

# **EXAMEN PARCIAL PYTHON**

GBI6-2021II: BIOINFORMÁTICA

Apellidos, Nombres <--- CAMBIE POR LOS QUE CORRESPONDA A SUS DATOS

03-08-2022

Jaon-Rone Carda

Color de texto

# REQUERIMIENTOS PARA EL EXAMEN

Utilice de preferencia Jupyter de Anaconda, dado que tienen que hacer un control de cambios en cada pregunta.

Para este examen se requiere dos documentos:

- 1. Archivo miningscience.py donde tendrá dos funciones:
- 2. Archivo 2022I\_GBI6\_ExamenPython donde se llamará las funciones y se obtendrá resultados.

### Ejercicio 0 [0.5 puntos]

Realice cambios al cuaderno de jupyter:

- Agregue el logo de la Universidad
- Coloque sus datos personales
- Escriba una tabla con las características de su computador

#### Ejercicio 1 [2 puntos]

Cree el archivo miningscience.py con las siguientes dos funciones:

- i. download\_pubmed : para descargar la data de PubMed utilizando el ENTREZ de Biopython. El parámetro de entrada para la función es el /keyword.
- ii. science\_plots : la función debe
  - utilizar como argumento de entrada la data descargada por download\_pubmed data bear o parder. BOU M
  - ordenar los conteos de autores por país en orden ascedente y
  - seleccionar los cinco más abundantes. Con esta selección debe graficar un pie\_plot . Como guía para el conteo por países puede usar el ejemplo de MapOfScience (https://github.com/CSBbook/CSB/blob/master/regex/solutions/MapOfScience\_solution.ipynb).

iii Cree un docstring para cada función.

localhost:8888/notabooks/GDrive/IKIAM/CLASES/2022I/2022I\_GBI6/2022I\_GBI6\_Examen\_Python/2022I\_GBI6G01\_ExamenPython.ipynb

8/5/22 1 23 PM 20221\_GB|6G01\_Examera\_force

Luego de crear las funciones, cargue el módulo miningscience como msc e imprima docstring de ca función.

```
In [1]:
```

```
# Escriba aqui su código para el ejercicio 1
 import miningscience as msc.
 help consc. downloand - pubmed).
help (rec science-plost).
```

### Ejercicio 2 [2 puntos]

Utilice dos veces la función download pubmed para

- Descargar la data, utilizando los keyword de su preferencia.
- Guardar el archivo descargado en la carpeta data

Para cada corrida, imprima lo siguiente:

'El número articulos para KEYWORD es: XX' # Que se carque con inserción de texto o valor que correspondea KEYWORD y XX

```
In [2]:
```

```
# Escriba aqui su codigo para el ejercicio 2
 import os
import re.
a = msc. downloand - pubmed ("cancer").
b = len (a)
print (" " "b")
with open ( dato / coner. +xt. w) ast +xt.
txt. write (a).
```

# Ejercicio 3 [1.5 puntos]

Utilice dos veces la función science\_plots para:

- Visualizar un pie\_plot para cada data descargada en el ejercicio 2.
- Guardar los pie\_plot en la carpeta img

[4]:

\* Escriba aqui su código para el ejercicio 3

import matplotlib pyplot as ptt

import numpy as np.

y = np. anoy ([, ])

plt pie (y)

ptt show().

# Ejercicio 4 [1 punto]

Interprete los resultados de las figuras del ejercicio 3

Escriba la respuesta del ejercicio 5.

### Ejercicio 5 [2 puntos]

Para algún gen de las enzimas que intervienen en la ruta metabolica de la gluconeogenesis (<u>Lista de genes por tipología (https://www.genome.jp/pathway/map00010+C00068</u>)), realice lo siguiente:

- 1. Una búsqueda en la página del NCBI nucleotide (https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide/).
- 2. Descargue el Accession List de su búsqueda y guarde en la carpeta data .
- Cargue el Accession List en este notebook y haga una descarga de las secuencias de los quince primeros IDs de la accesión.
- 4. Arme un árbol filogenético para los resultados del paso 3.
- 5. Guarde su arbol filogénetico en la carpeta img
- 6. Interprete el árbol del paso 4.

5.4.2.2

1 9 11 .3

8/5/22, 1 23 PM

In [3]:

# Escriba aqui su código para el ejercicio 6

Escriba aqui la interpretación del arbol

### Ejercicio 6 [1 punto]

- 1 Cree en GitHub un repositorio de nombre 6816\_ExamenPython.
- 2. Cree un archivo Readme, nd que debe tener lo siguiente:
- · Datos personales
- · Características del computador
- Versión de Python/Anaconda y de cada uno de los módulos/paquetes y utilizados
- · Explicación de la data utilizada
- Un diagrama de procesos del módulo miningscience
- Asegurarse que su repositorio tiene las carpetas data e img con los archivos que ha ido guardando en las preguntas anteriores.
- Realice al menos 1 control de la versión (commits) por cada ejercicio (del 1 al 5), con un mensaje que inicie como:

Carlitos Alimaña ha realizado el ejercicio 1 Carlitos Alimaña ha realizado el ejercicio 2

In [ ]:

## GBI6 – BIOINFORMÁTICA [2022I] Examen Final [Python]



):

Nombre [Apellido, Nombre]:

Construya las funciones del módulo miningscience.py

def download\_pubmed( Yequical

en pubmed mediente palebies class.

busq = Entrez real Centrez escich (db = pobmed"

teim = Kayword

Usehistory = "y"

webeny = busq E'webenu?

query - Key = busq E'Querykey")

hand = Enticz . etct-ch (db = pubmed

rettype = medline

retmode = text"

wistert = 0

retmox = 543, - webon = webeny query - key = query - key)

do la = handle . reade)

do la = handle . reade)

do la = handle . reade)

return do to exp.