大数据第三次作业

191850189 王涛

内容:用SVM、决策树、BPNN三种算法对Iris鸢尾花数据集进行分类 任务

1.准备--数据获取与数据集划分

导入鸢尾花数据集并使用train_test_split()函数按照6:4的比例划分训练集和测试集

```
from sklearn.datasets import load_iris #导入鸢尾花数据集
from sklearn.model_selection import train_test_split

# 加载iris数据集
def load_data():
    iris = load_iris()
    X_train,X_test,Y_train,Y_test =
    train_test_split(iris.data,iris.target,test_size=0.4) #从数据集中随机划分训练集和测试集,
这里按照训练集: 测试集=6: 4进行划分
    return X_train, X_test, Y_train, Y_test
```

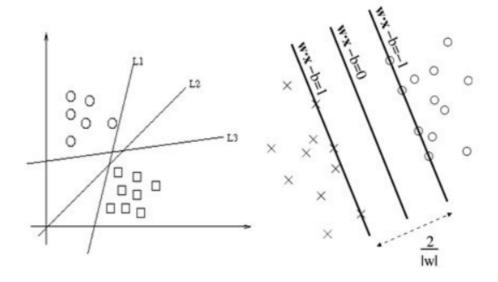
2.实现

1.SVM算法

svm概览:

svm即支持向量机(support vector machines, SVM),是一种监督式学习的方法,是一种二分类模型,可广泛地应用于统计分类以及回归分析。它将向量映射到一个更高维的空间里,在这个空间里建立一个最大间隔超平面。在分隔超平面的两边建有两个互相平行的超平面,分隔超平面使两个平行超平面的距离最大化。假定平行超平面间的距离或差距越大,分类器的总误差越小。

以二维空间举例:如下图所示,平面上有两类不同的数据,分别用圆圈和方块表示,可以很简单地找到一条直线使得两类数据正好能够完全分开。svm分类方法中希望找到一条直线,使得点到直线的最小距离最大化。在数据样本随机出现的情况下,这样的一条直线形成的分割能让后续预测的准确率尽可能高,在高维空间中这样的直线称之为超平面,因为维数大于三的时候我们已经无法想象出这个平面的具体样子,距离超平面最近的点称为支持向量。



关于最大分离器Maximum Margin Classifier的定义:

- 1. 最大间隔分类器的目标函数为: $\max \hat{\gamma}$
- 2. 其他满足条件: $y_i(w^Tx_i + b) = \hat{\gamma}_i \geq \hat{\gamma}, i = 1, ..., n$
- 3. 如果函数间隔 $\hat{\gamma}$ 为1,上述目标函数在转化为 $\max\frac{1}{||w||},s.t.$ $y_i(w^Tx_i+b)\geq 1, i=1,\ldots,n$

关于核函数:

一些数据在低维平面线性不可分,对于这些数据,可以通过构建映射函数将它们放在一个高维空间中去处理,构建高维线性可分模型,核函数就是为了解决这样的问题。

过程:

a.构建模型、训练模型与准确度评估:

```
from sklearn import svm

def test_SVC(X_train,X_test,Y_train,Y_test):
    svm_classifier = svm.SVC(C=1.0, kernel='rbf', decision_function_shape='ovr',
gamma=0.01) #构建
    svm_classifier.fit(X_train, Y_train) #训练
    # 评估
    print("训练集准确率:", svm_classifier.score(X_train, Y_train))
    print("测试集准确率:", svm_classifier.score(X_test, Y_test))
```

svm.SVC()参数解析:

- C: C-SVC 的惩罚参数, 默认值为1.0, C相当于惩罚松弛变量
 - 。 C值大,即对误分类的惩罚增大,趋向于对训练集圈粉对的情况,这样对训练集的测试准确率更高,但泛化能力弱。
 - 。 C值小,对误分类的惩罚减小,允许出错化将他们作为噪声点,泛化能力较强。
- decision_function_shape: 决策函数形状
 - None
 - ovo :one versus one, 一对一 的分类器,这时对于K个类别需要构建 \$\frac{k * (k 1)}{2}\$个分类器
 - ovr: one versus rest, 一对其他的分类器,这时对K个类别只需要构建K个分类器
- kernel:核函数,默认为rbf
 - o rbf:高斯核函数
 - o poly:多项式核函数
 - o linear:线性核函数
 - o sigmoid:sigmoid函数
- degree :如果选择多项式核函数poly, 默认是3,选择其他核函数时会被忽略。
- gamma: 高斯核函数、多项式核函数和sigmoid核函数的参数,默认是 auto
- coef0:核函数的常数项,对于多项式核函数和sigmoid有效
- probability:是否采用概率估计,默认为False
- shrinking:是否使用shrinking heuristic(启发式收缩),默认为 True
- tol:停止训练的误差大小,默认为1e-3
- cache_size :核函数cache缓存大小,默认为200
- class_weight:类别的权重,字段形式传递,设置第几类的参数C为weight*C
- verbose :是否允许冗余输出
- max_iter:最大迭代次数,-1为无限制
- random_state:数据洗牌时的种子值, int

b.执行及结果:

```
if __name__=="__main__":
    X_train,X_test,Y_train,Y_test=load_data()
    test_SVC(X_train,X_test,Y_train,Y_test)
```

训练集准确率: 0.9

测试集准确率: 0.9166666666666666

当然结果每一次运行可能是不一样的, 因为训练集与测试集是随机划分的

2.决策树算法

决策树概览:

决策树算法构造决策树来发现数据中蕴涵的分类规则,如何构造精度高、规模小的决策树是决策树算法的核心内容。

决策树构造可以分两步进行。第一步,决策树的生成:由训练样本集生成决策树。第二步,决策树的剪枝:决策树的剪枝是对上一阶段生成的决策树进行检验、校正的过程,主要是用测试数据集中的数据校验第一步中生成的决策树。由于第一步中不停地对结点进行划分,整棵树的分支可能过多,造成决策树很庞大。决策树过于庞大,有可能出现过拟合的情况,决策树越复杂,过拟合的程度会越高,这对于后续数据的预测是很不利的,剪纸可以用于解决这样的过度拟合情况。除了这样的后剪枝(全部构造完成再剪枝),还有预剪枝和边构造边剪枝。

构建决策树有多种算法,包括ID3、C4.5、CART等

1.ID3:

ID3算法核心是根据"最大信息熵增益"原则选择划分当前数据集的最好特征。

$$Ent(D) = -\sum_{k=1}^{|Y|} p_k \log_2 p_k \qquad (信息熵)$$

建立决策树的过程中,根据特征属性划分数据,使得原本"混乱"数据的熵(混乱度)减少,按照不同特征划分数据熵减少的程度会不一样。 ID3算法中选择熵减少程度最大的特征来划分数据,也就是"最大信息熵增益"原则。

$$Gain(D,a) = Ent(D) - \sum_{v=1}^{V} \frac{|D^v|}{|D|} Ent(D^v)$$
 (信息增益)

2.C4.5

C4.5算法流程与ID3相类似,但是将信息增益改为信息增益比,以解决偏向取值较多的属性的问题,相比ID3,它可以处理连续型属性。

$$Gain_ratio(D, a) = \frac{Gain(D, a)}{IV(a)}$$
 (信息增益率)

$$IV(a) = -\sum_{v=1}^{V} \frac{|D^v|}{|D|} log_2 \frac{|D^v|}{|D|}$$
 (属性a的固有值)

属性 a 的取值数目越多(V 越大),则 IV(a)的值通常越大。

3.CART

CART(Classification And Regression Tree, 分类回归树算法),是一种二分递归分割技术,把当前样本划分为两个子样本,使得生成的每个非叶子结点都有两个分支,因此CART算法生成的决策树是结构简洁的二叉树。由于CART算法构成的是一个二叉树,它在每一步的决策时只是"是"或者"否",即使一个feature有多个取值,也是把数据分为两部分。

无论是ID3还是C4.5,都基于信息论的熵模型,这里面会涉及大量的对数运算。CART分类树算法使用基尼系数来代替信息增益比,基尼系数代表了模型的不纯度,基尼系数越小,则不纯度越低,特征越好。相比基于信息论的熵模型的算法,CART决策树形成过程中可以减少大量的对数运算。

过程:

a.分割数据集后,设置决策树分类器

```
x_train, x_test, y_train, y_test = load_data() # 调用数据加载与分割函数
clf = tree.DecisionTreeClassifier(criterion="entropy") # 设置决策树分类器,也可以选择
gini
```

b.训练模型

```
clf.fit(x_train, y_train) # 训练模型
```

c.模型评估

```
score = clf.score(x_test, y_test) # 模型评估
```

d.使用graphviz进行模型图像绘制

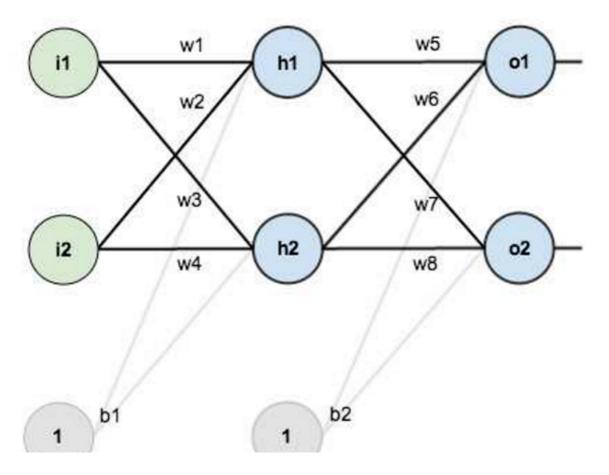
```
import graphviz
iris = load_iris()
feature_names = iris.feature_names
target_names = iris.target_names
clf_dot = tree.export_graphviz(clf,
out_file= None,
feature_names= feature_names,
class_names= target_names,
filled= True,
rounded= True) # 绘制决策树模型

graph = graphviz.Source(clf_dot,
filename= "iris_decisionTree.gv",
format= "png")
graph.view()
```

3.BPNN神经网路算法

BPNN概览:

BPNN是模仿人类的神经元激活、传递过程形成的算法。以三层神经网络为例,BP神经网络含输入层、隐含层、输出层三层结构。输入层接收数据,输出层输出数据,前一层神经元连接到下一层神经元,收集上一层神经元传递来的信息,经过"激活"把值传递给下一层。



前向传递:

w是连接前后两层神经元的权重,例如h1的输入就是前一层神经元输出的加权之和(再加上偏置),即 i1w1+i2w2+b1*1。h1的输出是对这个输入的"激活"。模型里激活是以激活函数的形式体现的,比如常用的激活函数是Sigmoid函数:

$$S\left(x\right) = \frac{1}{1 + e^{-x}}$$

该函数模仿神经元之间的传递,将范围很大的数限定到0到1之间,作为信号往后传递,每层神经元接收上一层神经元的信号,在自己这里激活,传到下一层神经元。

反向误差传播:

一般我们会随机初始化权重和偏置,这种参数设定十分随意,不可能第一次就能把这个模型确定,必须有一个"学习机制",让模型的参数不断优化以达到最佳状态,BPNN是按照误差逆向传播算法训练的多层前馈神经网络,通过反向误差传播完善模型。反向传播使用了梯度下降的方法来对参数进行修正,以提高拟合效果。具体地,反向传播是为了使得Etotal达到最小

总误差Etotal:

$E_{total} = \sum \frac{1}{2} (target - output)^2$

过程:

1. 初始化参数

2. 前向传播

```
def forward_propagation(X, parameters):
    w1 = parameters['w1']
    b1 = parameters['b1']
    w2 = parameters['w2']
    b2 = parameters['b2']

# 通过前向传播来计算a2
    z1 = np.dot(w1, X) + b1
    a1 = np.tanh(z1)  # tanh——第一层的激活函数
    z2 = np.dot(w2, a1) + b2
    a2 = 1 / (1 + np.exp(-z2))  # sigmoid——第二层的激活函数

# 通过字典存储参数
    cache = {'z1': z1, 'a1': a1, 'z2': z2, 'a2': a2}

return a2, cache
```

3. 计算代价函数

```
def compute_cost(a2, Y, parameters):

m = Y.shape[1] # 训练样本总数

# 代价函数选择交叉熵(cross-entropy)
logprobs = np.multiply(np.log(a2), Y) + np.multiply((1 - Y), np.log(1 - a2))

cost = - np.sum(logprobs) / m

return cost
```

4. 反向传播

```
def backward_propagation(parameters, cache, X, Y):

    m = Y.shape[1]
    w2 = parameters['w2']

a1 = cache['a1']
    a2 = cache['a2']

# 计算dw1、db1、dw2、db2

dz2 = a2 - Y

dw2 = (1 / m) * np.dot(dz2, a1.T)

db2 = (1 / m) * np.sum(dz2, axis=1, keepdims=True)

dz1 = np.multiply(np.dot(w2.T, dz2), 1 - np.power(a1, 2))

dw1 = (1 / m) * np.sum(dz1, X.T)

db1 = (1 / m) * np.sum(dz1, axis=1, keepdims=True)

grads = {'dw1': dw1, 'db1': db1, 'dw2': dw2, 'db2': db2}

return grads
```

5. 更新参数

```
def update_parameters(parameters, grads, learning_rate=0.4):

# 从字典里拿参数
w1 = parameters['w1']
b1 = parameters['b1']
w2 = parameters['w2']
b2 = parameters['b2']

dw1 = grads['dw1']
db1 = grads['db1']
```

```
dw2 = grads['dw2']
db2 = grads['db2']

# 参数更新计算
w1 = w1 - dw1 * learning_rate
b1 = b1 - db1 * learning_rate
w2 = w2 - dw2 * learning_rate
b2 = b2 - db2 * learning_rate

parameters = {'w1': w1, 'b1': b1, 'w2': w2, 'b2': b2}
```

6. 模型评估

```
def predict(parameters, x_test, y_test):
   w1 = parameters['w1']
   b1 = parameters['b1']
   w2 = parameters['w2']
   b2 = parameters['b2']
   z1 = np.dot(w1, x_test) + b1
   a1 = np.tanh(z1)
   z2 = np.dot(w2, a1) + b2
   a2 = 1 / (1 + np.exp(-z2))
   # 结果的维度
   n_rows = y_test.shape[0]
   n_cols = y_test.shape[1]
   # 预测值结果存储
   output = np.empty(shape=(n_rows, n_cols), dtype=int)
   for i in range(n_rows):
       for j in range(n_cols):
           if a2[i][j] > 0.5:
               output[i][j] = 1
           else:
               output[i][j] = 0
   print('预测结果: ')
   print(output)
   print('真实结果: ')
   print(y_test)
   count = 0
    for k in range(0, n_cols):
       if output[0][k] == y_test[0][k] and output[1][k] == y_test[1][k] and
output[2][k] == y_test[2][k]:
           count = count + 1
       else:
```

```
print(k)

acc = count / int(y_test.shape[1]) * 100

print('准确率: %.2f%%' % acc)

return output
```

7. 建立神经网络、运行与评估

```
def nn_model(X, Y, n_h, n_input, n_output, num_iterations=10000, print_cost=False):
   np.random.seed(3)
                         # 输入层节点数
   n_x = n_input
   n_y = n_output # 输出层节点数
   # 1.初始化
   parameters = initialize_parameters(n_x, n_h, n_y)
   # 梯度下降
   for i in range(0, num_iterations):
       # 2.前向传播
       a2, cache = forward_propagation(X, parameters)
       # 3.计算代价函数
       cost = compute_cost(a2, Y, parameters)
       # 4.反向传播
       grads = backward_propagation(parameters, cache, X, Y)
       # 5.更新参数
       parameters = update_parameters(parameters, grads)
       # 每1000次迭代,输出一次代价函数
       if print_cost and i % 1000 == 0:
           print('迭代第%i次,代价函数为: %f' % (i, cost))
   return parameters
if __name__ == "__main__":
   # 读取数据
   data_set = pd.read_csv('iris_training.csv', header=None)
   X = data_set.iloc[:, 0:4].values.T
   Y = data_set.iloc[:, 4:].values.T
   Y = Y.astype('uint8')
   # 训练
   start_time = datetime.datetime.now()
   parameters = nn_model(X, Y, n_h=10, n_input=4, n_output=3,
num_iterations=10000, print_cost=True)
   end_time = datetime.datetime.now()
```

```
print("用时: " + str((end_time - start_time).seconds) + 's' +
str(round((end_time - start_time).microseconds / 1000)) + 'ms')

# 模型评估

data_test = pd.read_csv('iris_test.csv', header=None)

x_test = data_test.iloc[:, 0:4].values.T

y_test = data_test.iloc[:, 4:].values.T

y_test = y_test.astype('uint8')

result = predict(parameters, x_test, y_test)
```