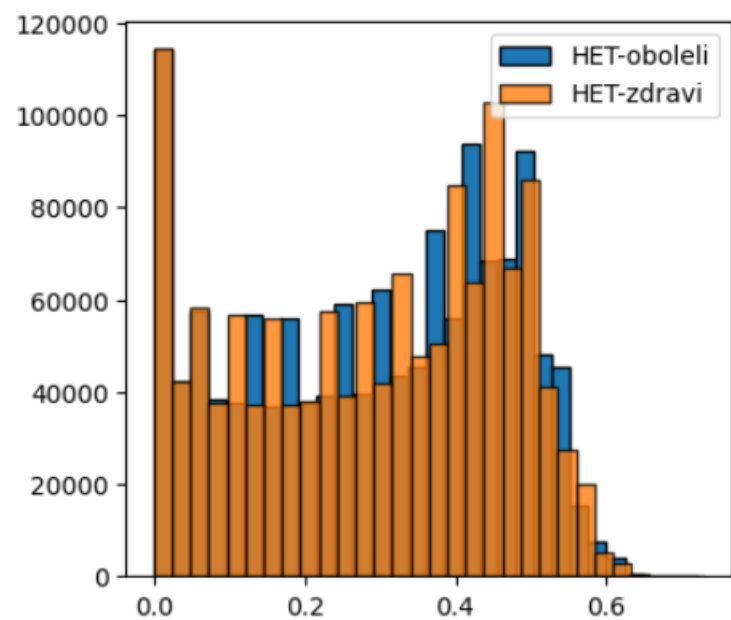
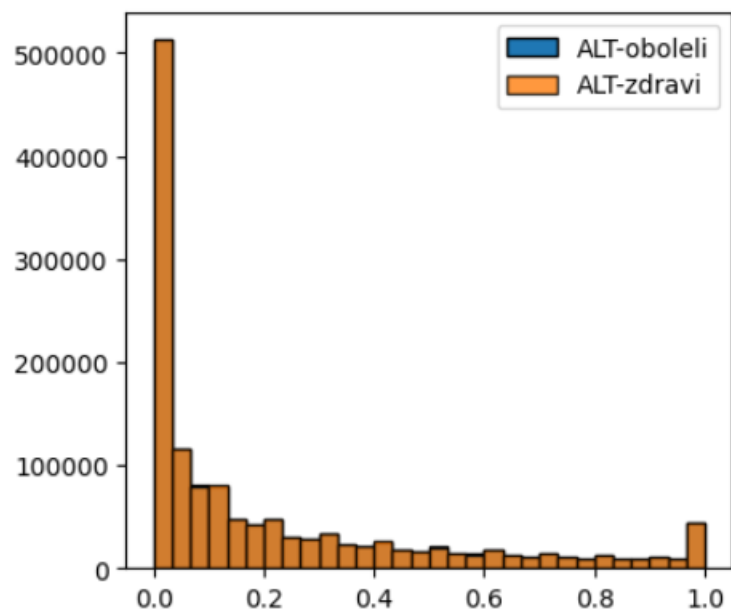


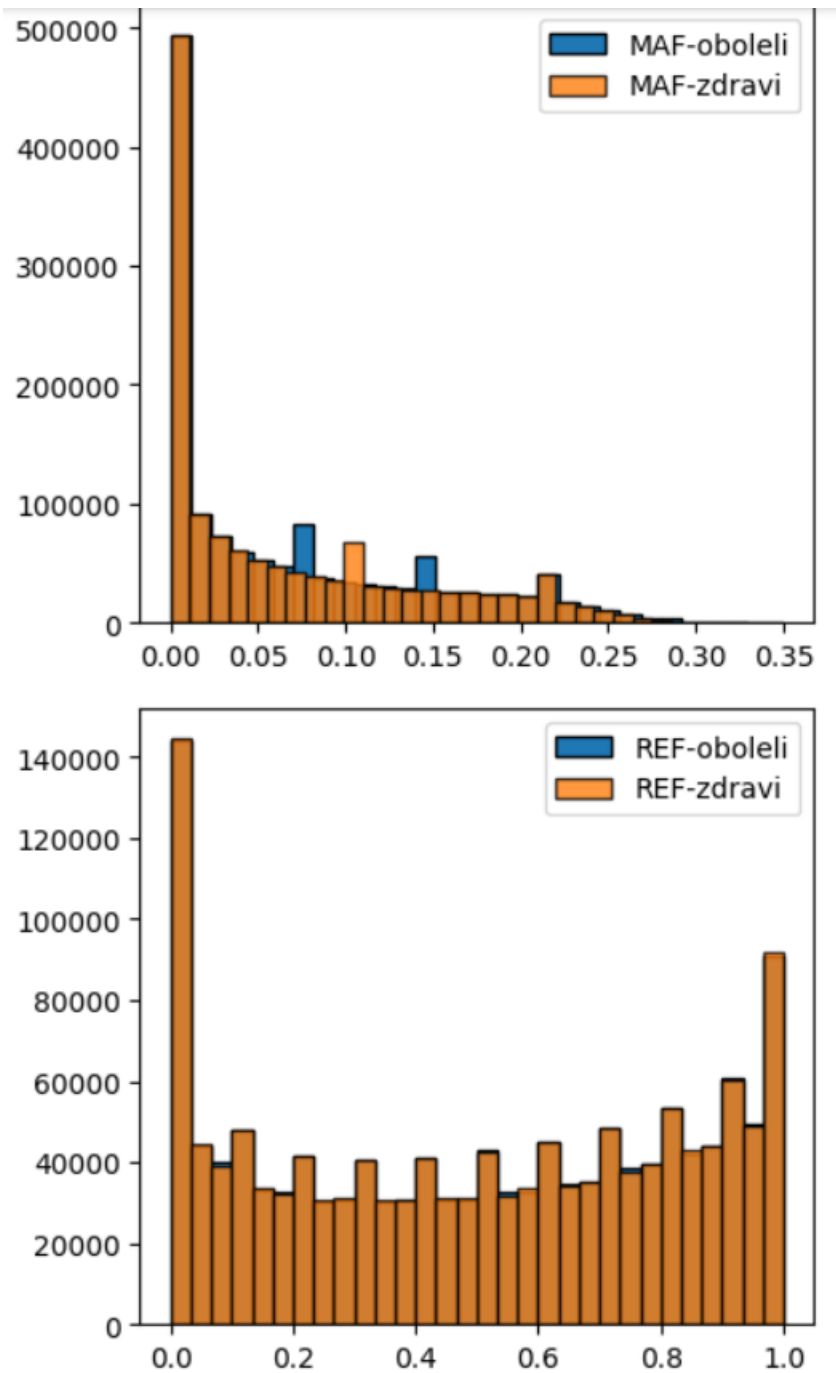
IZVEŠTAJ ZA PRVI PROJEKAT IZ UVODA U BIOINFORMATIKU

1. U studiji je ukupno učestvovalo 200 subjekata, od kojih je 100 bilo zdravo a 100 bolesno
2. U populaciji je ukupno posmatrano 1340823 mutacija.

Tabela sa rasporedom mutacija po hromozomima

1	102842
2	114870
3	92888
4	85336
5	86532
6	95476
7	74002
8	76756
9	65374
10	72903
11	67554
12	66884
13	56428
14	44790
15	38680
16	37576
17	30975
18	41882
19	19172
20	33382
21	18402
22	17819





4b. Potrebno je izvršiti korekciju zato što u eksperimentu postoji više od 1300000 mutacija (hipoteza). Koriscena korekcija je Bonferoni (pomerimo granicnu vrednost na t/N , tj. $0.05/\text{broj mutacija}$)