

```

prof_url <-
"http://www.profepa.gob.mx/innovaportal/file/7635/1/accionesInspeccionfoanp.csv"
profepa <- read.csv(prof_url, encoding = "latin1")
head (profepa)

summary(profepa)

mean(profepa$Inspección)

ins <- subset(profepa, profepa$Inspección >= mean(profepa$Inspección))

bajo <- subset(profepa, profepa$Inspección <= mean(profepa$Inspección))

cero <- subset(profepa, profepa$Inspección == 0)
todos <- subset(profepa, profepa$Inspección != 0)

# # descargas de datos seguros -----

library(repmis)
conjunto <- source_data("https://www.dropbox.com/s/hmsf07bbayxv6m3/cuadro1.csv?dl=1")
conjunto$Especie <- as.factor(conjunto$Especie)
conjunto$Clase <- as.factor(conjunto$Clase)
summary(conjunto)

boxplot(conjunto$Diametro ~ conjunto$Especie)

SpFH <- subset(conjunto, conjunto$Especie != "C")
tapply(SpFH$Diametro, SpFH$Especie, mean)

boxplot(SpFH$Diametro ~ SpFH$Especie,
        xlab = "Especies",
        ylab = "Diametro",
        col = "indianred")

# # Normalidad de datos -----

shapiro.test(SpFH$Diametro)

# # Homogeneidad de varianzas -----

bartlett.test(SpFH$Diametro, SpFH$Especie)

# # Prueba de T independientes -----

t.test(SpFH$Diametro ~ SpFH$Especie, var.equal = TRUE)

# # Prueba de t de una muestra -----

t.test(conjunto$Diametro, mu = 16.4)

prod <- read.csv("produc.csv", header = T)

boxplot(prod$Kgsem ~ prod$Tiempo)
t.test(prod$Kgsem ~ prod$Tiempo, paired = T)

```