



영상처리

9 주차 보고서

컴퓨터융합학부

202102699 정민경



1. 과제 설명

함수이름	get_threshold_by_within_variance ()
코드설명	<p>이 함수는 “within-class variance” 방법으로 최적의 threshold 를 구하는 함수이다. 구현 방법은 이론자료에 있는 수식으로 구현했다.</p> <p>Within-class variance 방법은 2개의 class 로 나눠서 class 1, 2 각각의 q, m(평균), v(분산) 을 구한 후 최종적으로 $w_v = q_1 * v_1 + q_2 * v_2$ 로 구한 within-class variance 의 최솟값을 찾는 argmin 함수를 사용해 최적의 threshold 를 구해주었다.</p> <p>이 때 구현방법에서 신경써야 할 부분은 class 1 같은 경우 0부터 k 까지의 값이므로 for l in range ($k+1$ (또는 1, $k+1$)) 로 구현하면 되지만, class 2 같은 경우는 $k+1$ 부터 size 만큼까지 구해야 하므로 for l in range (size - 2, -1, -1) 로 구현해서 size - 2 부터 0까지 돌며 그 안의 이중 for문으로 $k+1$ 까지만 구할 수 있도록 구현해야한다.</p>
이미지	<pre> 6 def get_threshold_by_within_variance(intensity, p): 7 8 """ 9 :param intensity: pixel 값 0 ~ 255 범위를 갖는 배열 10 :param p: 상대도수 값 (이론자료 수식에서의 p와 동일) 11 :return: k: 최적의 threshold 값 12 """ 13 14 ##### 15 # TODO 16 # TODO otsu_method 완성 17 # TODO 1. within-class variance를 이용한 방법 18 # TODO 교수님 이론 PPT 22 page 참고 (수식을 이용해서 구현) 19 ##### 20 21 size = len(p) # 256 22 q1 = np.zeros(size) # 전체에서의 비율 (이론자료에서의 q와 동일) p.shape == 256 23 q2 = np.zeros(size) # 전체에서의 비율 (이론자료에서의 q와 동일) p.shape == 256 24 m1 = np.zeros(size) # 평균 (m) 25 m2 = np.zeros(size) # 평균 (m) 26 v1 = np.zeros(size) # 분산 (sigma^2) 27 v2 = np.zeros(size) # 분산 (sigma^2) 28 w_v = np.zeros(size) # within-class variance 29 30 # q1, q2 구하기 31 q1[0] = p[0] 32 q2[0] = 1 - q1[0] 33 for i in range(1, size): 34 q1[i] = q1[i-1] + p[i] 35 q2[i] = 1 - q1[i] </pre>

```

37     # m1, m2 구하기
38     m1[0] = 0
39     for i in range(1, size):
40         temp = 0
41         for j in range(i+1):
42             temp += (intensity[j] * p[j])
43         if (q1[i] == 0):
44             continue
45         else:
46             m1[i] = temp / q1[i]
47
48     # m2 초기화
49     if (q2[size-1] == 0):
50         m2[size-1] = 0
51     else:
52         m2[size-1] = (intensity[size-1] * p[size-1]) / q2[size-1]
53
54     for i in range(size-2, -1, -1): # size-2 부터 0까지 -1씩 줄여나가며 for 문 진행
55         temp = 0
56         for j in range(size-2, i, -1):
57             temp += (intensity[j] * p[j])
58         if (q2[i] == 0):
59             continue
60         else:
61             m2[i] = temp / q2[i]
62
63     # v1, v2 구하기
64     v1[0] = 0
65     for i in range(1, size):
66         temp = 0
67         for j in range(i+1):
68             temp += (((intensity[j] - m1[i]) ** 2) * p[j])
69         if (q1[i] == 0):
70             continue
71         else:
72             v1[i] = temp / q1[i]
73
74     # v2 초기화
75     if (q2[size-1] == 0):
76         v2[size-1] = 0
77     else:
78         v2[size-1] = (((intensity[size-1] - m1[size-1]) ** 2) * p[size-1]) / q2[size-1]
79
80     for i in range(size-2, -1, -1): # size-2 부터 0까지 -1씩 줄여나가며 for 문 진행
81         temp = 0
82         for j in range(size-2, i, -1):
83             temp += (((intensity[j] - m2[i]) ** 2) * p[j])
84         if (q2[i] == 0):
85             continue
86         else:
87             v2[i] = temp / q2[i]
88
89     # within-class variance 계산
90     for k in range(size):
91         w_v[k] = (q1[k] * v1[k]) + (q2[k] * v2[k])
92
93     k = np.argmin(w_v)
94     return k

```

함수이름	get_threshold_by_inter_variance ()
코드설명	<p>이 함수는 “between-class variance” 방법으로 최적의 threshold 를 구하는 함수이다. 구현 수식은 이론자료의 moving average를 참고해서 구현했다.</p> <p>Between-class variance 를 구현할 때 구해야하는 값은 $q1, m1, m2$(평균) 이다. 그 이유는 $q2 = 1 - q1$ 이고, between-class variance가 $q1 * q2 * ((m1 - m2)^2)$로 정의되기 때문에 inter-class variance 방식에서는 분산이 필요가 없는 것이다.</p> <p>$q1, m1, m2$ 을 구할때는 이론자료 수식을 참고해서 이전 값에서 변한만큼 추가 or 삭제를 해주는 방식으로 구해주었다.</p> <p>그 후 between-class variance 를 위에서 언급한 수식으로 정의해주고, 이 between-class variance 의 최댓값이 inter-class variance 방식에서의 최적의 threshold 이므로 argmax 함수를 사용해서 threshold 를 구해주었다.</p>
이미지	<pre> 111 p += 1e-7 # q1과 q2가 0일때 나눗셈을 진행할 경우 오류를 막기 위함 112 113 # print(p) 114 size = len(p) 115 q1 = np.zeros(size) 116 m1 = np.zeros(size) 117 m2 = np.zeros(size) # 평균 (m) 118 b_s = np.zeros(size) # between-class variance 119 q1[0] = p[0] 120 m1[0] = 0 121 122 # m2 초깃값 설정 123 temp = 0 124 for i in range(size): 125 temp += i * p[i] 126 m2[0] = temp / (1 - q1[0]) 127 128 for k in range(1, size): 129 q1[k] = q1[k-1] + p[k] 130 m1[k] = ((q1[k-1] * m1[k-1]) + (k * p[k])) / q1[k] 131 m2[k] = (((1 - q1[k - 1]) * m2[k - 1]) - (k * p[k])) / (1 - q1[k]) 132 133 for k in range(size): 134 b_s[k] = q1[k] * (1 - q1[k]) * ((m1[k] - m2[k]) ** 2) 135 136 k = np.argmax(b_s) 137 138 # print("k: ", k) 139 return k </pre>

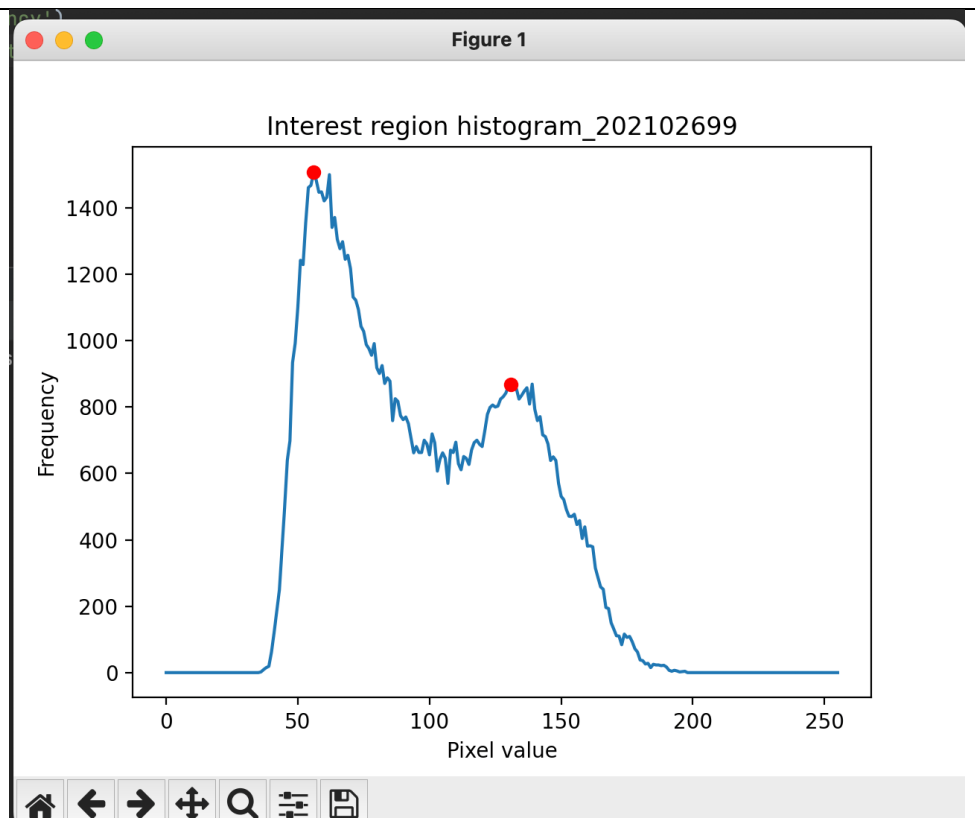
함수이름	get_hist ()
코드설명	<p>이 함수는 mask 를 적용한 histogram 을 반환하는 함수이다.</p> <p>mask 의 값이 0인 경우, 우리는 그 값에 관심이 없으므로 픽셀의 빈도수를 세지 않는다. 즉 0으로 값을 넣어준다. (이 과정을 처음에 반환할 hist 배열을 만들 때 zero 로 만들어주었으므로 continue 로 구현해주었다.)</p> <p>mask 의 값이 0 이 아닌 경우, 우리는 이 값에 관심이 있으므로 src[row][col] 의 값을 index 로 넣어주어 반환할 hist 의 값을 1 추가시켜주도록 함수를 구현하였다. (src[row][col] 을 index 로 생각하는 이유는 hist 는 각각의 픽셀이 나오는 빈도를 저장하고있는 배열이기 때문이다)</p>
이미지	<pre> 141 def get_hist(src, mask): 142 143 """ 144 :param src: gray scale 이미지 145 :param mask: masking을 하기 위한 값 146 :return: 147 """ 148 149 ##### 150 # TODO mask를 적용한 히스토그램 완성 151 # TODO mask 값이 0인 영역은 픽셀의 빈도수를 세지 않음 152 # TODO histogram을 생성해 주는 내장함수 사용금지. np.histogram, cv2.calcHist 153 ##### 154 hist = np.zeros((256,)) 155 156 h, w = src.shape 157 # print(h) 432 158 # print(w) 512 159 160 # count = 0 161 # ??? 162 for row in range(h): 163 for col in range(w): 164 if (mask[row][col] == 0): 165 continue 166 else: 167 hist[src[row][col]] = hist[src[row][col]] + 1 168 # count += 1 169 170 # print("count : ", count) 171 return hist </pre>

함수이름	threshold ()
코드설명	이 함수는 mask 값이 0이 아니면서 src의 값이 0 ~ threshold 사이의 값이라면 반환할 dst라는 배열의 값을 255로 설정하고, 이 이외의 값이라면 0으로 설정해 반환하는 함수이다. (threshold 적용)
이미지	<pre> 173 def threshold(src, threshold, mask): 174 """ 175 :param src: gray scale 이미지 176 :param threshold: threshold 값 177 :param mask: masking을 하기 위한 값 178 :return: 179 """ 180 181 ##### 182 # TODO threshold 값을 이용한 이미지 값 채우기 183 # TODO 0 < src <= threshold 이면 255로 채움 184 # TODO mask의 값이 0인 좌표에 대해서는 값을 0으로 채움 185 # TODO 이외의 영역은 모두 0으로 채움 186 # TODO cv2.threshold 사용금지 187 ##### 188 189 h, w = src.shape 190 dst = np.zeros((h, w), dtype=np.uint8) 191 192 # ??? 193 for row in range(h): 194 for col in range(w): 195 if (mask[row][col] != 0): 196 # 0 < src <= threshold 인 경우 197 if(0 < src[row][col] and src[row][col] <= threshold): 198 dst[row][col] = 255 199 else: # mask 의 값이 0 인 경우 200 dst[row][col] = 0 201 202 return dst </pre>

함수이름	otsu_method ()
코드설명	<p>이 함수에서는 상대도수 p 를 구하는 수식과, 그래프에서 두개의 peak 좌표에 점을 찍는 함수를 완성시키는 함수이다.</p> <p>먼저 상대도수 p 를 구하는 방법은 hist 를 masking 이 된 hist 에서 전체 픽셀로 나누는 값이다. np.sum(hist) 로 나눠준다면 전체 이미지 사이즈에 대한 상대도수이므로 안되고, 우리가 masking 을 진행했기 때문에 0이 아닌 값 즉, 우리가 관심있는 값의 pixel 수로 나눠줘야 masking 이 진행된 이미지 사이즈에 대한 상대도수를 구할 수 있다.</p> <p>두번째로 그래프에서 두개의 peak 좌표에 점을 찍는 함수에서는 x, y 축의 위치를 순서대로 넣어주면 완성된다. 우리가 위에서 구한 threshold 를 기준으로 왼쪽에서 가장 큰 값, 오른쪽에서 가장 큰 값의 x,y 좌표를 구하면 된다.</p> <p>내가 구현한 방식은, np.argmax 함수를 사용해서 hist[0 ~ threshold] 까지의 값 중 가장 큰 값의 Index 를 구해주었고, 이 값을 hist 의 index 로 넣어주게 되면 y 축의 좌표도 구할 수 있게 된다.</p> <p>두번째 좌표 역시 이와 같은 방법으로 진행하게 되면 구할 수 있는데 이때 np.argmax 함수의 인자는 0~ threshold 범위가 아닌 threshold 를 기준으로 오른쪽에서 max 값을 찾아야 하기 때문에 threshold ~ 끝까지의 범위로 탐색해서 구현해주었다.</p>
이미지	<pre> 225 ##### 226 # TODO 상대도수 p 구하기 227 # TODO 교수님 이론 PPT 17 page -> p_{i}에 해당 228 ##### 229 p = hist / np.sum(hist[np.nonzero(hist)[0]]) # p = hist / 103397 230 247 ##### 248 # TODO Bimodal histogram 완성 249 # TODO 2개의 peak에 해당하는 픽셀 값에 점 찍기 250 # TODO 보고서에 결과 이미지 첨부 251 ##### 252 # Bi-modal Distribution 253 plt.plot(intensity, hist) 254 plt.plot(np.argmax(hist[:k1]), hist[np.argmax(hist[:k1])], color='red', marker='o', markersize=6) 255 plt.plot(np.argmax(hist[k1:]) + k1, hist[np.argmax(hist[k1:]) + k1], color='red', marker='o', markersize=6) </pre>

2. 결과 이미지

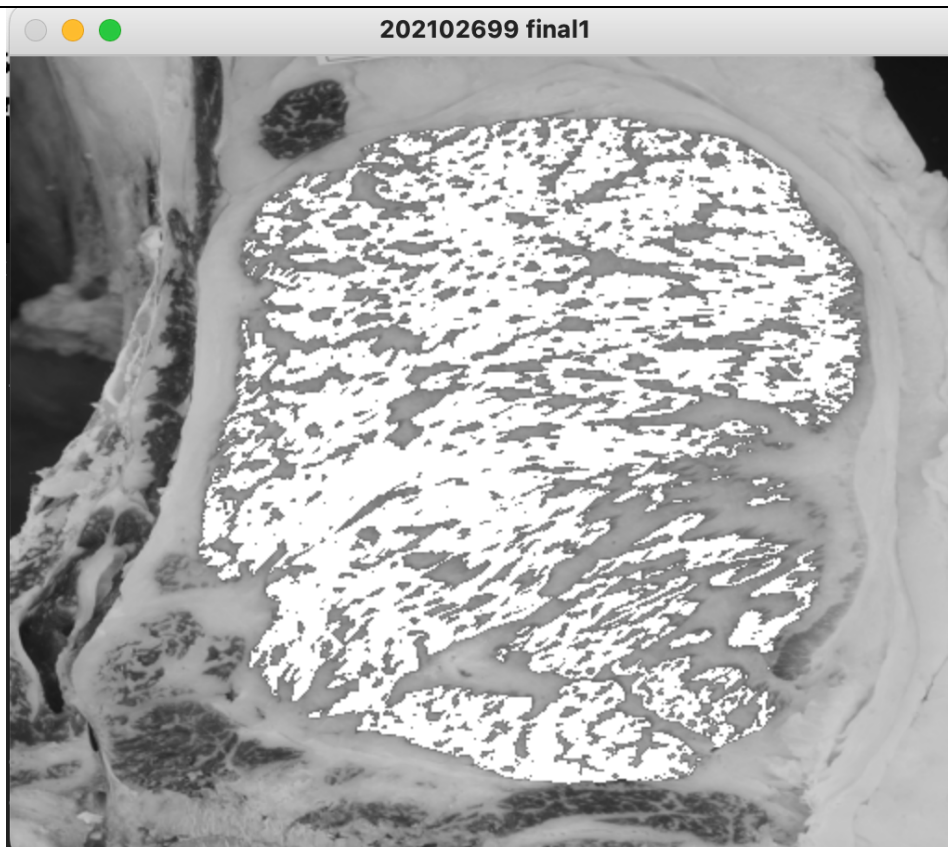
Histogram
에서 2개의
peak 좌표에
점 찍기



Within-
class-
variance
dst



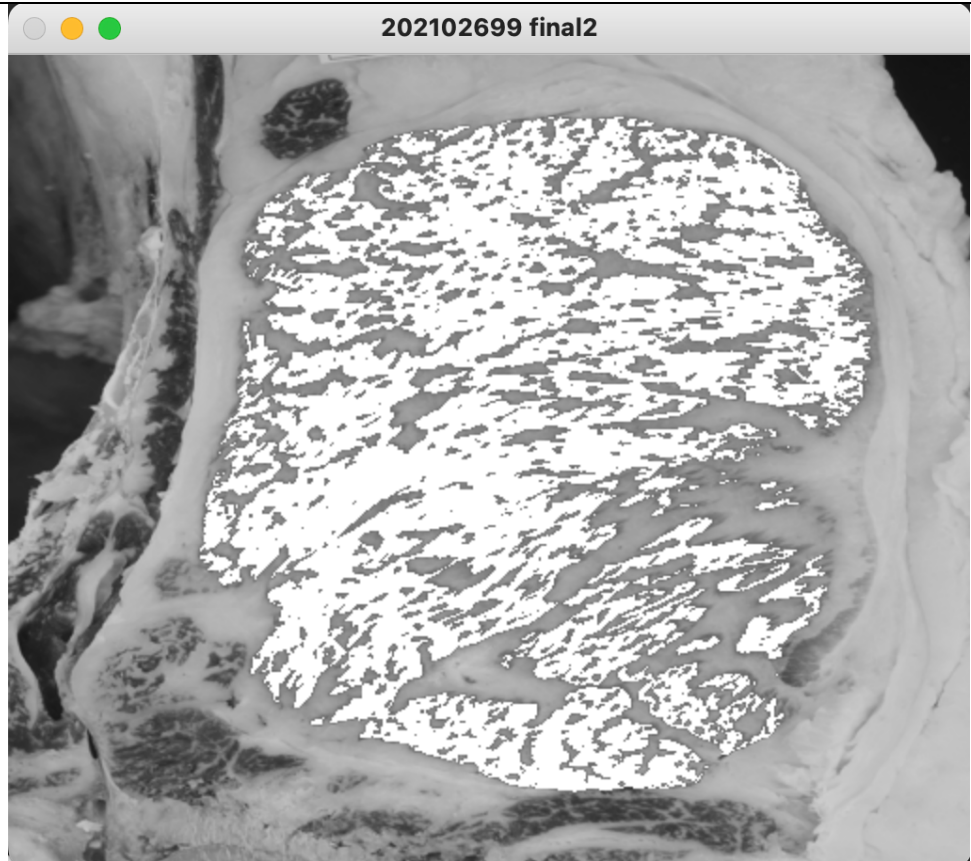
Final image
1



Inter-class
variance
dst



Final image
2



구현 비교 결과

2가지 방식 결과 비교 : True

Process finished with exit code 0