

Actividad 5.1 Matriz HAT

Integrantes

A01068244 - Jared Andrés Silva Villa A00227869 - Paola Félix Torres

Fecha: 15 de Agosto del 2024

Índice

1.Identificar el porcentaje de datos faltantes.	3
2.Identificar el mecanismo que ocasiona datos faltantes (MCAR, MAR, NMAR)}	3
3.Obtener estadísticas descriptivas de los datos (histograma, media, desviación estándar, mediana, moda, etc).	4
4.Utilizar el método de imputación adecuado para cada una de las variables con da faltantes.	atos 5
5.Realizar un boxplot e interpretarlo.	7

1. Para el siguiente conjunto de datos, obtener la Matriz HAT, H, los valores predichos, y , ^y los coeficientes de la ecuación de regresión β .

<i>X</i> ₁	y
2	5
3	8
5	7
7	10
9	12

2. Verificar los resultados utilizando Python.

```
[86] H = X @ np.linalg.inv(X.T @ X) @ X.T print(H)

☐ [0.51219512 0.41463415 0.2195122 0.02439024 -0.17073171]
        [0.41463415 0.34756098 0.21341463 0.07926829 -0.05487805]
        [0.2195122 0.21341463 0.20121951 0.18902439 0.17682927]
        [0.02439024 0.07926829 0.18902439 0.29878049 0.40853659]
        [-0.17073171 -0.05487805 0.17682927 0.40853659 0.6402439]]
```

3.Utilizando los Datos "Cirugía de Hígado" obtener la matriz HAT, los valores predichos, y , y los coeficientes de la ecuación de regresión β utilizando el método de matrices. (Puede realizarse con cualquier paquete).

Estandarizar las variables con MinMax Scaler antes de realizar las operaciones con matrices.

Problema en colab

$H = X(X^T X)^{-1} X^T$

```
[72] B = np.linalg.inv(X_scal.T @ X_scal) @ X_scal.T @ Y_scal print(B)

→ [[-0.03374218]
        [ 0.08630899]
        [ 0.20125292]
        [ 0.38437348]
```

[-0.06065628] [-0.00613695] [-0.04239579] [0.07147603]]

```
Y_hat = H @ Y
    print(Y_hat)
₹
        Sobrevivencia (dias)
                 706.256237
                 430.822921
                 732.229832
                 425.039576
               1454.587552
                 568.334910
    104
                 584.367939
    105
    106
                 385.909891
                 459.719981
    107
    [108 rows x 1 columns]
```

```
Sobrevivencia (dias)
0 -11.256237
1 -27.822921
2 -22.229832
3 -76.039576
4 888.412448
...
103 22.484945
104 30.665090
105 70.632061
106 -8.909891
107 182.280019
```

4.Concluir sobre el significado de los valores de apalancamiento y formular la ecuación de regresión.

Los valores de apalancamiento de cada observación en un modelo de regresión se calculan utilizando la matriz HAT. El valor de apalancamiento es una medida de la influencia que tiene un punto de datos sobre el ajuste del modelo. Cuanto mayor sea el valor de apalancamiento, más influye ese punto en el resultado final.

En el problema 1, notamos que el punto h5 tiene un valor alto en comparación al promedio, lo que indica que esa observación tiene un impacto significativo en la ecuación de regresión.

En el problema 2, el análisis de los valores de apalancamiento es más complejo debido a las dimensiones más grandes de los datos.

Para el problema 1 la ecuación sería la siguiente:

Y = 3.86585366+0.87195122X1

Para el problema 2 la ecuación sería la siguiente:

Y = -0.0337 + 0.0863X1 + 0.2013X2 + 0.3844X3 - 0.0607X4 - 0.0061X5 - 0.0424X6 + 0.0715X7