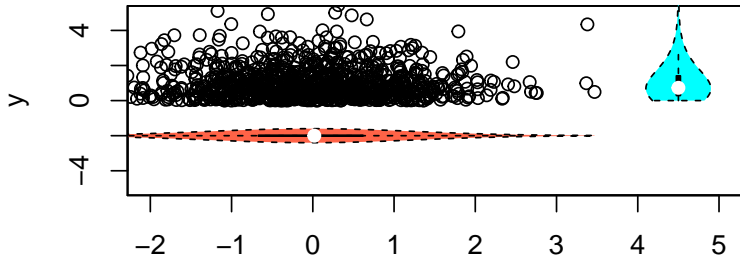
## vioplot

- Baut auf Boxplot auf
- Zusätzlich Informationen über Dichte der Daten
- Dichte wird über Kernel Methode berechnet.
- weißer Punkt - Median
- Je weiter die Ausdehnung, desto größer ist die Dichte an dieser Stelle.

```
# Beispieldaten erzeugen  
x <- rnorm(1000)  
y <- rexp(1000,1)
```

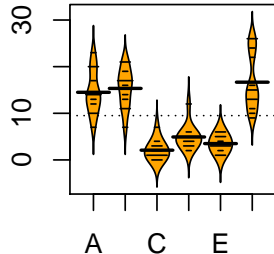
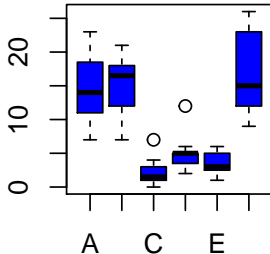
# Beispiel vioplot

```
library(vioplot)
plot(x, y, xlim=c(-2,5), ylim=c(-5,5))
vioplot(x, col="tomato", horizontal=TRUE, at=-2,
        add=TRUE,lty=2, rectCol="gray")
vioplot(y, col="cyan", horizontal=FALSE, at=4.5,
        add=TRUE,lty=2)
```



# Alternativen zum Boxplot

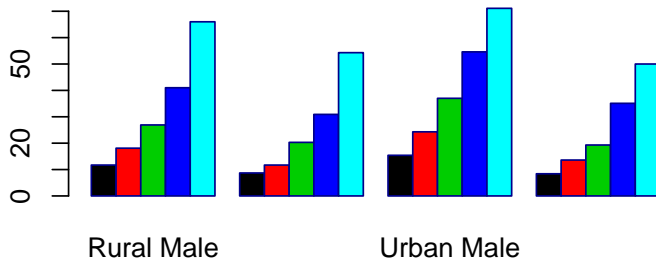
```
library(beanplot)
par(mfrow = c(1,2))
boxplot(count~spray,data=InsectSprays,col="blue")
beanplot(count~spray,data=InsectSprays,col="orange")
```



# Aufgabe Balkendiagramm

# Aufgabe - einfache Grafiken

- Laden Sie den Datensatz **VADeaths** und erzeugen Sie den folgenden plot:



# Die lineare Regression

## John H. Maindonald and W. John Braun - **Data Analysis and Graphics Data and Functions**

- Einführung in R
- Datenanalyse
- Statistische Modelle
- Inferenzkonzepte
- Regression mit einem Prädiktor
- Multiple lineare Regression
- Ausweitung des linearen Modells
- ...

# Lineare Regression in R - Beispieldatensatz

```
data(mtcars)
```

Hilfe für den `mtcars` Datensatz:

```
?mtcars
```

	mpg	cyl	disp	hp	drat	wt	model
21.0	6	160	110	3.90	2.620	Mazda RX4	
21.0	6	160	110	3.90	2.875	Mazda RX4 Wag	
22.8	4	108	93	3.85	2.320	Datsun 710	
21.4	6	258	110	3.08	3.215	Hornet 4 Drive	
18.7	8	360	175	3.15	3.440	Hornet Sportabout	
18.1	6	225	105	2.76	3.460	Valiant	

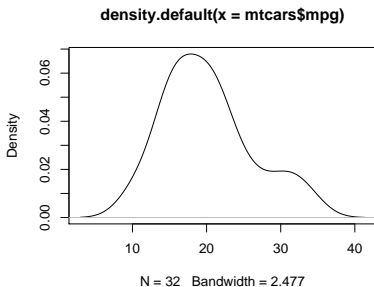
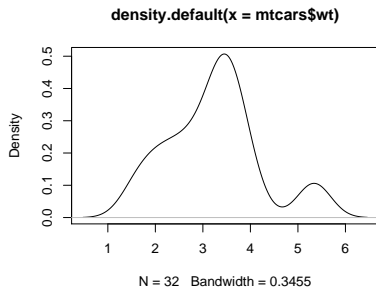


# Variablen des mtcars Datensatzes

- mpg - Miles/(US) gallon
- cyl - Number of cylinders
- disp - Displacement (cu.in.)
- hp - Gross horsepower
- drat - Rear axle ratio
- wt - Weight (1000 lbs)
- qsec - 1/4 mile time
- vs - Engine (0 = V-shaped, 1 = straight)
- am - Transmission (0 = automatic, 1 = manual)
- gear - Number of forward gears
- carb - Number of carburetors

# Verteilungen für zwei Variablen von mtcars

```
par(mfrow=c(1,2))  
plot(density(mtcars$wt)); plot(density(mtcars$mpg))
```



# Ein einfaches Regressionsmodell

Abhängige Variable - Meilen pro Gallone (mpg)

Unabhängige Variable - Gewicht (wt)

```
m1 <- lm(mpg ~ wt,data=mtcars)
m1

##
## Call:
## lm(formula = mpg ~ wt, data = mtcars)
##
## Coefficients:
## (Intercept)          wt
##      37.285      -5.344
```

## Modell ohne Achsenabschnitt

```
m2 <- lm(mpg ~ - 1 + wt,data=mtcars)
summary(m2)$coefficients
```

```
##      Estimate Std. Error  t value    Pr(>|t|)
## wt  5.291624   0.5931801  8.920771 4.55314e-10
```

## Weitere Variablen hinzufügen

```
m3 <- lm(mpg ~ wt + cyl,data=mtcars)
summary(m3)$coefficients
```

```
##              Estimate Std. Error  t value    Pr(>|t|)
## (Intercept) 39.686261   1.7149840 23.140893 3.043182e-20
## wt          -3.190972   0.7569065 -4.215808 2.220200e-04
## cyl         -1.507795   0.4146883 -3.635972 1.064282e-03
```

# Summary des Modells

```
summary(m3)
```

```
##
```

```
## Call:
```

```
## lm(formula = mpg ~ wt + cyl, data = mtcars)
```

```
##
```

```
## Residuals:
```

```
##      Min       1Q   Median       3Q      Max
## -4.2893 -1.5512 -0.4684  1.5743  6.1004
```

```
##
```

```
## Coefficients:
```

```
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)  39.6863     1.7150   23.141  < 2e-16 ***
## wt          -3.1910     0.7569   -4.216  0.000222 ***
## cyl          -1.5078     0.4147   -3.636  0.001064 **
```

```
## ---
```

```
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1
```

```
##
```

# R arbeitet mit Objekten

- m3 ist nun ein spezielles Regressions-Objekt
- Auf dieses Objekt können nun verschiedene Funktionen angewendet werden

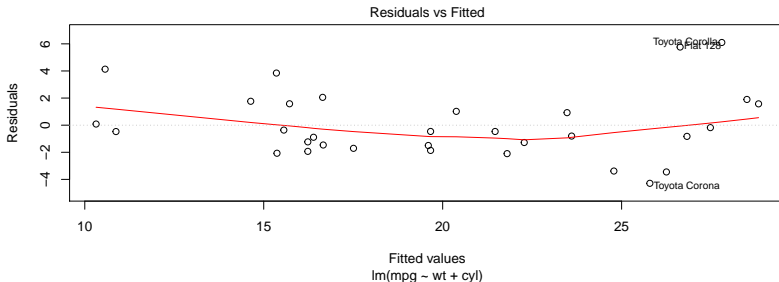
```
predict(m3) # Vorhersage
```

##	Mazda RX4	Mazda RX4 Wag	Datsun
##	22.27914	21.46545	26.25
##	Hornet 4 Drive	Hornet Sportabout	Vali
##	20.38052	16.64696	19.59
##	Duster 360	Merc 240D	Merc
##	16.23213	23.47588	23.60
##	Merc 280	Merc 280C	Merc 45
##	19.66255	19.66255	14.63
##	Merc 450SL	Merc 450SLC	Cadillac Fleetw
##	15.72158	15.56203	10.87
##	Lincoln Continental	Chrysler Imperial	Fiat
##	10.31607	10.56816	26.63

# Residuenplot

- Sind Annahmen des linearen Regressionsmodells verletzt?
- Dies ist der Fall, wenn ein Muster abweichend von einer Linie zu erkennen ist. (Hier ist der Datensatz sehr klein)

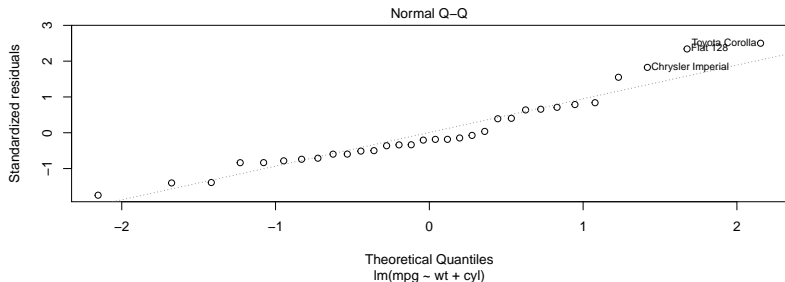
```
plot(m3,1)
```



# Residuenplot

- Wenn Residuen normalverteilt sind sollten sie auf Linie sein.

```
plot(m3, 2)
```





# Weitere Möglichkeiten die Formel zu spezifizieren

## Interaktionseffekt

```
# effect of cyl and interaction effect:  
m3a<-lm(mpg~wt*cyl,data=mtcars)  
  
# only interaction effect:  
m3b<-lm(mpg~wt:cyl,data=mtcars)
```

## Den Logarithmus nehmen

```
m3d<-lm(mpg~log(wt),data=mtcars)
```

## disp - Hubraum

```
m3d<-lm(mpg~wt*disp,data=mtcars)
m3dsum <- summary(m3d)
m3dsum$coefficients
```

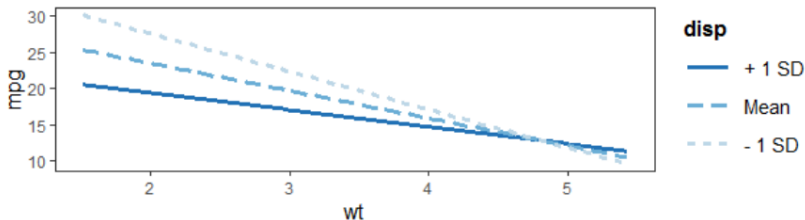
##		Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t )
##	(Intercept)	44.08199770	3.123062627	14.114990	2.955567e-
##	wt	-6.49567966	1.313382622	-4.945763	3.216705e-
##	disp	-0.05635816	0.013238696	-4.257078	2.101721e-
##	wt:disp	0.01170542	0.003255102	3.596022	1.226988e-

# Interaktionen untersuchen

```
install.packages("jtools")
```

```
library(jtools)  
interact_plot(m3d, pred = "wt", modx = "disp")
```

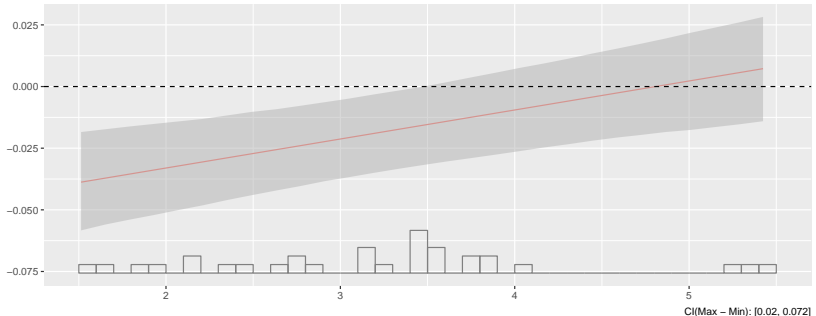
- Mit einem kontinuierlichen Moderator (in unserem Fall **Disp**) erhält man drei Zeilen - 1 Standardabweichung über und unter dem Mittelwert und der Mittelwert selbst.



# Das Paket interplot

```
library(interplot)
```

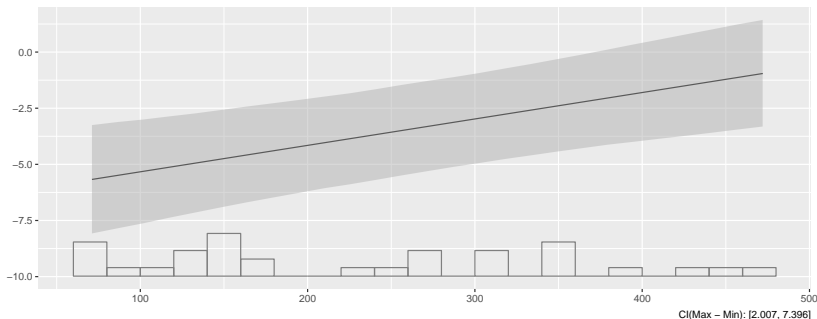
```
interplot(m = m3d, var1 = "disp", var2 = "wt", hist = TRUE)  
  aes(color = "pink") + theme(legend.position="none") +  
  geom_hline(yintercept = 0, linetype = "dashed")
```



# Noch ein interplot

- Effekt wird auf die y-Achse geplottet - `wt` auf der x-Achse

```
interplot(m = m3d, var1 = "wt", var2 = "disp", hist = TRUE)
```



- Eine detailliertere Beschreibung ist in der **interplot Vignette** zu bekommen.

# Beispiel: Objektorientierung

- m3 ist nun ein spezielles Regressionsobjekt
- Verschiedene Funktionen können auf dieses Objekt angewendet werden

```
predict(m3) # Prediction  
resid(m3) # Residuals
```

##	Mazda RX4	Mazda RX4 Wag	Datsun 710
##	22.27914	21.46545	26.25203
##	Hornet Sportabout	Valiant	
##	16.64696	19.59873	
##	Mazda RX4	Mazda RX4 Wag	Datsun 710
##	-1.2791447	-0.4654468	-3.4520262
##	Hornet Sportabout	Valiant	
##	2.0530424	-1.4987281	

# Eine Modellvorhersage machen

```
pre <- predict(m1)
head(mtcars$mpg)
```

```
## [1] 21.0 21.0 22.8 21.4 18.7 18.1
```

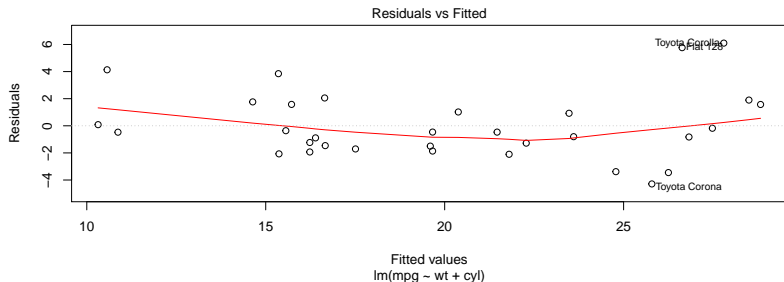
```
head(pre)
```

##	Mazda RX4	Mazda RX4 Wag	Datsun 710
##	23.28261	21.91977	24.88595
##	Hornet Sportabout	Valiant	
##	18.90014	18.79325	

# Residuenplot - Modellannahmen verletzt?

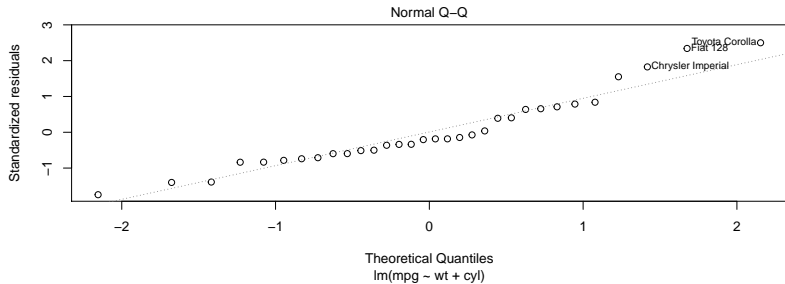
- Gibt es ein Muster in der Abweichung von der Linie

```
plot(m3,1)
```





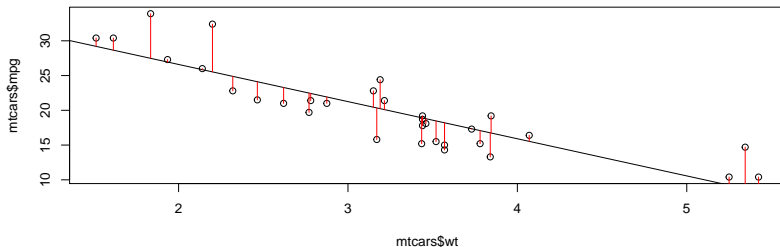
```
plot(m3,2)
```



- Bei Normalverteilung liegen Residuen auf gleicher Linie

# Regressionsdiagnostik mit Basis-R

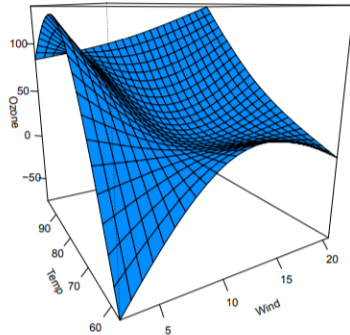
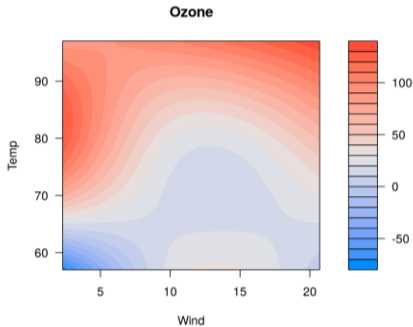
```
plot(mtcars$wt,mtcars$mpg)
abline(m1)
segments(mtcars$wt, mtcars$mpg, mtcars$wt, pre, col="red")
```



# Das visreg-Paket

```
install.packages("visreg")
```

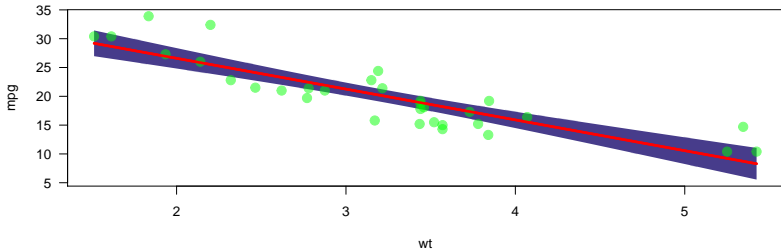
```
library(visreg)
```



# Das visreg-Paket

- Das Default-Argument für `type` ist `conditional`.
- Scatterplot von `mpg` und `wt` mit Regressionslinie und Konfidenzbändern

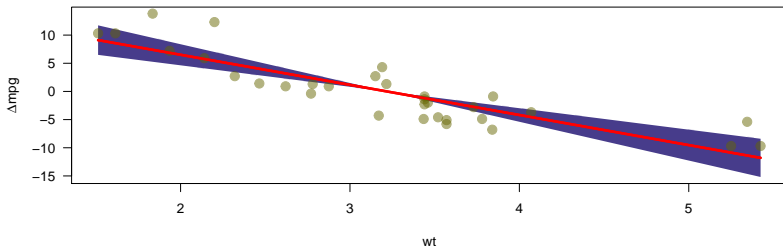
```
visreg(m1, "wt", type = "conditional")
```



# Visualisierung mit visreg

- Zweites Argument - Spezifikation der Kovariaten in der Graphik
- Das Diagramm zeigt die Auswirkung auf den erwarteten Wert des Regressors, wenn die Variable x von einem Referenzpunkt auf der x-Achse wegbewegt wird (bei numerischen Variablen der Mittelwert).

```
visreg(m1, "wt", type = "contrast")
```



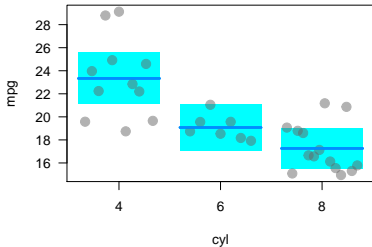
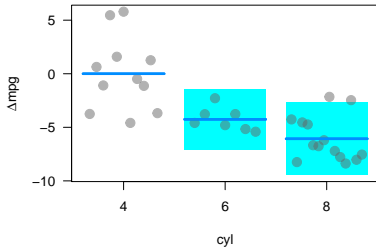
- Die Effekte von Faktoren können auch mit `visreg` visualisiert werden:

```
mtcars$cyl <- as.factor(mtcars$cyl)
m4 <- lm(mpg ~ cyl + wt, data = mtcars)
# summary(m4)
```

	Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t )
## (Intercept)	33.990794	1.8877934	18.005569	6.257246e-17
## cyl6	-4.255582	1.3860728	-3.070244	4.717834e-03
## cyl8	-6.070860	1.6522878	-3.674214	9.991893e-04
## wt	-3.205613	0.7538957	-4.252065	2.130435e-04

# Effekte von Faktoren

```
par(mfrow=c(1,2))  
visreg(m4, "cyl", type = "contrast")  
visreg(m4, "cyl", type = "conditional")
```



# Das Paket visreg - Interaktionen

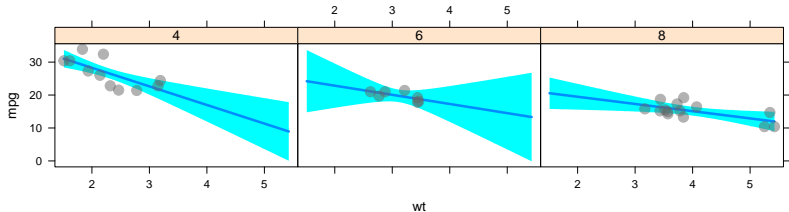
```
m5 <- lm(mpg ~ cyl*wt, data = mtcars)
# summary(m5)
```

##	Estimate	Std. Error	t value	Pr(> t )
## (Intercept)	39.571196	3.193940	12.3894599	2.058359e-1
## cyl6	-11.162351	9.355346	-1.1931522	2.435843e-0
## cyl8	-15.703167	4.839464	-3.2448150	3.223216e-0
## wt	-5.647025	1.359498	-4.1537586	3.127578e-0
## cyl6:wt	2.866919	3.117330	0.9196716	3.661987e-0
## cyl8:wt	3.454587	1.627261	2.1229458	4.344037e-0



# Den Graphikoutput mit layout kontrollieren

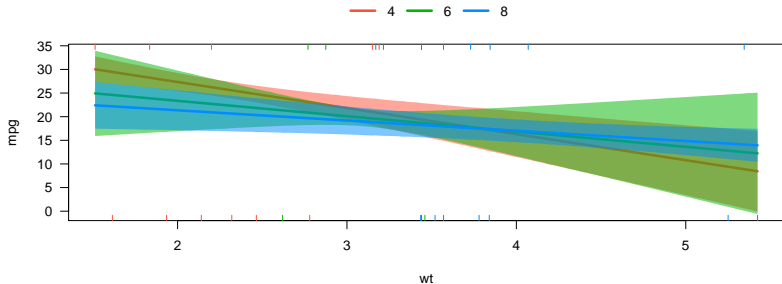
```
visreg(m5, "wt", by = "cyl", layout=c(3,1))
```



# Das Paket visreg - Interaktionseffekte übereinander legen

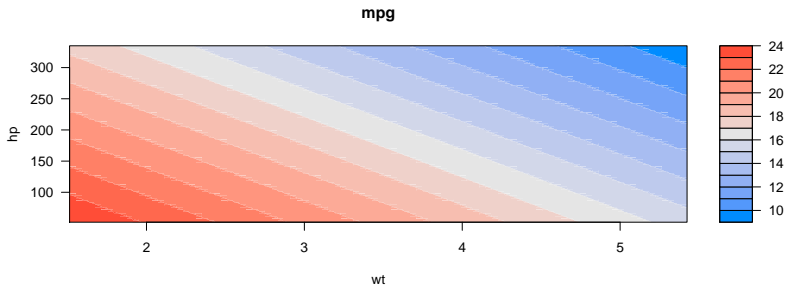
```
m6 <- lm(mpg ~ hp + wt * cyl, data = mtcars)
```

```
visreg(m6, "wt", by="cyl", overlay=TRUE, partial=FALSE)
```



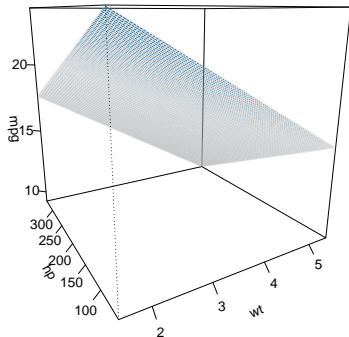
# Das Paket visreg - visreg2d

```
visreg2d(m6, "wt", "hp", plot.type = "image")
```



# Das Paket visreg - surface

```
visreg2d(m6, "wt", "hp", plot.type = "persp")
```



Der Datensatz `toycars` beschreibt die Route von drei Spielzeugautos, die Rampen in verschiedenen Winkeln absteigen.

- `angle`: Rampenwinkel
  - `distance`: Entfernung die von dem Spielzeugauto zurück gelegt wird.
  - `car`: Autotyp (1, 2 or 3)
- a) Lese den Datensatz `toycars` ein und konvertiere die Variable `car` des Datensatzes in einen Faktor (`as.factor`).
- (b) Erstelle drei Box-Plots, in denen die von den Autotypen zurückgelegte Strecke visualisiert wird.

- (c) Schätze für jeden Autotyp getrennt die Parameter des folgenden linearen Modell; nutze dafür die Funktion `lm()`

$$distance_i = \beta_0 + \beta_1 \cdot angle_i + \epsilon_i$$

- (d) Überprüfe die Anpassung des Modells indem Du die drei Regressionslinien in den Scatterplot einzeichnest (`distance` gegen `angle`). Spricht das

$$R^2$$

für eine gute Modellanpassung?

# Einen schönen Output mit dem Paket **stargazer**

erzeugen

```
library(stargazer)
stargazer(m3, type="html")
```

Beispiel HTML Outputs:

	<i>Dependent variable:</i>
	mpg
wt	-3.125*** (0.911)
cyl	-1.510*** (0.422)
am	0.176 (1.304)
Constant	39.418*** (2.641)

# Shiny App - Diagnostiken für die einfache lineare Regression

[https://gallery.shinyapps.io/slr\\_diag/](https://gallery.shinyapps.io/slr_diag/)

Diagnostics for simple linear regression

Select a trend:

- ☐ Linear up
- ☐ Linear down
- ☐ Curved up
- ☐ Curved down
- ☒ Fan-shaped

☒ Show residuals

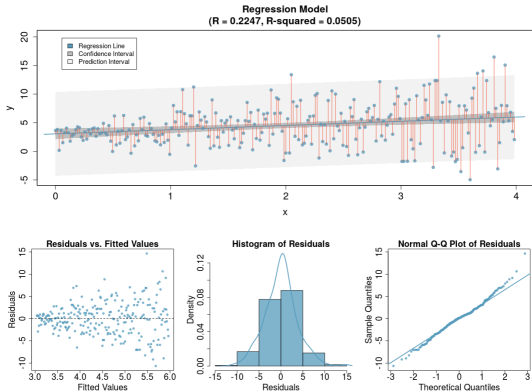
This applet uses ordinary least squares (OLS) to fit a regression line to the data with the selected trend. The applet is designed to help you practice evaluating whether or not the linear model is an appropriate fit to the data. The three diagnostic plots on the lower half of the page are provided to help you identify undesirable patterns in the residuals that may arise from non-linear trends in the data.

[Rate this app!](#)

[View code](#)

[Check out other apps](#)

[Want to learn more for free?](#)



## • Shiny App - Eine einfache lineare Regression



- Regression - **r-bloggers**
- Das komplette Buch von **Faraway**- sehr intuitiv geschriebenes Buch
- Gute Einführung auf **Quick-R**
- **Multiple Regression**
- **15 Arten von Regressionen die man kennen sollte**
- **ggeffects** - Erzeuge saubere Datensätze mit marginellen Effekten für 'ggplot' aus Modell Outputs

# Die logistische Regression



- Sehr intuitiv geschriebenes Buch
- Sehr detailliertes Skript von **Laura A. Thompson**
- Das Buch behandelt die kategoriale Datenanalyse ganz grundsätzlich.

# Extending the Linear Model with R

- Logistische Regression eingängig erklärt
- Beispiel mit R-Code
  - Faraway - **Extending the linear model with R**
  - Faraway - **Practical Regression and Anova using R**

```
library(readstata13)
path <- "D:/Daten/GitLab/IntroDataAnalysis/data/"
datf <- read.dta13(paste0(path,"ZA5666_v1-0-0_Stata14.dta"),
                   convert.factors = F)
```

Das Argument `convert.factors`:

- **logical.** Wenn TRUE, werden Faktoren aus dem Stata Werte Labeln erzeugt.

# Eine Funktion um fehlende Werte zu rekodieren

```
code_miss <- function(var){  
  misvals <- c(-11,-22,-33,-44,-55,-66,-77,-88,-99,-111)  
  var[var %in% misvals] <- NA  
  return(var)  
}
```

# Variablen für das glm

- a11d056z: Altersgruppe

```
table(datf$a11d056z)
```

```
##
```

```
## -99    1    2    3    4    5    6    7    8    9   10   11   12   13  
##    5   31   87  101   91   83  100  163  159  133   64   56  105  44
```

```
age <- code_miss(datf$a11d056z)
```

```
table(age)
```

```
## age
```

```
##    1    2    3    4    5    6    7    8    9   10   11   12   13  
##   31   87  101   91   83  100  163  159  133   64   56  105  44
```

Leben in Ihrem Haushalt Kinder unter 16 Jahren?

- 1 Ja
- 2 Nein

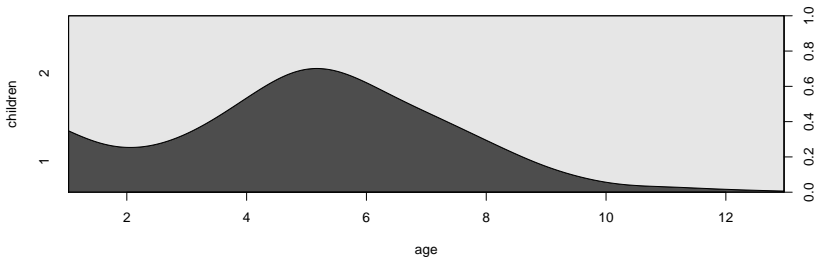
```
children <- as.factor(code_miss(datf$a11d094a))  
table(children)
```

```
## children  
##      1      2  
## 325 681
```



# Conditional Density Plot (GESIS Panel)

```
cdplot(children ~ age)
```



- Die **logistische Regression** gehört zur Klasse der generalisierten linearen Modellen (GLM)
- Die Funktion zur Schätzung eines Modells dieser Klasse heißt `glm()`

## Ein glm spezifizieren

- Formel-Objekt
- die Klasse (binomial, gaussian, gamma)
- mit einer Link Funktion (logit, probit, cauchit, log, cloglog)

muss spezifiziert

# Logistische Regression mit R

```
glm_1 <- glm(children ~ age,  
              family = binomial())
```

```
sum_glm1 <- summary(glm_1)  
sum_glm1$coefficients
```

##	Estimate	Std. Error	z value	Pr(> z )
## (Intercept)	-0.7194058	0.16384386	-4.390801	1.129338e-05
## age	0.2225862	0.02376266	9.367056	7.458415e-21

# Die Koeffizienten interpretieren

Wir betrachten das logistische Modell der Kinder im Haushalt als eine Funktion des Alters.

```
sum_glm1$coefficients
```

##		Estimate	Std. Error	z value	Pr(> z )
##	(Intercept)	-0.7194058	0.16384386	-4.390801	1.129338e-05
##	age	0.2225862	0.02376266	9.367056	7.458415e-21

- Die Schätzungen und Standardfehler werden mit Log Odds angegeben, nicht mit der Wahrscheinlichkeit.
- Die p-Werte bedeuten das Gleiche, wie bei der linearen Regression.

# Der inverse Logit

```
sum_glm1$coefficients
```

```
##              Estimate Std. Error   z value    Pr(>|z|)
## (Intercept) -0.7194058 0.16384386 -4.390801 1.129338e-05
## age          0.2225862 0.02376266  9.367056 7.458415e-21
```

- Die Koeffizienten können nicht so einfach interpretiert werden
- Wir müssen den inversen Logit verwenden, um etwas auszusagen.

Werte für die Log-odds von 0.2225862 sind das Gleiche, wie die Wahrscheinlichkeit: 0.5554179.

```
faraway::ilogit(sum_glm1$coefficients[1,1])
```

```
## [1] 0.3275238
```

# Zum Achsenabschnitt in einem logistischen Modell

- Es ist möglich, dass der Schätzwert für den Achsenabschnitt kleiner als null ist.
- Das bedeutet, dass die log-odds negativ sind und NICHT die Wahrscheinlichkeit.
- Ein Log-Odd Wert von 0 bedeutet eine Wahrscheinlichkeit von 0.5.

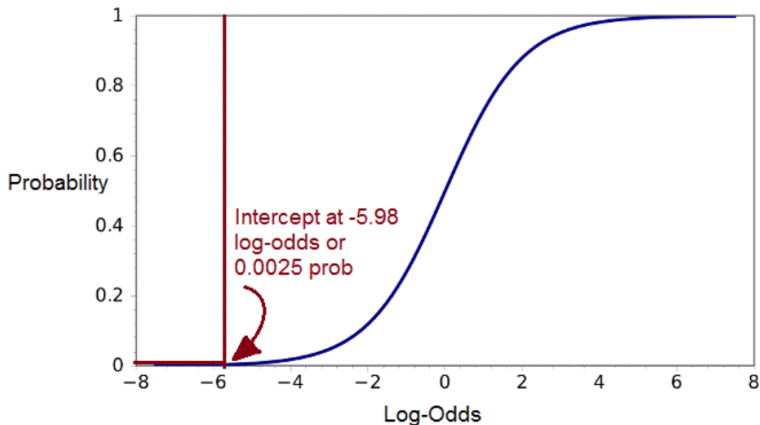
- Die Log-odds steigen an, wenn die Wahrscheinlichkeit auch ansteigt.

Daraus folgt...

- Ein positiver Steigungskoeffizient bedeutet, dass der Response-Wert mit zunehmendem Wert für die erklärende Variable auch zunimmt.
- In unserem Fall heißt das: Die Wahrscheinlichkeit, dass sich im Haushalt Kinder befinden steigt mit dem Alter des Befragten.

# Das Ergebnis graphisch darstellen

Es resultiert eine Sigmoid-Kurve, anstatt einer Gerade mit konstanter Steigungsrate wie bei der linearen Regression.





## Das Modell als Formel:

$\text{Log-Odds(Children)} = -0.7194058 + 0.2225862(\text{Age}) + \text{Fehler}$

- Wir können Werte in die Formel einsetzen um die vorhergesagten Log-Odds für unterschiedliche Altersklassen zu bekommen.

## Beispiel: Log-Odds für die Altersgruppe 5

$$-0.7194058 + 0.2225862 * (5) = 0.3935251$$

Wahrscheinlichkeit für Kinder in der Altersgruppe 5

```
ilogit(0.3935251)
```

```
## [1] 0.597131
```

# Die Ergebnisse interpretieren

```
anova(glm_1, test="Chisq")
```

```
## Analysis of Deviance Table
```

```
##
```

```
## Model: binomial, link: logit
```

```
##
```

```
## Response: children
```

```
##
```

```
## Terms added sequentially (first to last)
```

```
##
```

```
##
```

```
##      Df Deviance Resid. Df Resid. Dev  Pr(>Chi)
```

```
## NULL                1000          1259
```

```
## age      1      98.956          999      1160 < 2.2e-16 ***
```

```
## ---
```

```
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1
```

## Abweichung vom Idealwert

- Zweimal die Differenz zwischen der maximalen Log-Likelihood  $\ell^{(M)}$  und dem Wert für das angepasste Modell
- Je niedriger die Devianz, desto besser.

```
sum_glm1 <- summary(glm_1)
sum_glm1$deviance

## [1] 1160.044
```

# Mc Fadden's $R^2$

```
library(psc1)
pR2(glm_1)
```

```
##              1lh              1lhNull              G2              McFadden
## -580.02210772 -632.93066002   105.81710461   0.08359297
##              r2CU
##      0.13978426
```

```
1lh      The log-likelihood from the fitted model
1lhNull  The log-likelihood from the intercept-only restricted model
G2       Minus two times the difference in the log-likelihoods
McFadden McFadden's pseudo r-squared
r2ML     Maximum likelihood pseudo r-squared
r2CU     Cragg and Uhler's pseudo r-squared
```

Wie weit ist es von Ihrer Wohnung bis ins Zentrum der nächsten Großstadt?

- 1 - Im Großstadtzentrum
- 6 - 60 km und mehr

```
region <- code_miss(datf$bczd001a)
table(region)
```

```
## region
##      1      2      3      4      5      6
##  87 191 279 157 126 165
```

Alles in allem, wie zufrieden sind Sie mit dem Leben in [Wohnort]?

- 1 - Sehr zufrieden
- 5 - Sehr unzufrieden

```
satisfactionplace <- datf$a11c019a  
table(satisfactionplace)
```

```
## satisfactionplace  
##      1      2      3      4      5  
## 553 534  99  30   6
```

# Ein anderes Modell

```
glm_2 <- glm(children ~ age + satisfactionplace*region,  
             family = binomial())
```

```
pseudor2 <- pR2(glm_2)  
pseudor2["McFadden"]
```

```
## McFadden
```

```
## 0.258121
```

- Anzahl Tattoos:

```
Tatoos <- code_miss(datf$bdao067a)
Tatoos[Tatoos==97]<-0
```

```
table(Tatoos)
```

```
## Tatoos
```

```
##      0      1      2      3      4      5      6
```

```
## 871   56   28   13      7      4      8
```



- Logistisches Modell mit einem Probit Link:

```
probitmod <- glm(children ~ age,  
  family=binomial(link=probit))
```

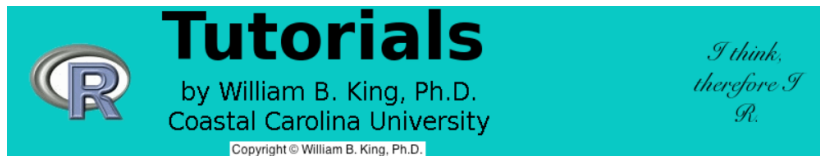
- Regression mit Zähldaten:

```
modp <- glm(Tatoos ~ age,family=poisson)
```

- Proportional Odds logistic Regression aus dem Paket MASS:

```
library("MASS")  
mod_plr<-polr(a11c020a ~ a11d096b ,data=dat)
```

- Einführung in die **logistische Regression**



- **Code zum Buch von Faraway**

```
library(faraway)
data(oringe)
plot(damage/6 ~ temp, orings, xlim=c(25,85), ylim = c(0,1), xlab="Temperature", ylab="Prob of damage")
lmod <- lm(damage/6 ~ temp, orings)
abline(lmod)
logitmod <- glm(cbind(damage,6-damage) ~ temp, family=binomial, orings)
summary(logitmod)
plot(damage/6 ~ temp, orings, xlim=c(25,85), ylim = c(0,1), xlab="Temperature", ylab="Prob of damage")
```

- **Kategoriale Daten: - Durchführung logistische Regression in R**

# Aufgabe Datenanalyse

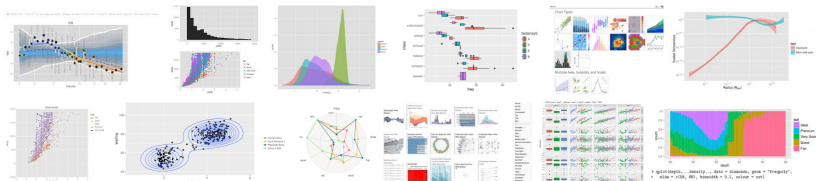
- Laden Sie einen Datensatz Ihrer Wahl - entweder einen eigenen oder einen der vorgestellten Datensätze
- Berechnen Sie einfache Statistiken auf den wichtigsten Variablen (Mittelwert, Median, Standardabweichung)
- Erzeugen Sie eine zweidimensionale Häufigkeitstabelle
- Führen Sie eine Regression mit sinnvoll gewählten abhängiger und unabhängiger Variablen auf den Daten durch
- Erzeugen Sie einen Lattice-plot

Zurück zur Gliederung.

# Grafiken mit ggplot

# Das Paket ggplot2

- Entwickelt von Hadley Wickham
- Viele Informationen unter:
- <http://ggplot2.org/>
- Den Graphiken liegt eine eigene Grammatik zu Grunde



# Einführung in ggplot2

<http://www.r-bloggers.com/basic-introduction-to-ggplot2/>

```
install.packages("ggplot2")
```

```
library(ggplot2)
```

```
?ggplot2
```

ggplot2-package {ggplot2}

R Documentation

## ggplot2: Create Elegant Data Visualisations Using the Grammar of Graphics

### Description

A system for 'declaratively' creating graphics, based on "The Grammar of Graphics". You provide the data, tell 'ggplot2' how to map variables to aesthetics, what graphical primitives to use, and it takes care of the details.

### Author(s)

**Maintainer:** Hadley Wickham [hadley@rstudio.com](mailto:hadley@rstudio.com)

Authors:

- Winston Chang [winston@rstudio.com](mailto:winston@rstudio.com)

Other contributors:

- RStudio [copyright holder]

# Der diamonds Datensatz

```
head(diamonds)
```

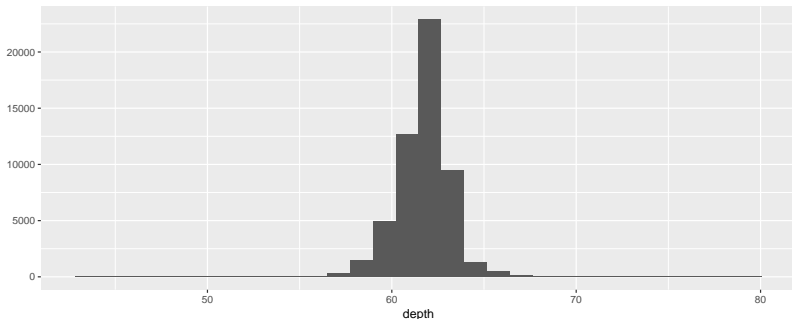
carat	cut	color	clarity	depth	table	price	x	y	z
0.23	Ideal		E	SI2	61.5	55	326	3.95	3.98
0.21	Premium		E	SI1	59.8	61	326	3.89	3.84
0.23	Good		E	VS1	56.9	65	327	4.05	4.07
0.29	Premium		I	VS2	62.4	58	334	4.20	4.23
0.31	Good		J	SI2	63.3	58	335	4.34	4.35
0.24	Very Good		J	VVS2	62.8	57	336	3.94	3.96



# Wie nutzt man qplot

- Die Funktion `qplot` wird für schnelle Graphiken verwendet (quick plots)
- bei der Funktion `ggplot` kann man alles bis ins Detail kontrollieren

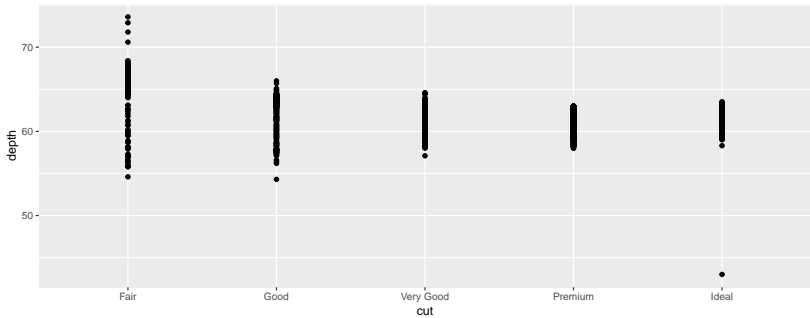
```
# histogram  
qplot(depth, data=diamonds)
```



```
diamonds <- diamonds[sample(1:nrow(diamonds), 5000), ]
```

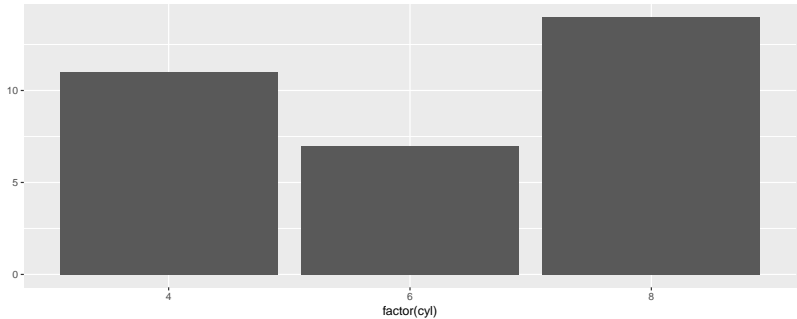
# Ein Balkendiagramm

```
qplot(cut, depth, data=diamonds)
```



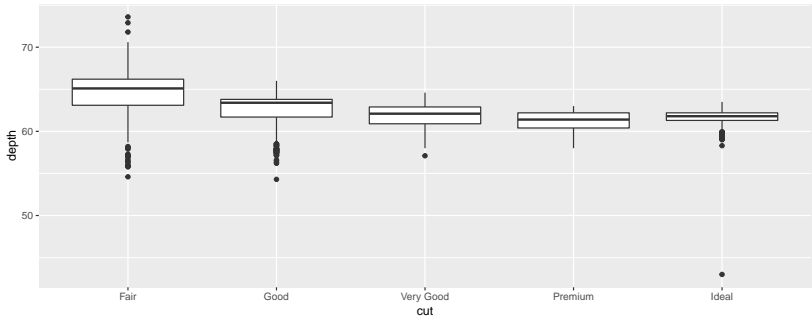
# Ein weiteres Balkendiagramm

```
qplot(factor(cyl), data=mtcars, geom="bar")
```



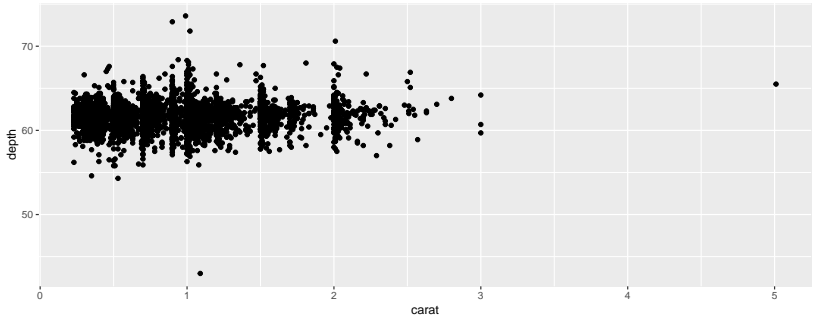
# Boxplot

```
qplot(data=diamonds, x=cut, y=depth, geom="boxplot")
```



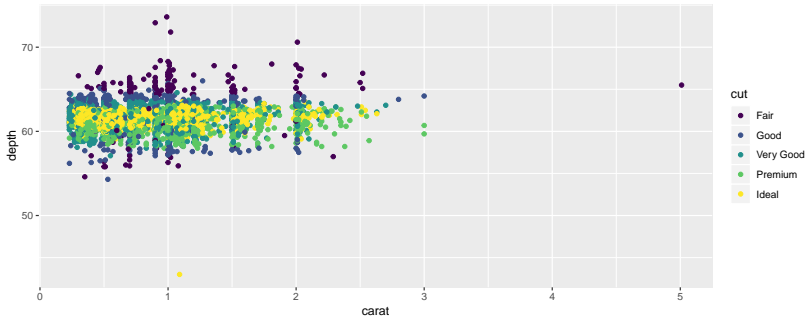
# Scatterplot

```
# scatterplot  
qplot(carat, depth, data=diamonds)
```



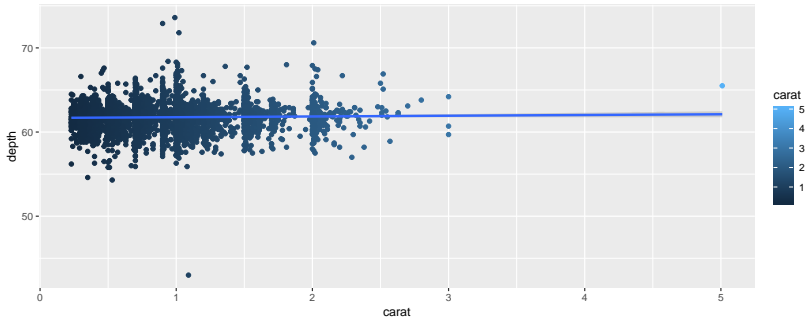
# Farbe hinzu:

```
qplot(carat, depth, data=diamonds, color=cut)
```

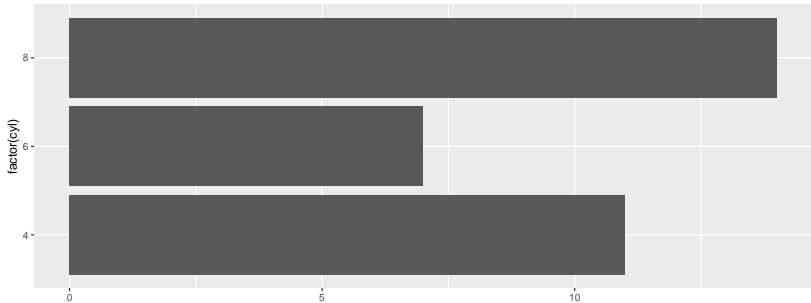


# Trendlinie hinzufügen

```
myGG<-qplot(data=diamonds,x=carat,y=depth,color=carat)  
myGG + stat_smooth(method="lm")
```



```
qplot(factor(cyl), data=mtcars, geom="bar") +  
coord_flip()
```

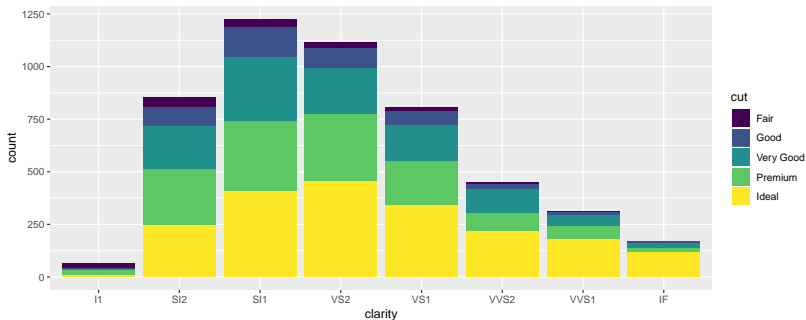




# Wie nutzt man ggplot

- die aesthetics:

```
ggplot(diamonds, aes(clarity, fill=cut)) + geom_bar()
```



# Farben selber wählen

Es wird das Paket `RColorBrewer` verwendet um die Farbpalette zu ändern

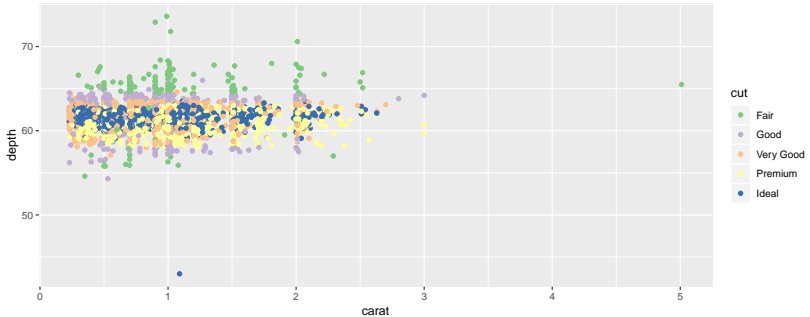
```
install.packages("RColorBrewer")
```

```
library(RColorBrewer)
myColors <- brewer.pal(5,"Accent")
names(myColors) <- levels(diamonds$cut)
colScale <- scale_colour_manual(name = "cut",
                                values = myColors)
```

<http://stackoverflow.com/questions/6919025/>

# Eine Graphik mit den gewählten Farben

```
p <- ggplot(diamonds,aes(carat, depth,colour = cut)) +  
  geom_point()  
p + colScale
```



# Speichern mit ggsave

```
ggsave("Graphik.jpg")
```

- Warum man ggplot2 für einfache Grafiken nutzen sollte

## Why I use ggplot2

February 12, 2016

By David Robinson



Like 585

Share



Share

69

(This article was first published on [Variance Explained](#), and kindly contributed to R-bloggers)

590  
SHARES



Share



Tweet

- Einführung in ggplot2

## Introduction to ggplot2