
第九章：聚类

大纲

- 聚类任务
- 性能度量
- 距离计算
- 原型聚类
- 密度聚类
- 层次聚类

大纲

□ 聚类任务

□ 性能度量

□ 距离计算

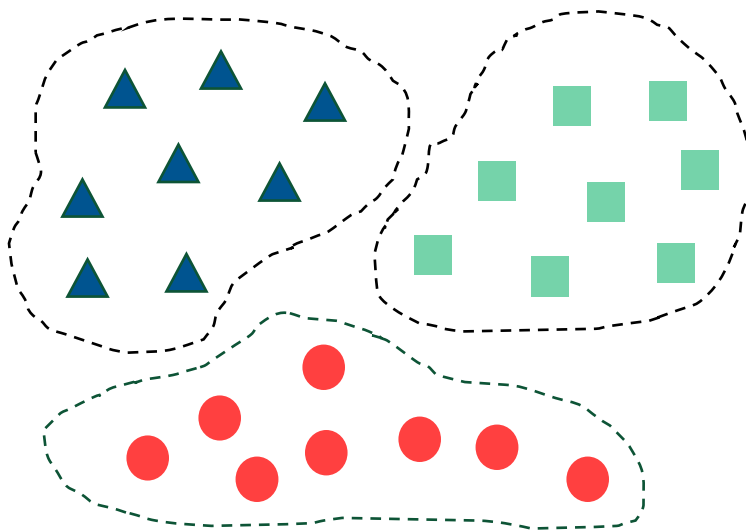
□ 原型聚类

□ 密度聚类

□ 层次聚类

聚类任务

- 聚类在“无监督学习”任务中研究最多、应用最广。
- 聚类目标：将数据集中的样本划分为若干个通常不相交的子集（“簇”， cluster）。
- 聚类既可以作为一个单独过程（用于找寻数据内在的分布结构），也可作为分类等其他学习任务的前驱过程。



聚类任务

□ 形式化描述

假定样本集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$ 包含 m 个无标记样本, 每个样本 $x_i = (x_{i1}; x_{i2}; \dots; x_{in})$ 是一个 n 维的特征向量, 聚类算法将样本集 D 划分成 k 个不相交的簇 $\{C_l | l = 1, 2, \dots, k\}$ 。其中 $C_{l'} \cap_{l' \neq l} C_l = \phi$, 且 $D = \bigcup_{l=1}^k C_l$ 。

相应地, 用 $\lambda_j \in \{1, 2, \dots, k\}$ 表示样本 x_j 的“簇标记” (即 **cluster label**) , 即 $x_j \in C_{\lambda_j}$ 。于是, 聚类的结果可用包含 m 个元素的簇标记向量 $\lambda = \{\lambda_1; \lambda_2; \dots; \lambda_m\}$ 表示。

大纲

- 聚类任务
- 性能度量
- 距离计算
- 原型聚类
- 密度聚类
- 层次聚类

性能度量

□ 聚类性能度量，亦称为聚类“有效性指标” (validity index)

- 评估；优化

□ 直观来讲：

我们希望“物以类聚”，即同一簇的样本尽可能彼此相似，不同簇的样本尽可能不同。换言之，聚类结果的“簇内相似度” (intra-cluster similarity) 高，且“簇间相似度” (inter-cluster similarity) 低，这样的聚类效果较好。

性能度量

□ 聚类性能度量：

- 外部指标 (external index)

将聚类结果与某个“参考模型” (reference model) 进行比较。

- 内部指标 (internal index)

直接考察聚类结果而不用任何参考模型。

性能度量- 外部指标

对数据集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$, 假定通过**聚类**得到的簇划分为 $C = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$, **参考模型**给出的簇划分为 $C^* = \{C_1^*, C_2^*, \dots, C_s^*\}$. 相应地, 令 λ 与 λ^* 分别表示与 C 和 C^* 对应的簇标记向量.

我们将样本两两配对考虑, 定义

$$a = |SS|, SS = \{(x_i, x_j) | \lambda_i = \lambda_j, \lambda_i^* = \lambda_j^*, i < j\}$$

$$b = |SD|, SD = \{(x_i, x_j) | \lambda_i = \lambda_j, \lambda_i^* \neq \lambda_j^*, i < j\}$$

$$c = |DS|, DS = \{(x_i, x_j) | \lambda_i \neq \lambda_j, \lambda_i^* = \lambda_j^*, i < j\}$$

$$d = |DD|, DD = \{(x_i, x_j) | \lambda_i \neq \lambda_j, \lambda_i^* \neq \lambda_j^*, i < j\}$$

性能度量 - 外部指标

□ Jaccard系数 (Jaccard Coefficient, JC)

$$JC = \frac{a}{a+b+c}$$

□ FM指数 (Fowlkes and Mallows Index, FMI)

$$FMI = \sqrt{\frac{a}{a+b} \cdot \frac{a}{a+c}}$$

□ Rand指数 (Rand Index, RI)

$$RI = \frac{2(a+b)}{m(m-1)}$$

[0,1]区间内,
越大越好.

性能度量 - 内部指标

- 考虑聚类结果的簇划分 $C = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$, 定义簇 C 内样本间的平均距离

$$avg(C) = \frac{2}{|C|(|C|-1)} \sum_{1 \leq i \leq j \leq |C|} dist(x_i, x_j)$$

簇 C 内样本间的最远距离

$$diam(C) = \max_{1 \leq i \leq j \leq |C|} dist(x_i, x_j)$$

簇 C_i 与簇 C_j 最近样本间的距离

$$d_{min}(C) = \min_{x_i \in C_i, x_j \in C_j} dist(x_i, x_j)$$

簇 C_i 与簇 C_j 中心点间的距离

$$d_{cen}(C) = dist(\mu_i, \mu_j)$$

性能度量 - 内部指标

□ DB指数 (Davies-Bouldin Index, DBI)

$$DBI = \frac{1}{k} \sum_{i=1}^k \max_{j \neq i} \left(\frac{avg(C_i) + avg(C_j)}{d_{cen}(\mu_i, \mu_j)} \right)$$

越小越好.

□ Dunn指数 (Dunn Index, DI)

$$DI = \min_{1 \leq i \leq k} \left\{ \min_{j \neq i} \left(\frac{d_{min}(C_i, C_j)}{\max_{1 \leq l \leq k} diam(C_l)} \right) \right\}$$

越大越好.

大纲

- 聚类任务
- 性能度量
- 距离计算
- 原型聚类
- 密度聚类
- 层次聚类

距离计算

□ 距离度量的性质：

非负性： $dist(x_i, x_j) \geq 0$

同一性： $dist(x_i, x_j) = 0$ 当且仅当 $x_i = x_j$

对称性： $dist(x_i, x_j) = dist(x_j, x_i)$

直递性： $dist(x_i, x_j) \leq dist(x_i, x_k) + dist(x_k, x_j)$

距离计算

□ 距离度量的性质：

非负性： $dist(x_i, x_j) \geq 0$

同一性： $dist(x_i, x_j) = 0$ 当且仅当 $x_i = x_j$

对称性： $dist(x_i, x_j) = dist(x_j, x_i)$

直递性： $dist(x_i, x_j) \leq dist(x_i, x_k) + dist(x_k, x_j)$

□ 常用距离：

闵可夫斯基距离 (Minkowski distance) :

$$dist(x_i, x_j) = \left(\sum_{u=1}^n |x_{iu} - x_{ju}|^p \right)^{\frac{1}{p}}$$

p=2: 欧氏距离 (Euclidean distance) .

p=1: 曼哈顿距离 (Manhattan distance) .

距离计算

□ 属性介绍

- 连续属性 (continuous attribute)
在定义域上有无穷多个可能的取值
- 离散属性 (categorical attribute)
在定义域上是有限个可能的取值

距离计算

□ 属性介绍

- 连续属性 (continuous attribute)

在定义域上有无穷多个可能的取值

- 离散属性 (categorical attribute)

在定义域上是有限个可能的取值

- 有序属性 (ordinal attribute)

例如定义域为 $\{1,2,3\}$ 的离散属性，“1”与“2”比较接近、与“3”比较远，称为“有序属性”。

- 无序属性 (non-ordinal attribute)

例如定义域为{飞机，火车，轮船}这样的离散属性，不能直接在属性值上进行计算，称为“无序属性”。

距离度量

□ Value Difference Metric, VDM (处理无序属性) :

令 $m_{u,a}$ 表示属性 u 上取值为 a 的样本数, $m_{u,a,i}$ 表示在第 i 个样本簇中在属性 u 上取值为 a 的样本数, k 为样本数, 则属性 u 上两个离散值 a 与 b 之间的VDM距离为

$$VDM_p(a, b) = \sum_{i=1}^k \left| \frac{m_{u,a,i}}{m_{u,a}} - \frac{m_{u,b,i}}{m_{u,b}} \right|^p$$

距离度量

□ MinkovDM_p (处理混合属性) :

$$MinkovDM_p(x_i, x_j) = \left(\sum_{u=1}^{n_c} |x_{iu} - x_{ju}|^p + \sum_{u=n_c+1}^n VDM_p(x_{iu}, x_{ju}) \right)^{\frac{1}{p}}$$

□ 加权距离 (样本中不同属性的重要性不同时) :

$$dist(x_i, x_j) = (\omega_1 \cdot |x_{i1} - x_{j1}|^p + \cdots + \omega_n \cdot |x_{in} - x_{jn}|^p)^{\frac{1}{p}}$$

$$\omega_i \geq 0, \sum_{i=1}^n \omega_i = 1$$

大纲

- 聚类任务
- 性能度量
- 距离计算
- 原型聚类
- 密度聚类
- 层次聚类

原型聚类

□ 原型聚类

也称为“基于原型的聚类” (prototype-based clustering), 此类算法假设聚类结构能通过一组原型刻画。

□ 算法过程:

通常情况下, 算法先对原型进行初始化, 再对原型进行迭代更新求解。

□ 接下来, 介绍几种著名的原型聚类算法

k 均值算法、学习向量量化算法、高斯混合聚类算法。



Clustering
K-means
algorithm

原型聚类 - k 均值算法

给定数据集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$, k 均值算法针对聚类所得簇划分 $C = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$ 最小化平方误差

$$E = \sum_{i=1}^k \sum_{x \in C_j} \|x - \mu_i\|_2^2$$

其中, μ_i 是簇 C_i 的均值向量。

E 值在一定程度上刻画了簇内样本围绕簇均值向量的紧密程度, E 值越小, 则簇内样本相似度越高。

原型聚类 - k 均值算法

给定数据集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$, k 均值算法针对聚类所得簇划分 $C = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$ 最小化平方误差

$$E = \sum_{i=1}^k \sum_{x \in C_i} \|x - \mu_i\|_2^2$$

其中, μ_i 是簇 C_i 的均值向量。

E 值在一定程度上刻画了簇内样本围绕簇均值向量的紧密程度, E 值越小, 则簇内样本相似度越高。

□ 算法流程（迭代优化）：

初始化每个簇的均值向量

repeat

1. （更新）簇划分；
2. 计算每个簇的均值向量

until 当前均值向量均未更新

原型聚类 - k 均值算法

□ 算法伪代码:

输入: 样本集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$;
聚类簇数 k .

过程:

1: 从 D 中随机选择 k 个样本作为初始均值向量 $\{\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_k\}$

2: **repeat**

3: 令 $C_i = \emptyset$ ($1 \leq i \leq k$)

4: **for** $j = 1, \dots, m$ **do**

5: 计算样本 x_j 与各均值向量 μ_i ($1 \leq i \leq k$) 的距离: $d_{ji} = \|x_j - \mu_i\|_2$;

6: 根据距离最近的均值向量确定 x_j 的簇标记: $\lambda_j = \arg \min_{i \in \{1, 2, \dots, k\}} d_{ji}$;

7: 将样本 x_j 划入相应的簇: $C_{\lambda_j} = C_{\lambda_j} \cup \{x_j\}$;

8: **end for**

9: **for** $i = 1, \dots, k$ **do**

10: 计算新均值向量: $\mu'_i = \frac{1}{|C_i|} \sum_{x \in C_i} x$;

11: **if** $\mu'_i \neq \mu_i$ **then**

12: 将当前均值向量 μ_i 更新为 μ'_i

13: **else**

14: 保持当前均值向量不变

15: **end if**

16: **end for**

17: **until** 当前均值向量均未更新

18: **return** 簇划分结果

输出: 簇划分 $\mathcal{C} = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$

1

2

原型聚类 - k 均值算法

□ k 均值算法实例

接下来以表9-1的西瓜数据集4.0为例，来演示 k 均值算法的学习过程。将编号为 i 的样本称为 x_i 。

编号	密度	含糖率	编号	密度	含糖率	编号	密度	含糖率
1	0.697	0.460	11	0.245	0.057	21	0.748	0.232
2	0.774	0.376	12	0.343	0.099	22	0.714	0.346
3	0.634	0.264	13	0.639	0.161	23	0.483	0.312
4	0.608	0.318	14	0.657	0.198	24	0.478	0.437
5	0.556	0.215	15	0.360	0.370	25	0.525	0.369
6	0.403	0.237	16	0.593	0.042	26	0.751	0.489
7	0.481	0.149	17	0.719	0.103	27	0.532	0.472
8	0.437	0.211	18	0.359	0.188	28	0.473	0.376
9	0.666	0.091	19	0.339	0.241	29	0.725	0.445
10	0.243	0.267	20	0.282	0.257	30	0.446	0.459

原型聚类 - k 均值算法

□ k 均值算法实例

假定聚类簇数 $k=3$ ，算法开始时，随机选择3个样本 x_6, x_{12}, x_{27} 作为初始均值向量，即 $\mu_1 = (0.403; 0.237), \mu_2 = (0.343; 0.099), \mu_3 = (0.533; 0.472)$

考察样本 $x_1 = (0.697; 0.460)$ ，它与当前均值向量 μ_1, μ_2, μ_3 的距离分别为0.369, 0.506, 0.166，因此 x_1 将被划入簇 C_3 中。类似的，对数据集中的所有样本考察一遍后，可得当前簇划分为

$$C_1 = \{x_5, x_6, x_7, x_8, x_9, x_{10}, x_{13}, x_{14}, x_{15}, x_{17}, x_{18}, x_{19}, x_{20}, x_{23}\}$$

$$C_2 = \{x_{11}, x_{12}, x_{16}\}$$

$$C_3 = \{x_1, x_2, x_3, x_4, x_{21}, x_{22}, x_{24}, x_{25}, x_{26}, x_{27}, x_{28}, x_{29}, x_{30}\}$$

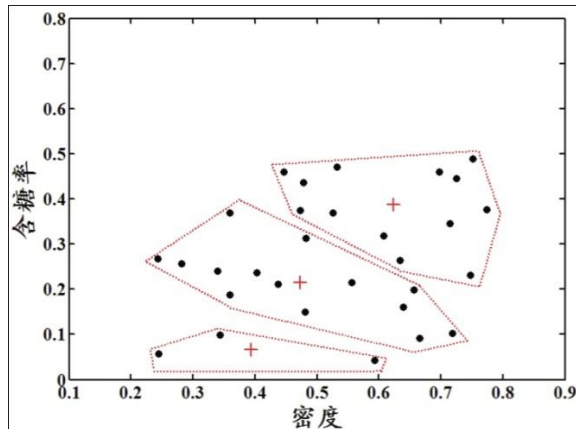
于是，可以从分别求得新的均值向量

$$\mu'_1 = (0.473; 0.214), \mu'_2 = (0.394; 0.066), \mu'_3 = (0.623; 0.388)$$

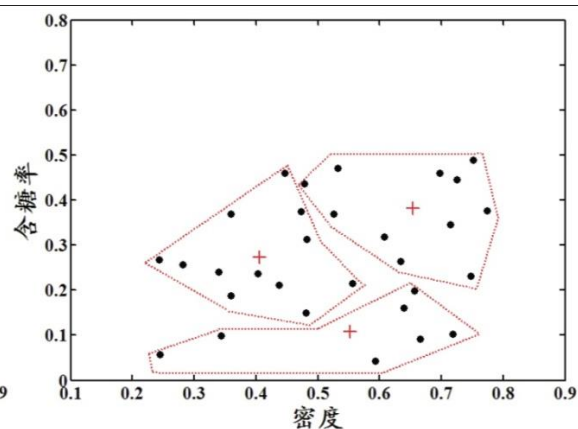
不断重复上述过程，如下图所示。

原型聚类 - k 均值算法

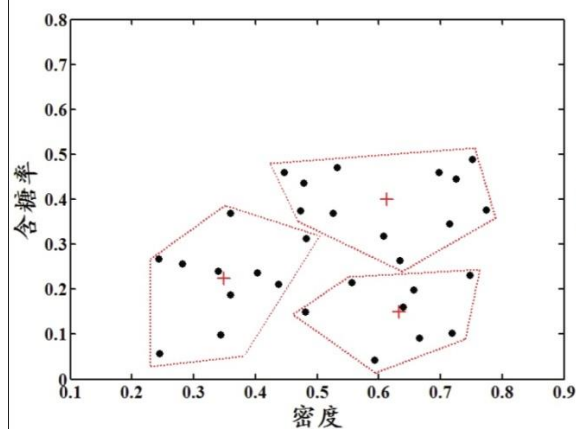
□ 聚类结果：



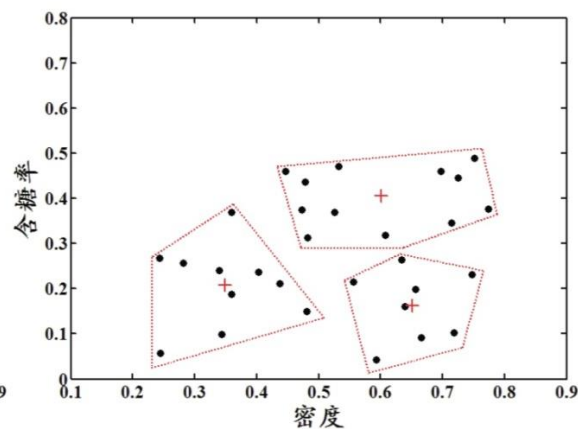
(a) 第一轮迭代后



(b) 第二轮迭代后



(c) 第三轮迭代后



(d) 第四轮迭代后

原型聚类 - 学习向量量化

□ 学习向量量化 (Learning Vector Quantization, LVQ)

与一般聚类算法不同的是, LVQ假设数据样本带有类别标记, 学习过程中利用样本的这些监督信息来辅助聚类.

给定样本集 $D = \{(x_1, y_1), (x_2, y_2), \dots, (x_m, y_m)\}$, LVQ的目标是学得一组 n 维原型向量 $\{p_1, p_2, \dots, p_q\}$, 每个原型向量代表一个聚类簇。

● 样本划分

划入与样本 x 距离最近的原型向量所代表的簇中

$$R_i = \left\{ x \in \mathcal{X} \mid \|x - p_i\|_2 \leq \|x - p_{i'}\|_2, i' \neq i \right\}$$

原型聚类 - 学习向量量化

□ 算法伪代码:

输入: 样本集 $D = \{(\mathbf{x}_1, y_1), \dots, (\mathbf{x}_m, y_m)\}$;
原型向量个数 q , 各原型向量预设的类别标记 $\{t_1, t_2, \dots, t_q\}$;
学习率 $\eta \in (0, 1)$.

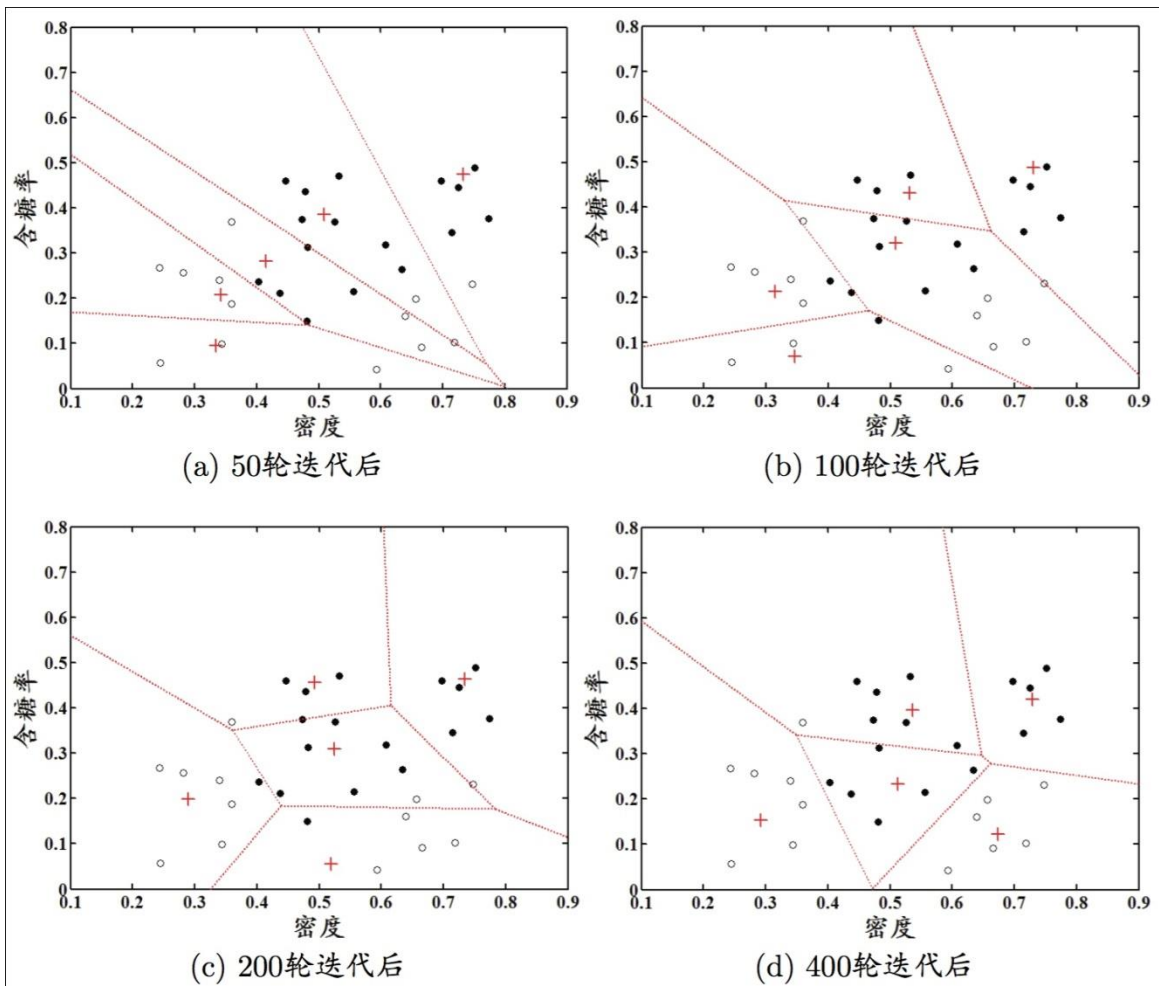
过程:

- 1: 初始化一组原型向量 $\{\mathbf{p}_1, \mathbf{p}_2, \dots, \mathbf{p}_q\}$
- 2: **repeat**
- 3: 从样本集 D 随机选取样本 (\mathbf{x}_j, y_j) ;
- 4: 计算样本 \mathbf{x}_j 与 \mathbf{p}_i ($1 \leq i \leq q$) 的距离: $d_{ji} = \|\mathbf{x}_j - \mathbf{p}_i\|_2$;
- 5: 找出与 \mathbf{x}_j 距离最近的原型向量; $i^* = \arg \min_{i \in \{1, 2, \dots, q\}} d_{ji}$;
- 6: **if** $y_j = t_{i^*}$ **then**
- 7: $\mathbf{p}' = \mathbf{p}_{i^*} + \eta \cdot (\mathbf{x}_j - \mathbf{p}_{i^*})$
- 8: **else**
- 9: $\mathbf{p}' = \mathbf{p}_{i^*} - \eta \cdot (\mathbf{x}_j - \mathbf{p}_{i^*})$
- 10: **end if**
- 11: 将原型向量 \mathbf{p}_{i^*} 更新为 \mathbf{p}'
- 12: **until** 满足停止条件
- 13: **return** 当前原型向量

输出: 原型向量 $\{\mathbf{p}_1, \mathbf{p}_2, \dots, \mathbf{p}_q\}$

原型聚类 - 学习向量量化

□ 聚类效果:



原型聚类 - 高斯混合聚类

与 k 均值、LVQ用原型向量来刻画聚类结构不同，高斯混合聚类 (Mixture-of-Gaussian) 采用概率模型来表达聚类原型：

□ 多元高斯分布的定义

对 n 维样本空间中的随机向量 x ，若 x 服从高斯分布，其概率密度函数为

$$p(x) = \frac{1}{(2\pi)^{\frac{n}{2}} |\Sigma|^{\frac{1}{2}}} e^{-\frac{1}{2}(x-\mu)^T \Sigma^{-1}(x-\mu)}$$

其中 μ 是 n 维均值向量， Σ 是 $n \times n$ 的协方差矩阵。也可将概率密度函数记作 $p(x|\mu, \Sigma)$ 。

原型聚类 - 高斯混合聚类

□ 高斯混合分布的定义

$$p_M(x) = \sum_{i=1}^k \alpha_i p(x|\mu_i, \Sigma_i)$$

该分布由 k 个混合分布组成，每个分布对应一个高斯分布。其中， μ_i 与 Σ_i 是第 i 个高斯混合成分的参数。而 $\alpha_i > 0$ 为相应的“混合系数”， $\sum_{i=1}^k \alpha_i = 1$

原型聚类 - 高斯混合聚类

□ 假设样本的生成过程由高斯混合分布给出：

首先，根据 $\alpha_1, \alpha_2, \dots, \alpha_k$ 定义的先验分布选择高斯混合成分，其中 α_i 为选择第 i 个混合成分的概率；

然后，根据被选择的混合成分的概率密度函数进行采样，从而生成相应的样本。

原型聚类 - 高斯混合聚类

□ 模型求解：最大化（对数）似然

$$\begin{aligned} LL(D) &= \ln \left(\prod_{j=1}^m p_M(x_j) \right) \\ &= \sum_{j=1}^m \ln \left(\sum_{i=1}^k \alpha_i \cdot p(x_j | \mu_i, \Sigma_i) \right) \end{aligned}$$

令：

$$\frac{\partial LL(D)}{\partial \mu_i} = 0 \quad \longrightarrow \quad \mu_i = \frac{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji} x_j}{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji}}$$

高斯混合聚类 - 模型求解 (续)

令：

$$\frac{\partial LL(D)}{\partial \Sigma_i} = 0 \quad \longrightarrow \quad \Sigma_i = \frac{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji} (x_j - \mu_i)(x_j - \mu_i)^T}{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji}}$$

高斯混合聚类

□ 算法伪代码:

输入: 样本集 $D = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \dots, \mathbf{x}_m\}$;
高斯混合成分个数 k .

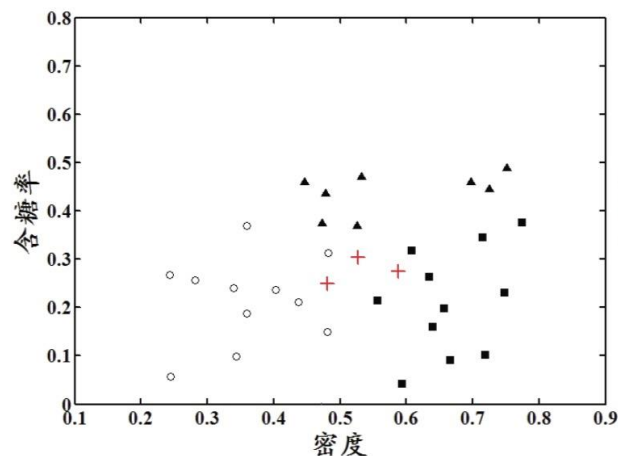
过程:

```
1: 初始化高斯混合分布的模型参数  $\{(\alpha_i, \boldsymbol{\mu}_i, \boldsymbol{\Sigma}_i) \mid 1 \leq i \leq k\}$ 
2: repeat
3:   for  $j = 1, \dots, m$  do
4:     根据(9.30)计算  $\mathbf{x}_j$  由各混合成分生成的后验概率, 即
        $\gamma_{ji} = p_{\mathcal{M}}(z_j = i \mid \mathbf{x}_j) \ (1 \leq i \leq k)$ 
5:   end for
6:   for  $i = 1, \dots, k$  do
7:     计算新均值向量:  $\boldsymbol{\mu}'_i = \frac{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji} \mathbf{x}_j}{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji}}$ ;
8:     计算新协方差矩阵:  $\boldsymbol{\Sigma}'_i = \frac{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji} (\mathbf{x}_j - \boldsymbol{\mu}'_i)(\mathbf{x}_j - \boldsymbol{\mu}'_i)^\top}{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji}}$ ;
9:     计算新混合系数:  $\alpha'_i = \frac{\sum_{j=1}^m \gamma_{ji}}{m}$ ;
10:  end for
11: 将模型参数  $\{(\alpha_i, \boldsymbol{\mu}_i, \boldsymbol{\Sigma}_i) \mid 1 \leq i \leq k\}$  更新为  $\{(\alpha'_i, \boldsymbol{\mu}'_i, \boldsymbol{\Sigma}'_i) \mid 1 \leq i \leq k\}$ 
12: until 满足停止条件
13:  $C_i = \emptyset \ (1 \leq i \leq k)$ 
14: for  $j = 1, \dots, m$  do
15:   根据(9.31)确定  $\mathbf{x}_j$  的簇标记  $\lambda_j$ ;
16:   将  $\mathbf{x}_j$  划入相应的簇:  $C_{\lambda_j} = C_{\lambda_j} \cup \{\mathbf{x}_j\}$ 
17: end for
18: return 簇划分结果
```

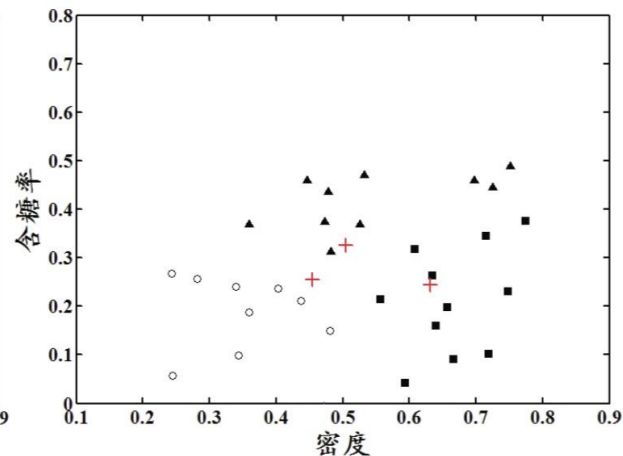
输出: 簇划分 $\mathcal{C} = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$

高斯混合聚类

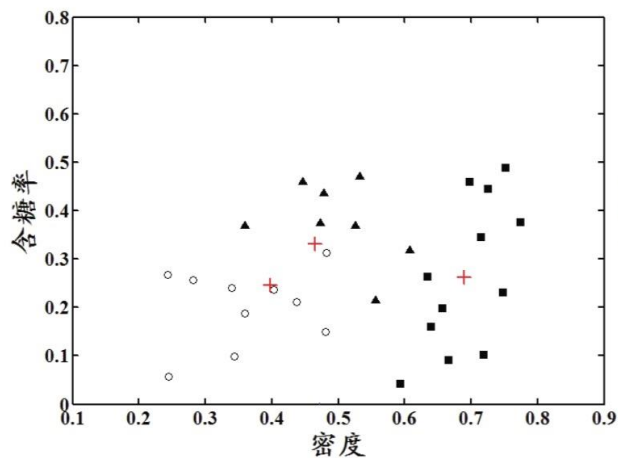
□ 聚类效果：



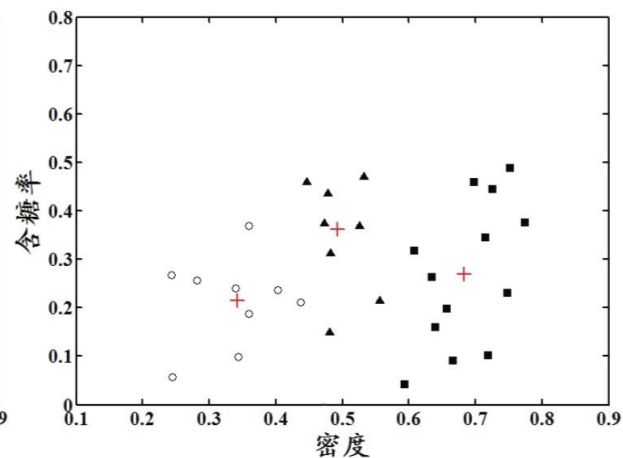
(a) 5轮迭代后



(b) 10轮迭代后



(c) 20轮迭代后



(d) 50轮迭代后

大纲

- 聚类任务
- 性能度量
- 距离计算
- 原型聚类
- 密度聚类
- 层次聚类

密度聚类

□ 密度聚类的定义

密度聚类也称为“基于密度的聚类” (density-based clustering)。

此类算法假设聚类结构能通过样本分布的紧密程度来确定。

通常情况下，密度聚类算法从样本密度的角度来考察样本之间的可连接性，并基于可连接样本不断扩展聚类簇来获得最终的聚类结果。

接下来介绍**DBSCAN**这一密度聚类算法。

密度聚类

- DBSCAN算法：基于一组“邻域”参数 $(\epsilon, MinPts)$ 来刻画样本分布的紧密程度。
- 基本概念：
 - ϵ 邻域：对样本 $x_j \in D$ ，其 ϵ 邻域包含样本集 D 中与 x_j 的距离不大于 ϵ 的样本；
 - 核心对象：若样本 x_j 的 ϵ 邻域至少包含 $MinPts$ 个样本，则该样本点为一个核心对象；
 - 密度直达：若样本 x_j 位于样本 x_i 的 ϵ 邻域中，且 x_i 是一个核心对象，则称样本 x_j 由 x_i 密度直达；
 - 密度可达：对样本 x_i 与 x_j ，若存在样本序列 p_1, p_2, \dots, p_n ，其中 $p_1 = x_i, p_n = x_j$ 且 p_{i+1} 由 p_i 密度直达，则该两样本密度可达；
 - 密度相连：对样本 x_i 与 x_j ，若存在样本 x_k 使得两样本均由 x_k 密度可达，则称该两样本密度相连。

密度聚类

□ 一个例子

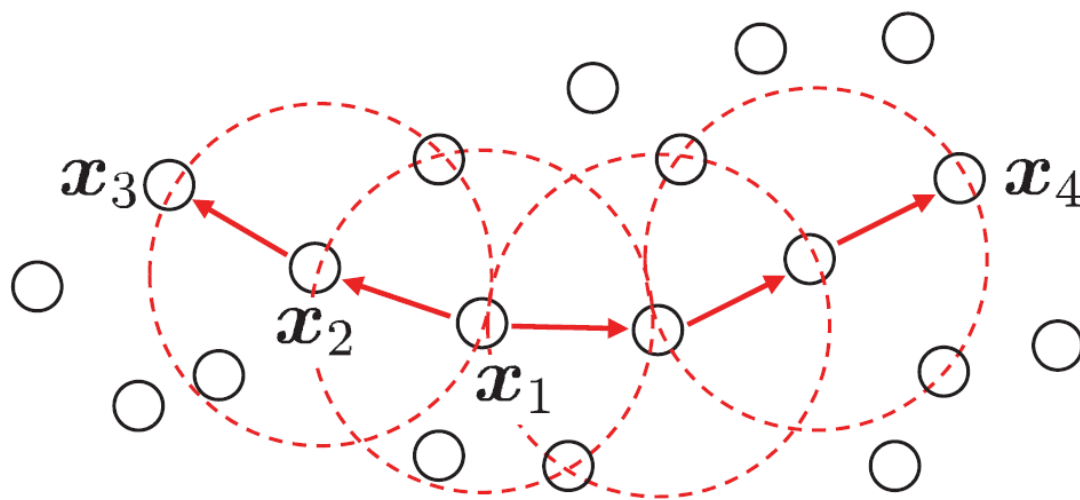
令 $MinPts = 3$ ，则
虚线显示出 ϵ 领域。

x_1 是核心对象。

x_2 由 x_1 密度直达。

x_3 由 x_1 密度可达。

x_3 与 x_4 密度相连。



密度聚类

□ 对“簇”的定义

由密度可达关系导出的最大密度相连样本集合。

□ 对“簇”的形式化描述

给定领域参数，簇是满足以下性质的非空样本子集：

连接性： $x_i \in C, x_j \in C \Rightarrow x_i$ 与 x_j 密度相连

最大性： $x_i \in C, x_i$ 与 x_j 密度可达 $\Rightarrow x_j \in C$

实际上，若 x 为核心对象，由 x 密度可达的所有样本组成的集合记为 $X = \{x' \in D \mid x' \text{ 由 } x \text{ 密度可达}\}$ ，则 X 为满足连接性与最大性的簇。

密度聚类

□ DBSCAN算法伪代码:

输入: 样本集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$;
邻域参数 $(\epsilon, MinPts)$.

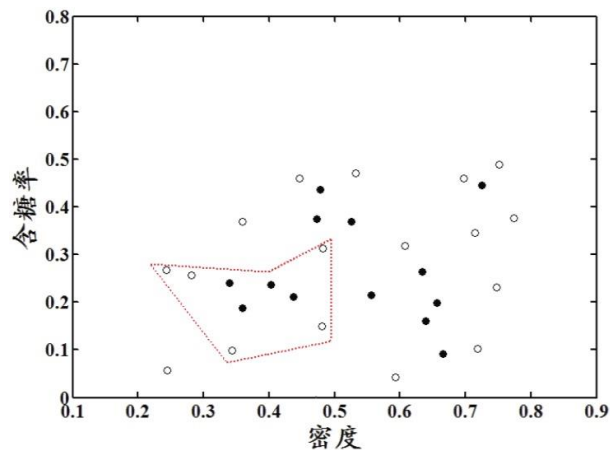
过程:

- 1: 初始化核心对象集合: $\Omega = \emptyset$
- 2: **for** $j = 1, \dots, m$ **do**
- 3: 确定样本 x_j 的 ϵ -邻域 $N_\epsilon(x_j)$;
- 4: **if** $|N_\epsilon(x_j)| \geq MinPts$ **then**
- 5: 将样本 x_j 加入核心对象集合: $\Omega = \Omega \cup \{x_j\}$
- 6: **end if**
- 7: **end for**
- 8: 初始化聚类簇数: $k = 0$
- 9: 初始化未访问样本集合: $\Gamma = D$
- 10: **while** $\Omega \neq \emptyset$ **do**
- 11: 记录当前未访问样本集合: $\Gamma_{old} = \Gamma$;
- 12: 随机选取一个核心对象 $o \in \Omega$, 初始化队列 $Q = \langle o \rangle$;
- 13: $\Gamma = \Gamma \setminus \{o\}$;
- 14: **while** $Q \neq \emptyset$ **do**
- 15: 取出队列 Q 中的首个样本 q ;
- 16: **if** $|N_\epsilon(q)| \geq MinPts$ **then**
- 17: 令 $\Delta = N_\epsilon(q) \cap \Gamma$;
- 18: 将 Δ 中的样本加入队列 Q ;
- 19: $\Gamma = \Gamma \setminus \Delta$;
- 20: **end if**
- 21: **end while**
- 22: $k = k + 1$, 生成聚类簇 $C_k = \Gamma_{old} \setminus \Gamma$;
- 23: $\Omega = \Omega \setminus C_k$
- 24: **end while**
- 25: **return** 簇划分结果

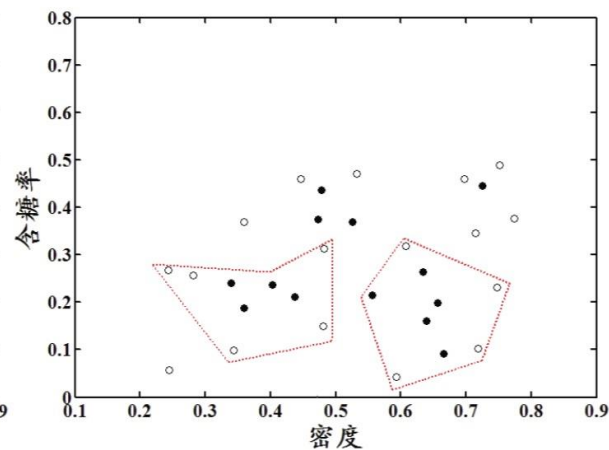
输出: 簇划分 $\mathcal{C} = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$

密度聚类

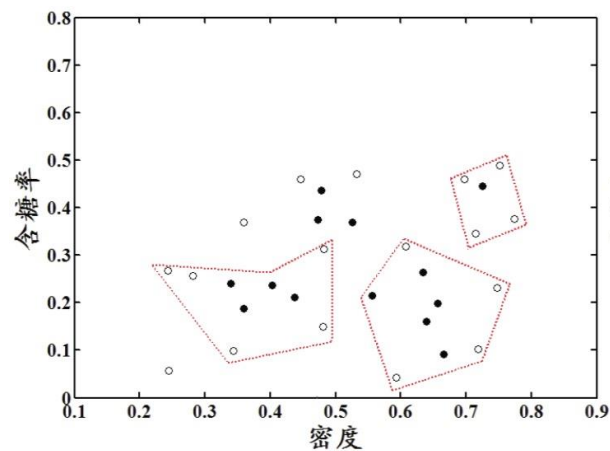
□ 聚类效果：



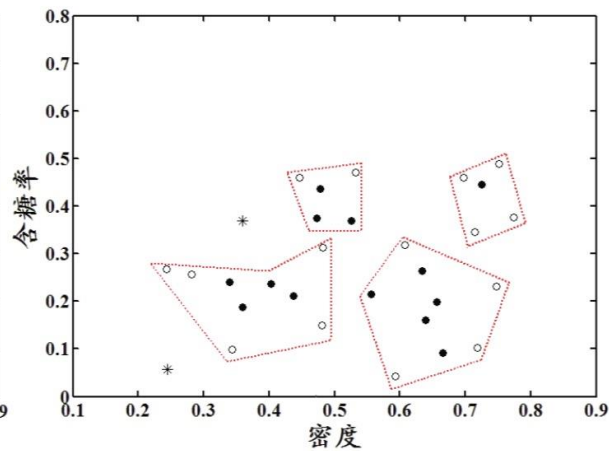
(a) 生成聚类簇 C_1



(b) 生成聚类簇 C_2



(c) 生成聚类簇 C_3



(d) 生成聚类簇 C_4

大纲

- 聚类任务
- 性能度量
- 距离计算
- 原型聚类
- 密度聚类
- 层次聚类

层次聚类

□ 层次聚类试图在不同层次对数据集进行划分，从而形成树形的聚类结构。数据集划分既可采用“自底向上”的聚合策略，也可采用“自顶向下”的分拆策略。

□ **AGNES**算法（自底向上的层次聚类算法）

首先，将样本中的每一个样本看做一个初始聚类簇，然后在算法运行的每一步中找出距离最近的两个聚类簇进行合并，该过程不断重复，直到达到预设的聚类簇的个数。

这里两个聚类簇 C_i 和 C_j 的距离，可以有3种度量方式。

层次聚类

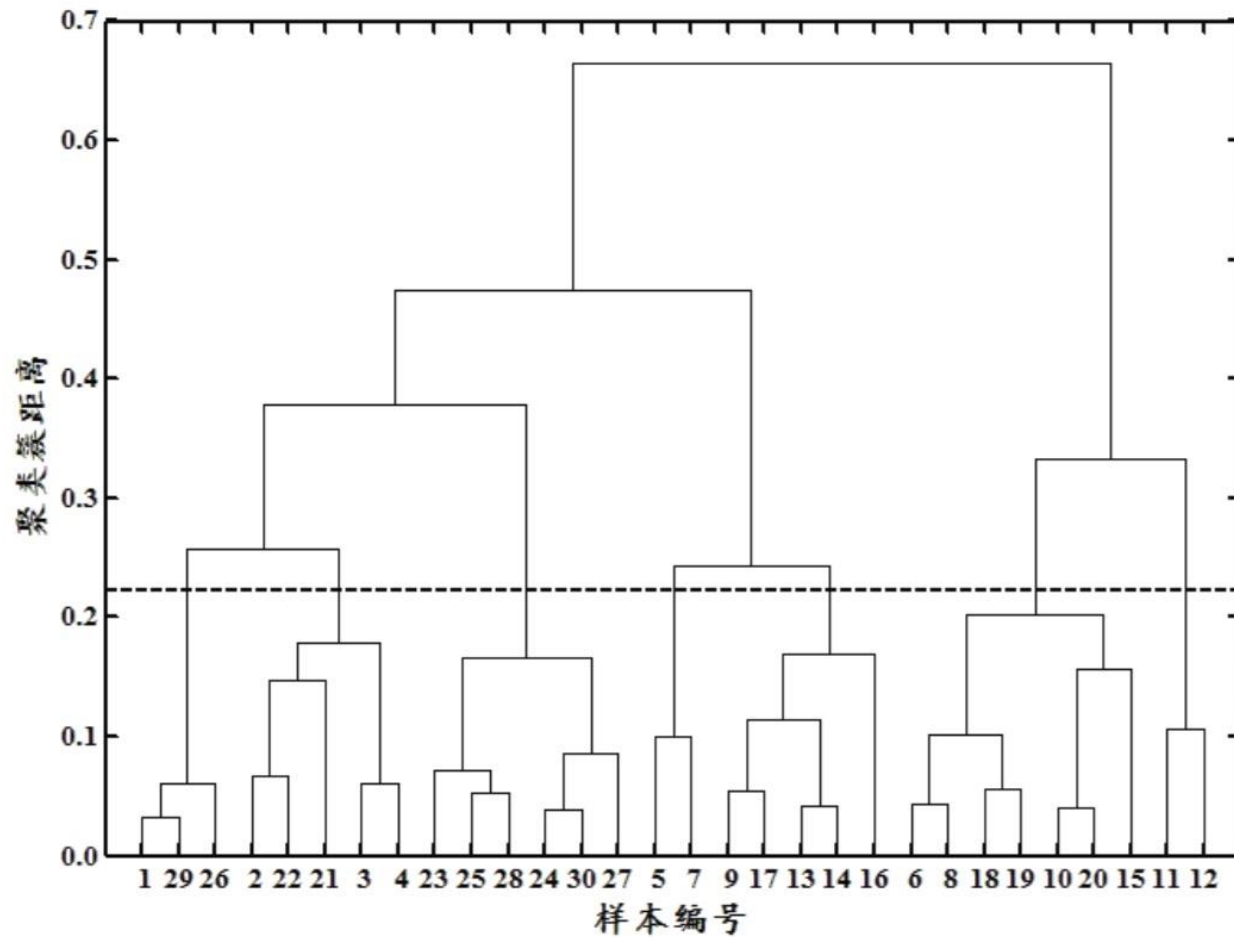
最小距离:
$$d_{min}(C_i, C_j) = \min_{x \in C_i, z \in C_j} dist(x, z)$$

最大距离:
$$d_{max}(C_i, C_j) = \max_{x \in C_i, z \in C_j} dist(x, z)$$

平均距离:
$$d_{avg}(C_i, C_j) = \frac{1}{|C_i||C_j|} \sum_{x \in C_i} \sum_{z \in C_j} dist(x, z)$$

层次聚类 - 树状图

□ AGNES算法树状图：



层次聚类 – AGNES算法

□ AGNES算法伪代码：

输入： 样本集 $D = \{x_1, x_2, \dots, x_m\}$;
聚类簇距离度量函数 $d \in \{d_{\min}, d_{\max}, d_{\text{avg}}\}$;
聚类簇数 k .

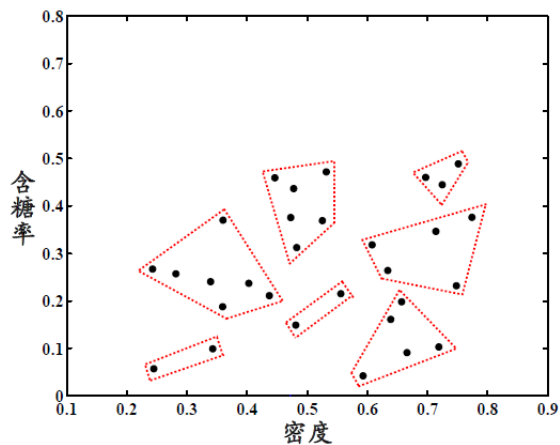
过程：

```
1: for  $j = 1, \dots, m$  do
2:    $C_j = \{x_j\}$ 
3: end for
4: for  $i = 1, \dots, m$  do
5:   for  $j = i, \dots, m$  do
6:      $M(i, j) = d(C_i, C_j)$ ;
7:      $M(j, i) = M(i, j)$ 
8:   end for
9: end for
10: 设置当前聚类簇个数:  $q = m$ 
11: while  $q > k$  do
12:   找出距离最近的两个聚类簇  $(C_{i^*}, C_{j^*})$ ;
13:   合并  $(C_{i^*}, C_{j^*})$ :  $C_{i^*} = C_{i^*} \cup C_{j^*}$ ;
14:   for  $j = j^* + 1, \dots, q$  do
15:     将聚类簇  $C_j$  重编号为  $C_{j-1}$ 
16:   end for
17:   删除距离矩阵  $M$  的第  $j^*$  行与第  $j^*$  列;
18:   for  $j = 1, \dots, q - 1$  do
19:      $M(i^*, j) = d(C_{i^*}, C_j)$ ;
20:      $M(j, i^*) = M(i^*, j)$ 
21:   end for
22:    $q = q - 1$ 
23: end while
24: return 簇划分结果
```

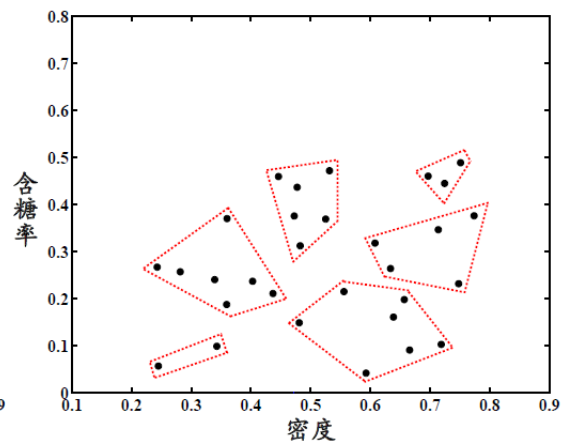
输出： 簇划分 $\mathcal{C} = \{C_1, C_2, \dots, C_k\}$

层次聚类

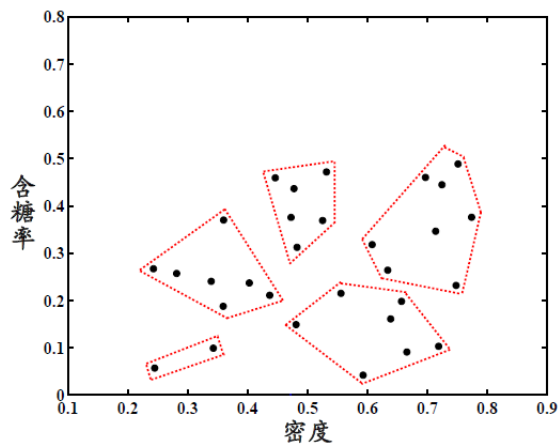
AGNES算法聚类效果：



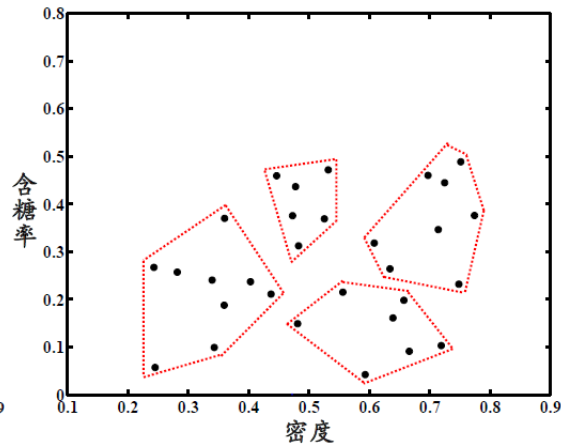
(a) 聚类簇数 $k = 7$



(b) 聚类簇数 $k = 6$



(c) 聚类簇数 $k = 5$



(d) 聚类簇数 $k = 4$