# TareaII\_Parte2

Javier Aos

## Parte 2: Técnicas no supervisadas

#### Lectura y depuración del dataset

```
elec <- readxl::read excel(</pre>
 "G:/My Drive/1.3 Master/Modules/08 Data mining/Datos/DatosEleccionesEspaña.xlsx")
# Ciudades con más de 100000 habitantes
elec_r2<-na.omit(elec[elec$Population >100000 & elec$Population <500000,])</pre>
# Selecciono las numéricas
elec_r<-Filter(is.numeric, elec_r2)[,-1] # Elimino Código de provincia
rownames(elec_r) <- elec_r2$Name
names(elec r[-c(1,2,32)])
names(elec r)<-c(
                                              "Dcha", "Otr", "IzqA", "DechA",
  "Pop", "Cens", "Abs", "AbsA" , "Izda",
"Age4", "Age19", "Age19_65", "Age65", "WomP", "Forei", "SameCom", "SCDifProv", "DifCom", "UnL25", "Un25_40", "UnM40", "AgrU", "IndU", "ConsU", "ServU", "Empr", "Indus",
           "ComHost", "Servi", "inmuebles", "Pob2010",
                                                                  "SUPERFICIE",
"PobChange", "PersInm", "Explot" )
# Elimino las variables de población y dicótomas
elec_r < -elec_r [, -c(1,2,4,8,9,32)]
```

#### Seleccionamos las 10 variables con mayor MSA

```
# Eliminamos las variables que producen un error de colinealidad
x \leftarrow psych::KMO(elec_r[,c(5:12,22:29)])
sort(x$MSAi, decreasing = TRUE)
##
        WomP
                   Age4
                             Const
                                        Indus inmuebles PobChange
                                                                       PersInm
## 0.7915638 0.7878923 0.7698950 0.7611236 0.7556504 0.7199880
                                                                     0.6982107
     ComHost
                  Servi SCDifProv
                                      SameCom
                                                   Age65
                                                              Forei
                                                                         Age19
## 0.6949941 0.6820915 0.6238009 0.6199655 0.5997033 0.5781456 0.5674658
##
   Age19_65 SUPERFICIE
## 0.4250948 0.3905181
```

```
# Seleccionamos las 10 variables con un MSA más alto
elec_r<-elec_r[,c(
   'WomP','Age4','Const','Indus','inmuebles','PobChange','PersInm','ComHost',
   'Servi','SCDifProv')]
elec_r$CCAA<-elec_r2$CCAA
rownames(elec_r)<-elec_r2$Name</pre>
```

## Agregamos valores por CCAA

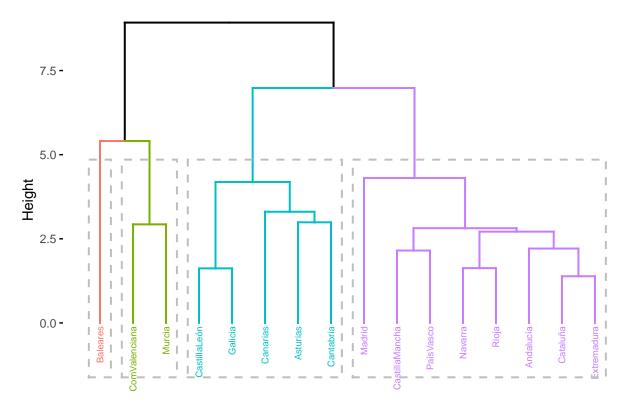
```
ccaa<-aggregate(.~CCAA,elec_r,mean)
rownames(ccaa)<-ccaa$CCAA
ccaa<-ccaa[,-1]</pre>
```

Escalamos datos ya que hay distintas unidades de medida

```
ccaa.sc<-scale(ccaa)
```

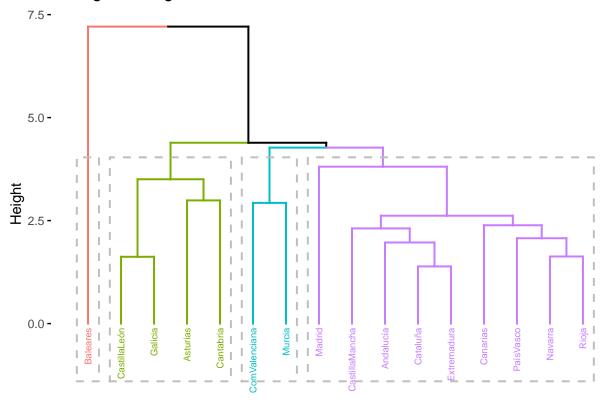
## Exploramos clustering jerárquico con distintos Linkages

# Linkage complete



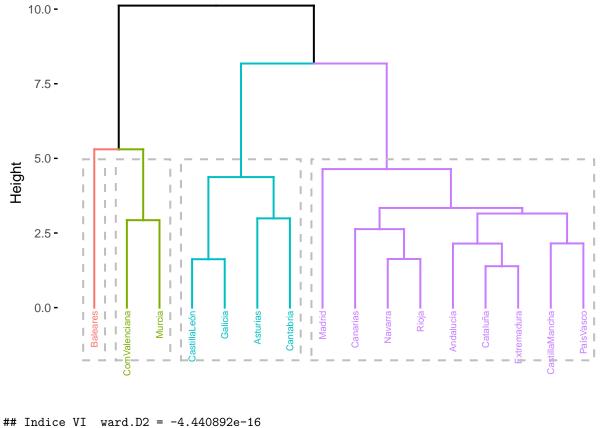
```
## Indice VI complete = 0
## Indice Rand complete = 1
## Silueta media complete = 0.2496225
## Within SS complete = 52.80084
```

## Linkage average



```
## Indice VI average = -4.440892e-16
## Indice Rand average = 1
## Silueta media average = 0.2766576
## Within SS average = 51.31597
```

## Linkage ward.D2



```
## Indice VI ward.D2 = -4.440892e-16

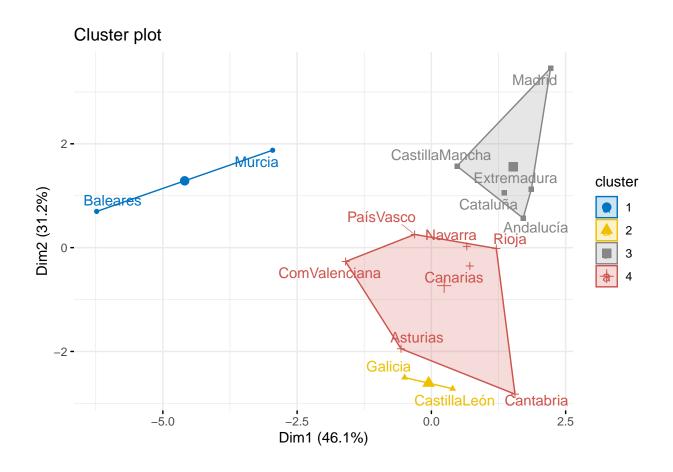
## Indice Rand ward.D2 = 1

## Silueta media ward.D2 = 0.2766576

## Within SS ward.D2 = 51.31597
```

```
names(hclist) <- rownames(val.hc)<-methods</pre>
```

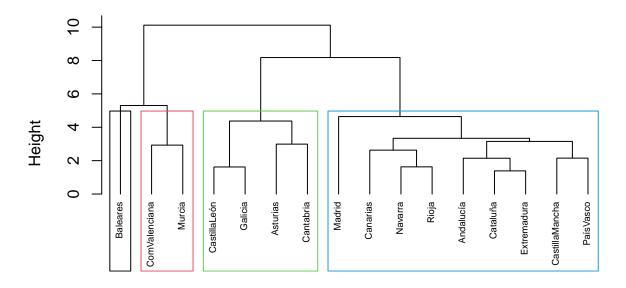
## Exploramos k-means con 4 grupos

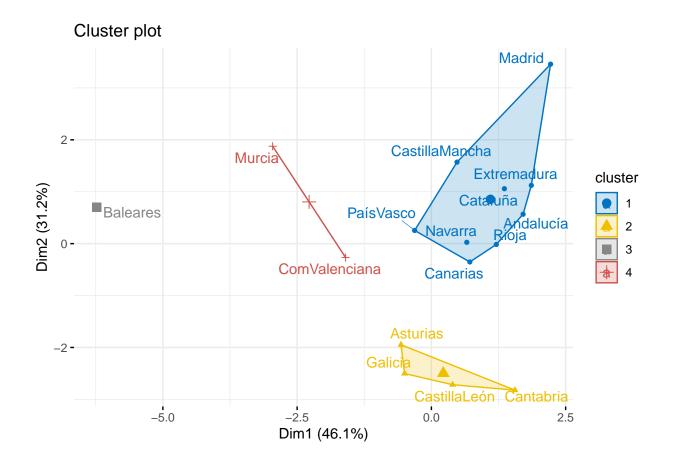


## Intentamos unir fuerzas con método híbrido (hkmeans)

```
hk.out=hkmeans(ccaa.sc,4)
hkmeans_tree(hk.out, cex = 0.6)
```

# **Cluster Dendrogram**





#### Medidas de validación

```
md.km<-medidasVal(ccaa.sc,km.out$cluster,km.out$cluster,'kmeans')</pre>
## Indice VI kmeans = 0
## Indice Rand kmeans = 1
## Silueta media kmeans = 0.2264591
## Within SS kmeans = 53.06853
md.hk<-medidasVal(ccaa.sc,hk.out$cluster,hk.out$cluster,'hkmeans') ## Son iguales</pre>
## Indice VI hkmeans = -4.440892e-16
## Indice Rand hkmeans = 1
## Silueta media hkmeans = 0.2766576
## Within SS hkmeans = 51.31597
ValT<-rbind(val.hc,md.km,md.hk) ## El mismo clustering con varias técnicas
ValT
##
                       vi rand silhouette
## complete 0.000000e+00
                           1 0.2496225 52.80084
## average -4.440892e-16
                             1 0.2766576 51.31597
```

```
## ward.D2 -4.440892e-16 1 0.2766576 51.31597
## md.km 0.000000e+00 1 0.2264591 53.06853
## md.hk -4.440892e-16 1 0.2766576 51.31597
```

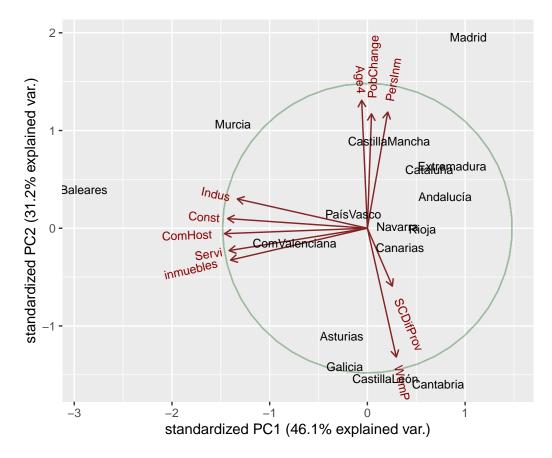
Average, ward.D2 y md.hk tiene exactamente el mismo silhouette y wss.

# Para una mejor interpretabilidad hacemos una reducción por componentes principales

```
pr.out=prcomp(ccaa.sc, scale. = T)
# Varianza explicada
summary(pr.out)$importance[3,2]
```

```
## [1] 0.77311
```

Con la reducción por componentes principales conseguimos explicar un 77.31% de la varianza.



Vemos que el PC1 tiene mucha carga de variables como Indust, Const, ComHost, Servi o Inmuebles. Por lo tanto en el eje horizontal se están clasificando las CCAA según su infraestructura/desarrollo industrial

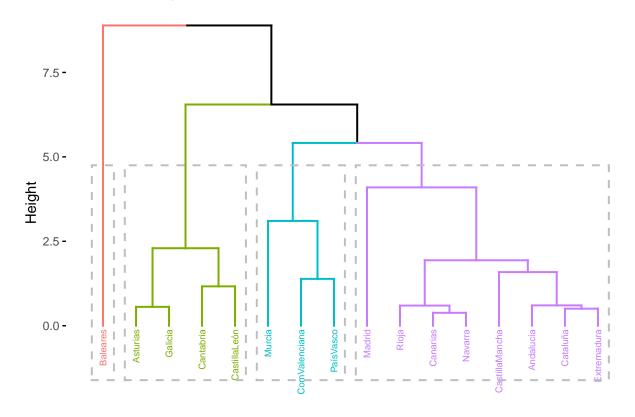
en el momento de la medición (parte izquierda) frente a el no desarrollo industrial (parte derecha). Vemos que por ejemplo, Baleares es un CA con mucho peso industrial, cantidad de inmuebles, hostelería, servicios, construcción etc. Por lo tanto, vemos que podría ser una CA que todavía tiene capacidad de crecimiento en su construcción. En cambio vemos a Madrid situada en la parte derecha, ya que es una CA con mucho desarrollo, quedando "poco espacio" para la construcción de por ejemplo nuevos inmuebles, comercios de hostelería, servicios etc. es decir, es una CA con infraestructura ya establecida.

Si nos fijamos en el PC2 vemos que tiene una gran influecia de variables como Age4, PobChange o PersInm, pudiendo interpretasarse como una natalidad y cambio poblacional alto, frente a la parte de abajo que representa la presencia de gente más mayor y una natalidad más baja con variables como WomP (muy relacionada con gente de edad avanzada debido a la esperanza de vida de las mujeres) o SCDifProv. Vemos ciudad como Cantabria o Casatilla y León con más población mayor, frente a Madrid que presenta una mayor natalidad y cambio poblacional.

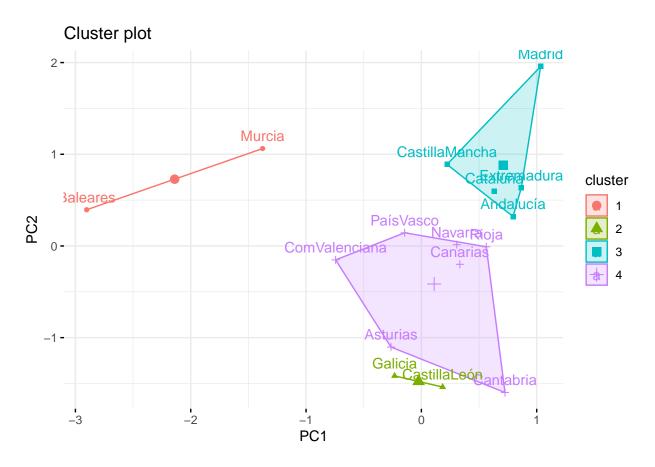
#### Ajustamos el cluster jerárquico a la solución de dos componentes

```
hc.pr=hclust(dist(pr.out$x[ ,1:2]))
fviz_dend(hc.pr,k = 4, cex = 0.5, color_labels_by_k = T, rect = T)+
    ggtitle("Cluster Jerárquico 2 PC")
```

### Cluster Jerárquico 2 PC



```
cl.hc.pr<-cutree(hc.pr, k = 4)
km.out.pr=kmeans(pr.out$x[ ,1:2],4)</pre>
```



#### km.out.pr\$centers

```
## PC1 PC2
## 1 0.1351742 -0.07161157
## 2 1.5249365 1.55501378
## 3 -4.5943728 1.28671378
## 4 0.2220481 -2.49760965
```

#### Medidas de validación

```
md.km<-medidasVal(pr.out$x[ ,1:2],km.out.pr$cluster,km.out.pr$cluster,'kmeans PCA')

## Indice VI kmeans PCA = 0

## Indice Rand kmeans PCA = 1

## Silueta media kmeans PCA = 0.3629683

## Within SS kmeans PCA = 21.45545</pre>
```

```
md.hk<-medidasVal(pr.out$x[ ,1:2],cl.hc.pr,cl.hc.pr,'hclus PCA')

## Indice VI hclus PCA = 0

## Indice Rand hclus PCA = 1

## Silueta media hclus PCA = 0.4100688

## Within SS hclus PCA = 22.50895

ValT<-rbind(md.km,md.hk) ## Un poco mejor el k means
ValT

## vi rand silhouette wss

## md.km 0 1 0.3629683 21.45545</pre>
```

Md.hk funciona algo mejor, aunque no hay mucha diferencia.

1 0.4100688 22.50895

#### Conclusión

## md.hk 0

En conclusión, vemos que el cluester kmedias ha agrupado 4 grupos teniendo el verde (arriba derecha) representado por CCAA con un desarrollo de la insutria y construcción bien establecido y una alta natalidad y cambio poblacional, encontrado CCAA como Madrid o Cataluña. En el grupo rojo (centro) vemos CCAA que se acercan al centro y por tanto serían "neutras" no destacando en ninguna de las variables. En el grupo morado (abajo derecha) vemos CCAA con una buena infraestructura pero una población predominante envejecida, encontrado algunas Cantabria o Castilla y León. Por último en el grupo azul (izquierda) vemos CCAA que aún tienen una gran capacidad de mejora en su infraestructura como baleares o Murcia.