

Sprawozdanie nr 2

Obliczenia ewolucyjne

Projekt 1 – implementacja chromosomu rzeczywistego

Zespół: Dariusz Kotula, Jeremiasz Macura, Konrad Makselan

1. Informacje o wykorzystywanych technologiach do wykonania projektu

Projekt nr 2 zdecydowaliśmy się wykonać w postaci aplikacji internetowych. Część serwerowa jest odpowiedzialna za całą logikę algorytmu genetycznego i została napisana w języku Python z użyciem frameworka Django. Graficzny interfejs użytkownika oparliśmy na frameworku React.js i języku JavaScript. GUI pozwala na ustawienie wszystkich parametrów, z którymi algorytm wykonuje swoje działania, przy pomocy formularza. Zarówno aplikacja backendowa jak i frontendowa zostały skonteneryzowane przy pomocy narzędzia Docker. Biblioteki, które wykorzystaliśmy w celu napisania tych aplikacji, znajdują się w pliku requirements.txt oraz client/package.json.

2. Wymagania środowiska do uruchomienia aplikacji

Aplikację można uruchomić na dwa sposoby. Pierwszym zalecanym sposobem jest stworzenie i uruchomienie kontenera poprzez wykonanie komendy “docker-compose up” w głównym katalogu. W celu skorzystania z tej opcji musimy posiadać zainstalowane i uruchomione narzędzie Docker na naszej maszynie hostowej. Zaletą tego rozwiązania jest między innymi to, że nie musimy się przejmować o żadne pozostałe zależności wymagane w celu uruchomienia aplikacji i wszystko dzieje się w sposób automatyczny.

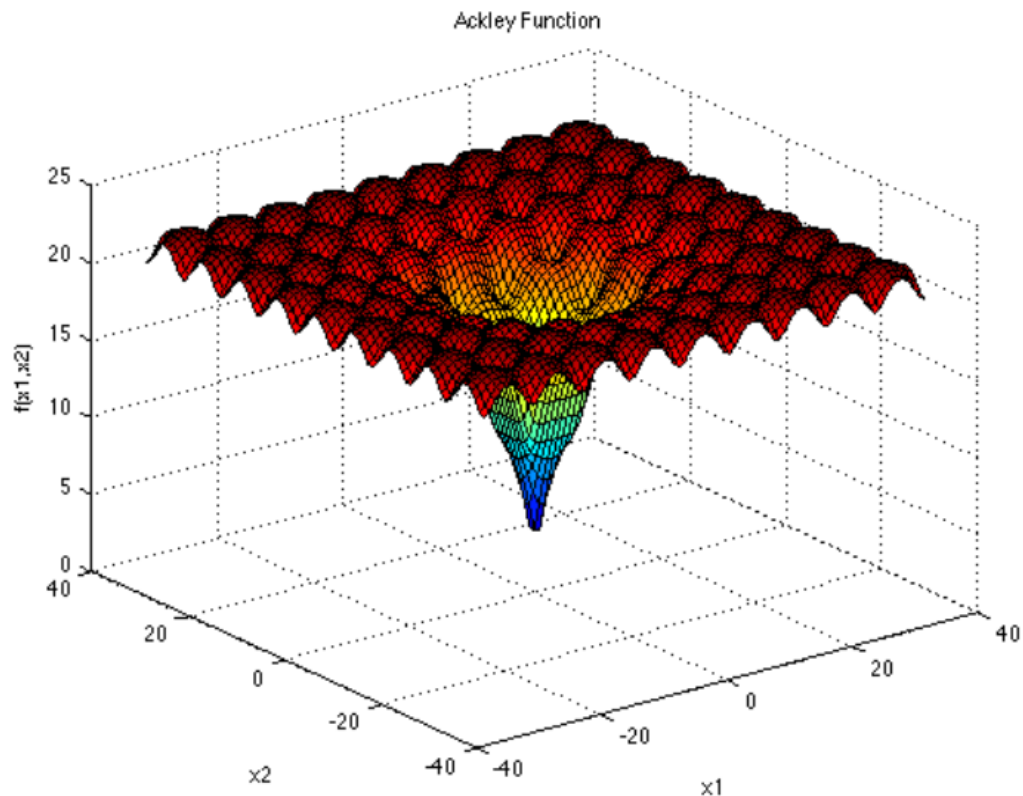
Drugim sposobem uruchomienia aplikacji jest zainstalowanie jej wszystkich zależności z wykorzystaniem dwóch komend i wcześniejszą instalacją Pythona oraz Node.js na naszej maszynie hostowej. Na poziomie pliku requirements.txt wykonujemy polecenie “python -m pip install -r requirements.txt”. Spowoduje to zainstalowanie następujących zależności: Django w wersji 4.0.3, numpy w wersji 1.22.3, django-cors-headers w wersji 3.11.0, matplotlib w wersji 3.5.1, pandas w wersji 1.4.2, openpyxl w wersji 3.0.9. Następnie musimy zainstalować zależności dla części frontendowej. Przechodzimy do katalogu klienta i wykonujemy polecenie “npm install”.

Dzięki powyższym wskazaniom będziemy w stanie uruchomić aplikację zarówno kliencką jak i serwerową, na której znajduje się logika naszego algorytmu. Serwer uruchamiamy poleceniem “python -m manage runserver 8000” z poziomu pliku manage.py. Klient jest uruchamiany poleceniem “npm start” z poziomu folderu /client.

3. Wykresy zależności wartości funkcji celu, średniej wartości funkcji celu oraz odchylenia standardowego w kolejnej iteracji i porównanie osiągniętych wyników przy różnych konfiguracjach algorytmu wraz z czasem obliczeń

Wybrana przez nas funkcja celu to Ackley function w przypadku dwuwymiarowym.

1. ACKLEY FUNCTION



$$f(\mathbf{x}) = -a \exp \left(-b \sqrt{\frac{1}{d} \sum_{i=1}^d x_i^2} \right) - \exp \left(\frac{1}{d} \sum_{i=1}^d \cos(cx_i) \right) + a + \exp(1)$$

Parametry tej funkcji wynoszą: $a = 20$, $b = 0.2$, $c = 2\pi$, $d = 2$

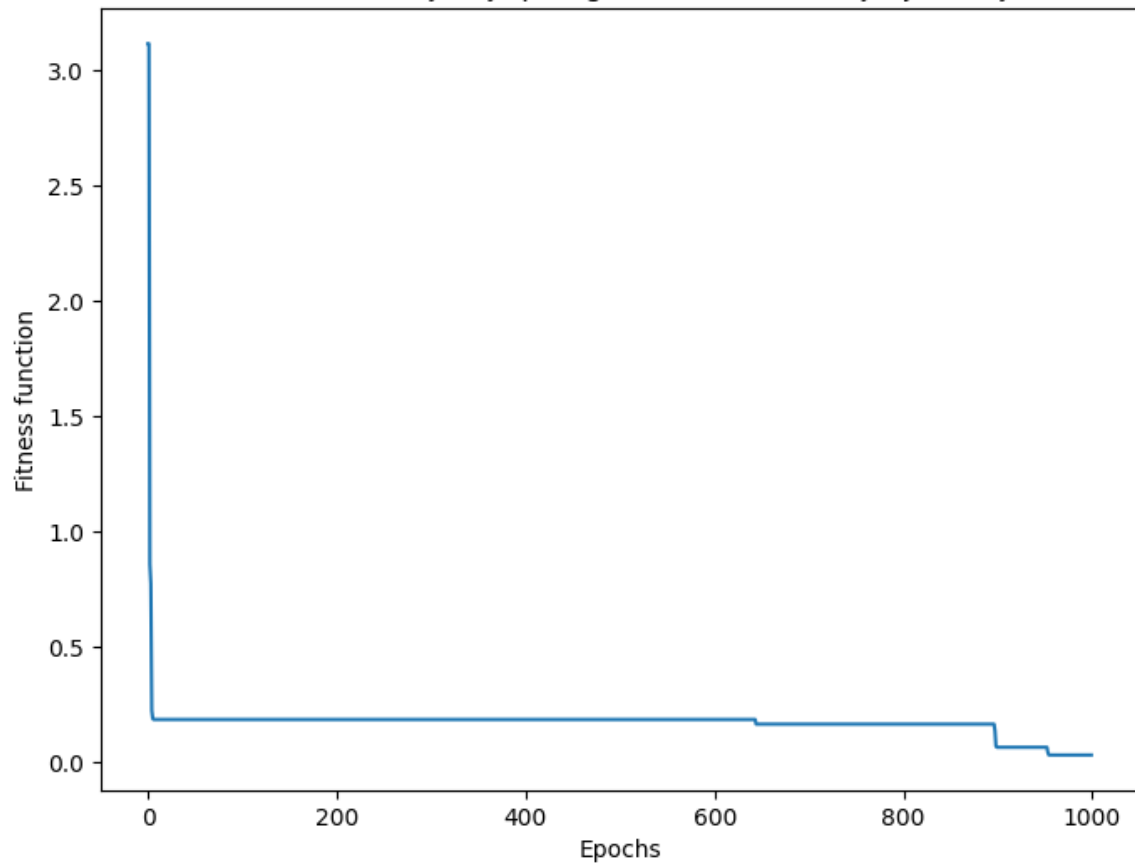
Dla każdego testu podane zostały:

- parametry wejściowe,
- funkcja przedstawiająca wartość funkcji celu najlepszego osobnika w kolejnych epokach,
- funkcja przedstawiająca wartość średnią funkcji celu wszystkich osobników w kolejnych epokach
- funkcja przedstawiająca odchylenie standardowe funkcji celu wszystkich osobników w kolejnych epokach
- informację o powodzeniu algorytmu wraz z czasem potrzebnym na obliczenia.

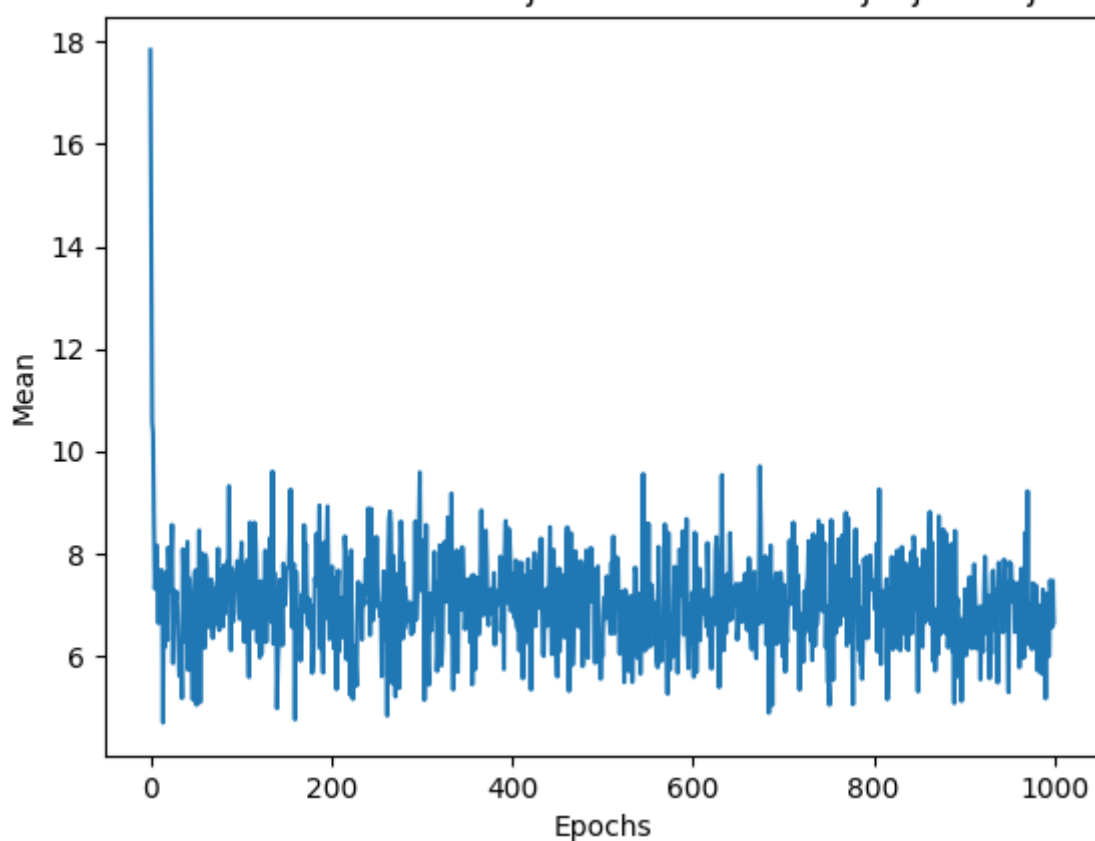
a) Test nr 1

Number of population	Elitist Strategy Percent
<input type="text" value="100"/>	<input type="text" value="0.1"/>
Epochs	Size of Tournament
<input type="text" value="1000"/>	<input type="text" value="4"/>
Cross probability	Selection Name
<input type="text" value="0.6"/>	<input type="text" value="Tournament"/>
Mutation probability	Crossover Name
<input type="text" value="0.4"/>	<input type="text" value="Arithmetic"/>
Selection percent	Mutation Name
<input type="text" value="0.6"/>	<input type="text" value="Uniform"/>

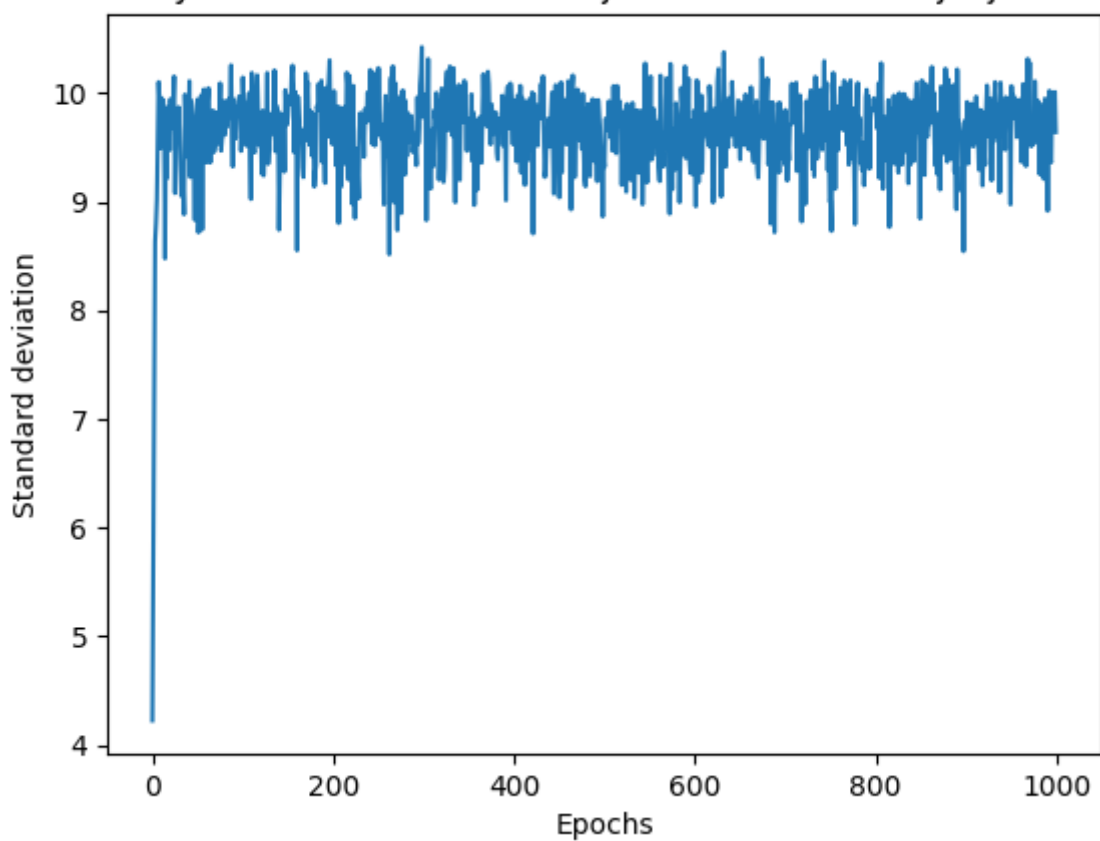
Wartości funkcji najlepszego osobnika od kolejnej iteracji



Średnia wartość funkcji osobników od kolejnej iteracji



Odchylenie standardowe funkcji osobników od kolejnej iteracji



Status: OK

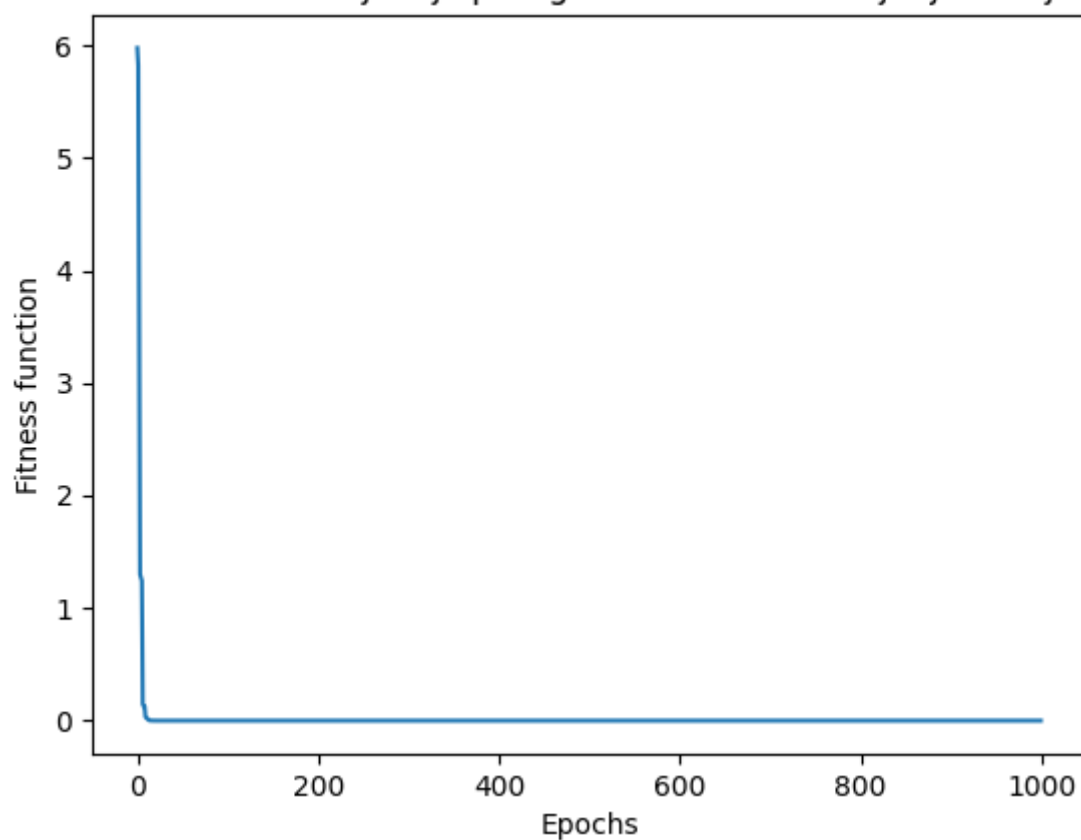
Execution time: 5.6750030517578125 s

Test został przeprowadzony dla populacji liczącej 100 osobników. Każdy z nich posiada po dwa chromosomy (jeden chromosom na jeden wymiar). Algorytm składał się elitarnej strategii (10%), selekcji turniejowej (60% + rozmiar turnieju 4), krzyżowania arytmetycznego (60%), mutacji jednorodnej (40%). Algorytm trwał 1000 epok. Na początku funkcja dopasowania najlepszego osobnika wynosiła około 3, ale bardzo szybko został on zastąpiony przez osobnika o wartości funkcji dopasowania 0,2. W okolicach 600, 900 i 950 epoki algorytm, aby ostatecznie funkcja przystosowania przybliżyła się do 0. Czas wykonania algorytmu wynosi 5,68 sekundy. W następnym teście została zmieniona metoda selekcji.

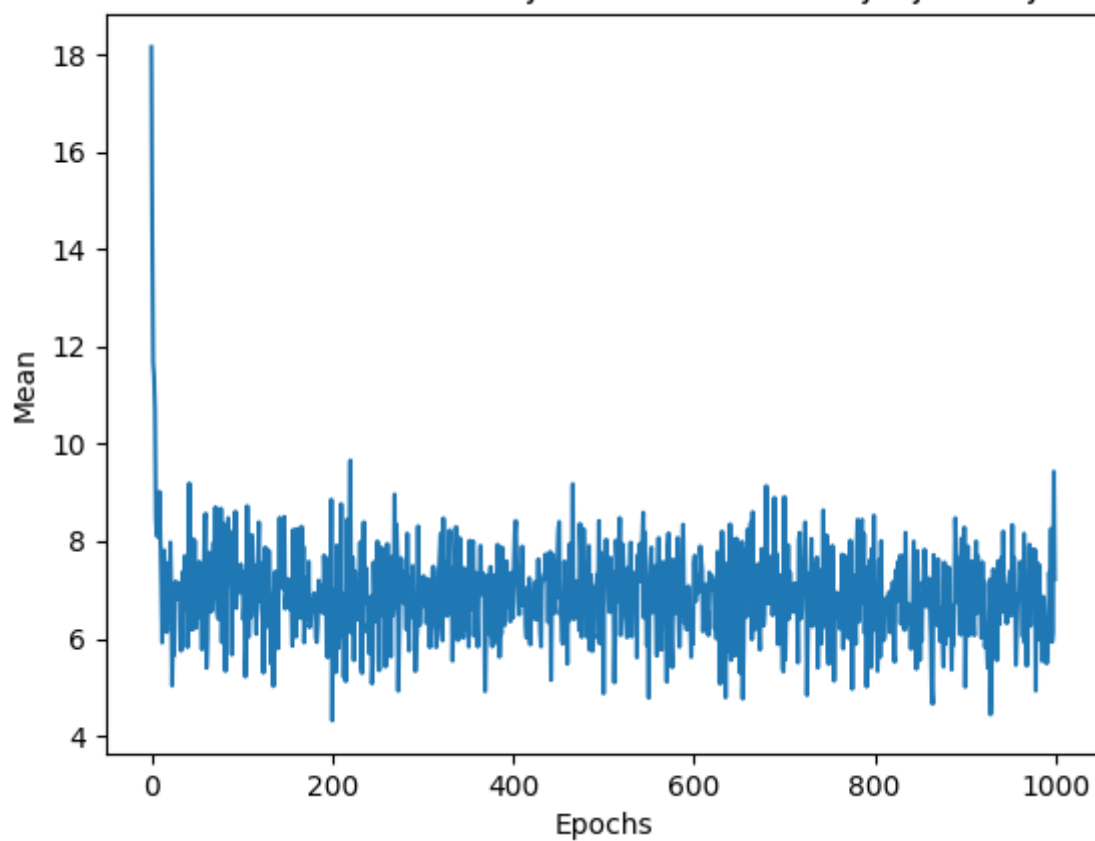
b) Test nr 2

Number of population	Elitist Strategy Percent
100	0.1
Epochs	Size of Tournament
1000	4
Cross probability	Selection Name
0.6	Best ▼
Mutation probability	Crossover Name
0.4	Arithmetic ▼
Selection percent	Mutation Name
0.6	Uniform ▼

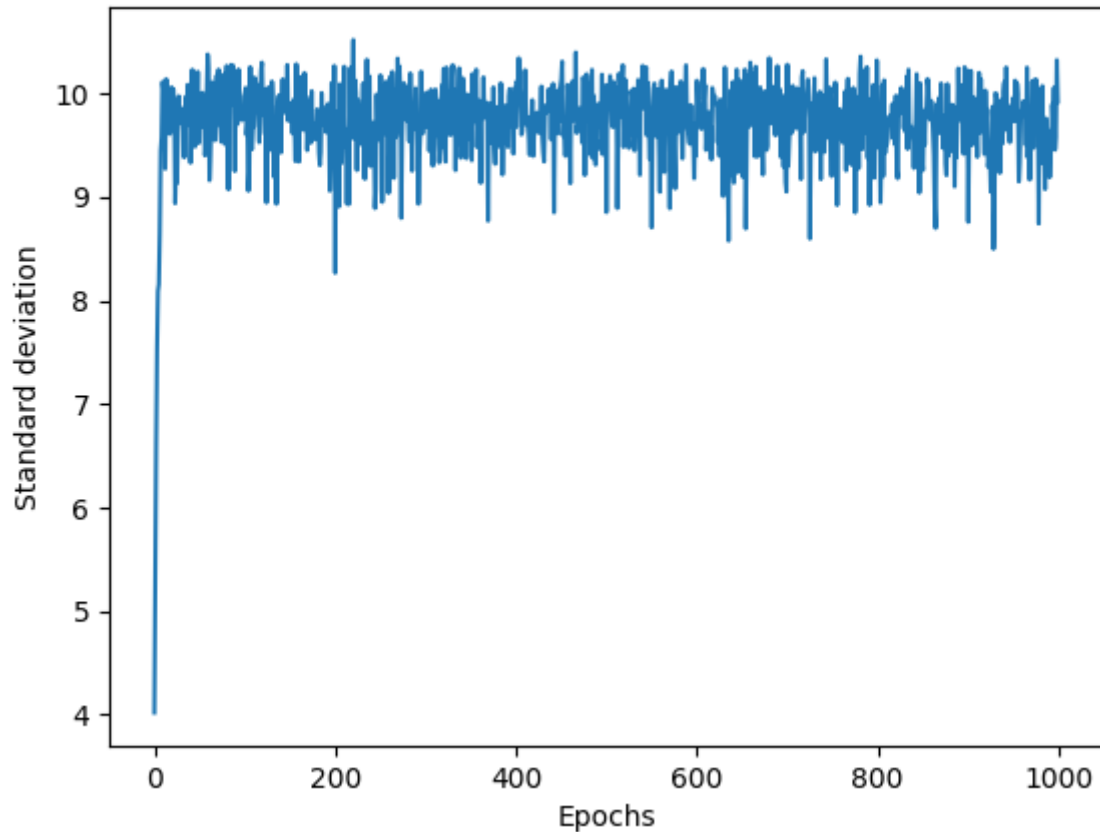
Wartości funkcji najlepszego osobnika od kolejnej iteracji



Średnia wartość funkcji osobników od kolejnej iteracji



Odchylenie standardowe funkcji osobników od kolejnej iteracji



Status: OK

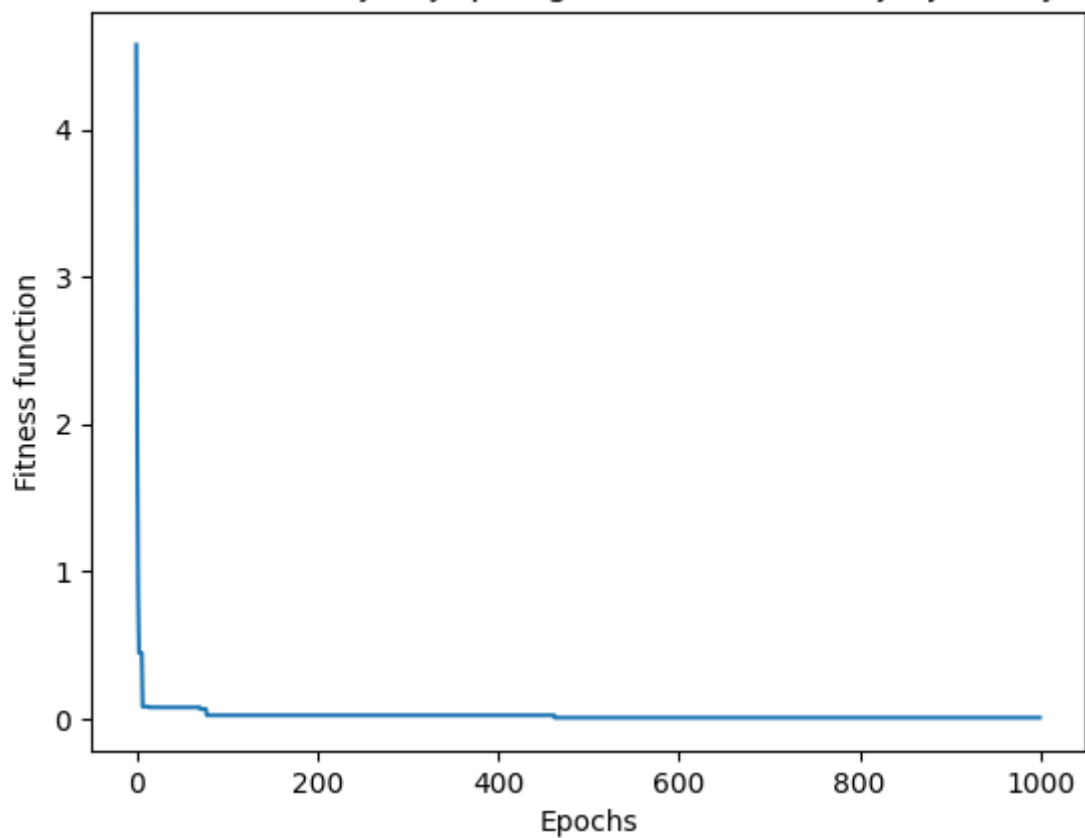
Execution time: 3.148015022277832 s

Parametry wejściowe testu nr 2 były prawie identyczne jak testu nr 1. Została zmieniona metoda selekcji z turniejowej na selekcję najlepszych. Metoda okazała się w tym teście bardziej efektywna na początku oraz szybsza - spadek z 5,68 sekundy do 3,15 sekundy. 1000 epok wydaje się zbyt dużym okresem, jeżeli weźmiemy pod uwagę liczbę zdarzeń, jakie mają miejsce. W związku z tym w następnym teście użyta zostanie mutacja Gaussa, dzięki której powinniśmy widzieć spadku w wartości funkcji celu w przeciągu trwania działania algorytmu..

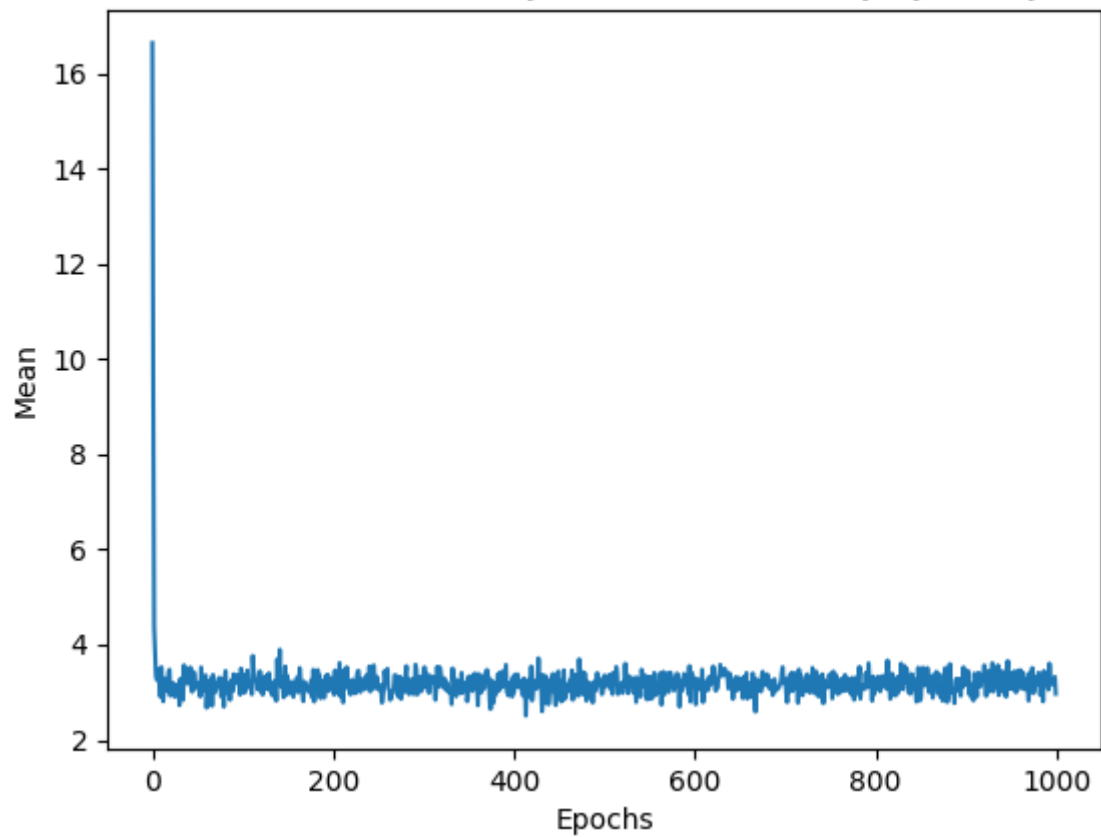
c) Test nr 3

Number of population	Elitist Strategy Percent
<input type="text" value="100"/>	<input type="text" value="0.1"/>
Epochs	Size of Tournament
<input type="text" value="1000"/>	<input type="text" value="4"/>
Cross probability	Selection Name
<input type="text" value="0.2"/>	<input type="text" value="Roulette"/>
Mutation probability	Crossover Name
<input type="text" value="0.8"/>	<input type="text" value="Linear"/>
Selection percent	Mutation Name
<input type="text" value="0.6"/>	<input type="text" value="Gauss"/>

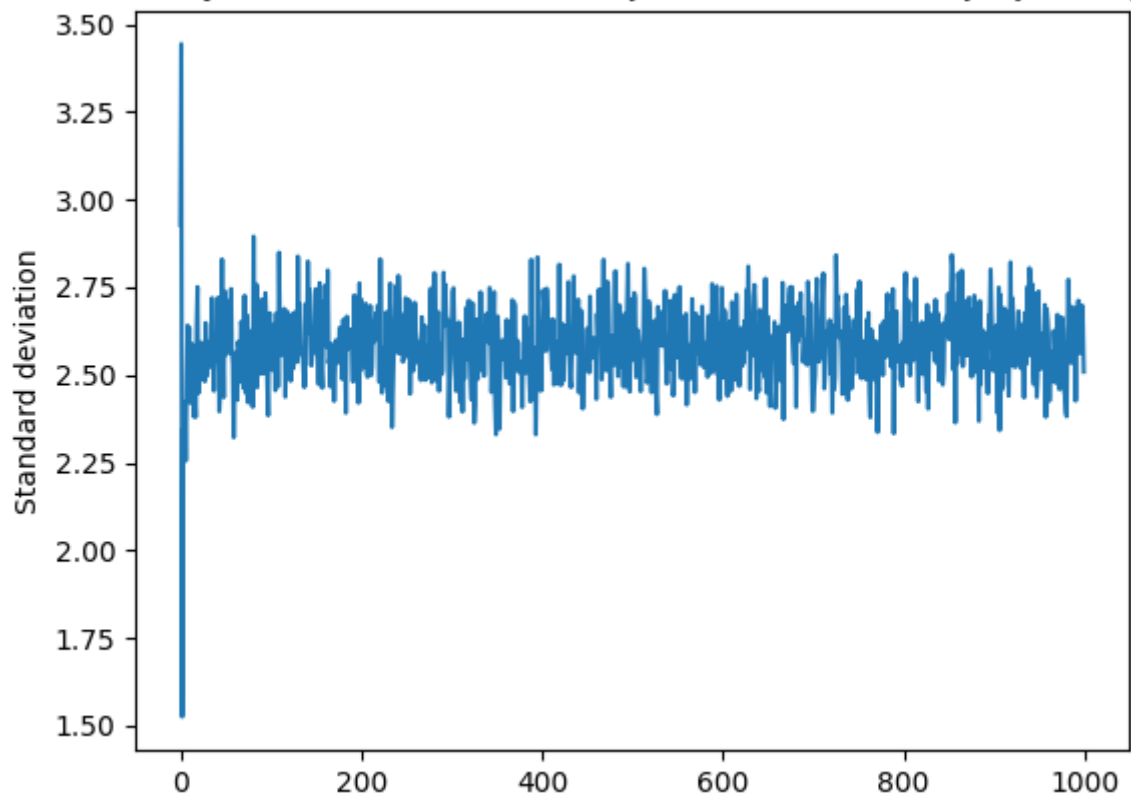
Wartości funkcji najlepszego osobnika od kolejnej iteracji



Średnia wartość funkcji osobników od kolejnej iteracji



Odchylenie standardowe funkcji osobników od kolejnej iteracji



Status: OK

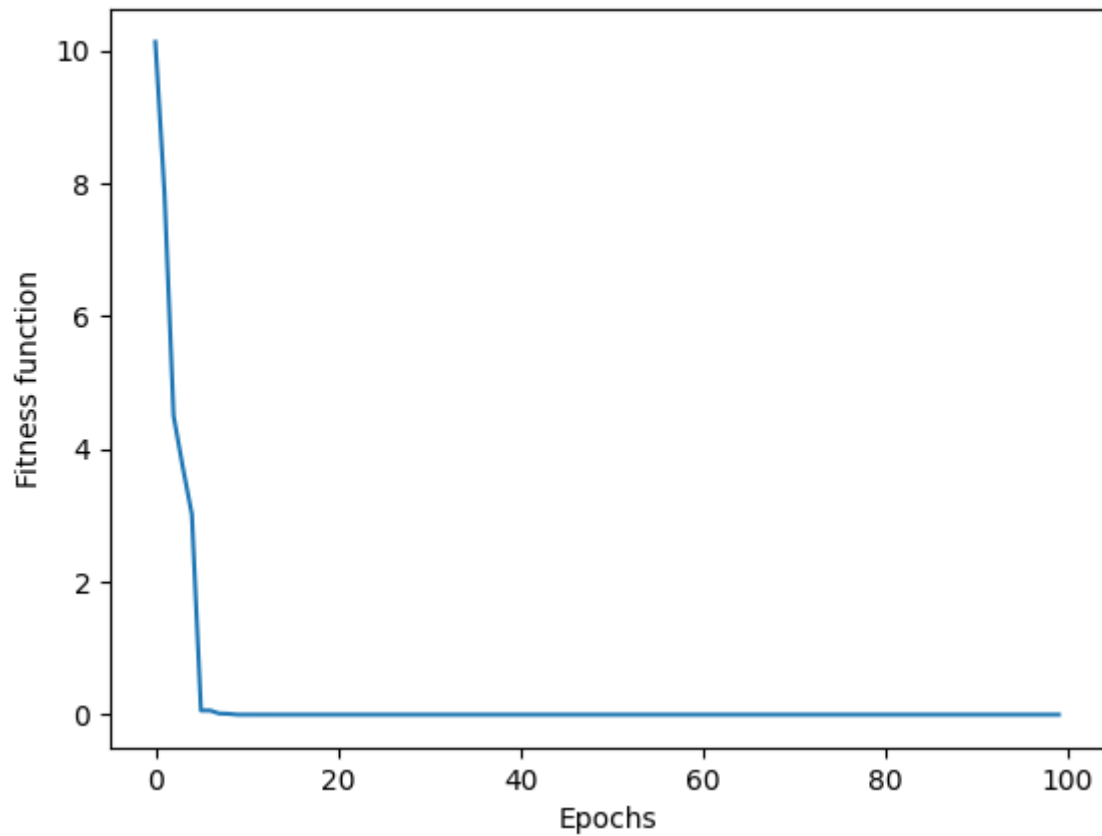
Execution time: 3.7180025577545166 s

Głównym celem tej epoki jest sprawdzenie jak poradzi sobie algorytm, który przede wszystkim będzie przeprowadzał mutacje (80%), niż krzyżowania (20%). Tym razem algorytm korzysta z selekcji ruletki, krzyżowania liniowego i mutacji Gaussa. Wyniki wyszły dobre. Na wykresie można zauważyć niskie schodki, które zostały osiągnięte z użyciem odpowiedniej mutacji. Teraz sprawdzimy zachowanie algorytmu dla krzyżowania (100%) bez mutacji i inwersji.

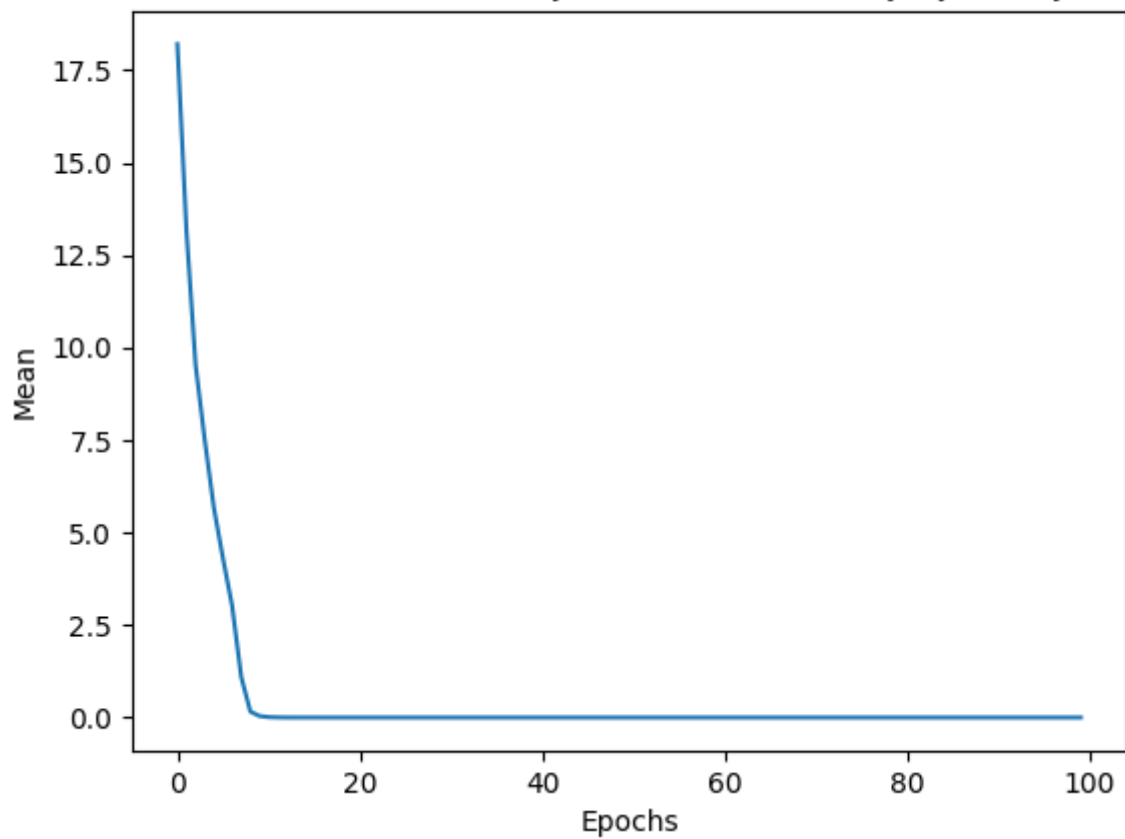
d) Test nr 4

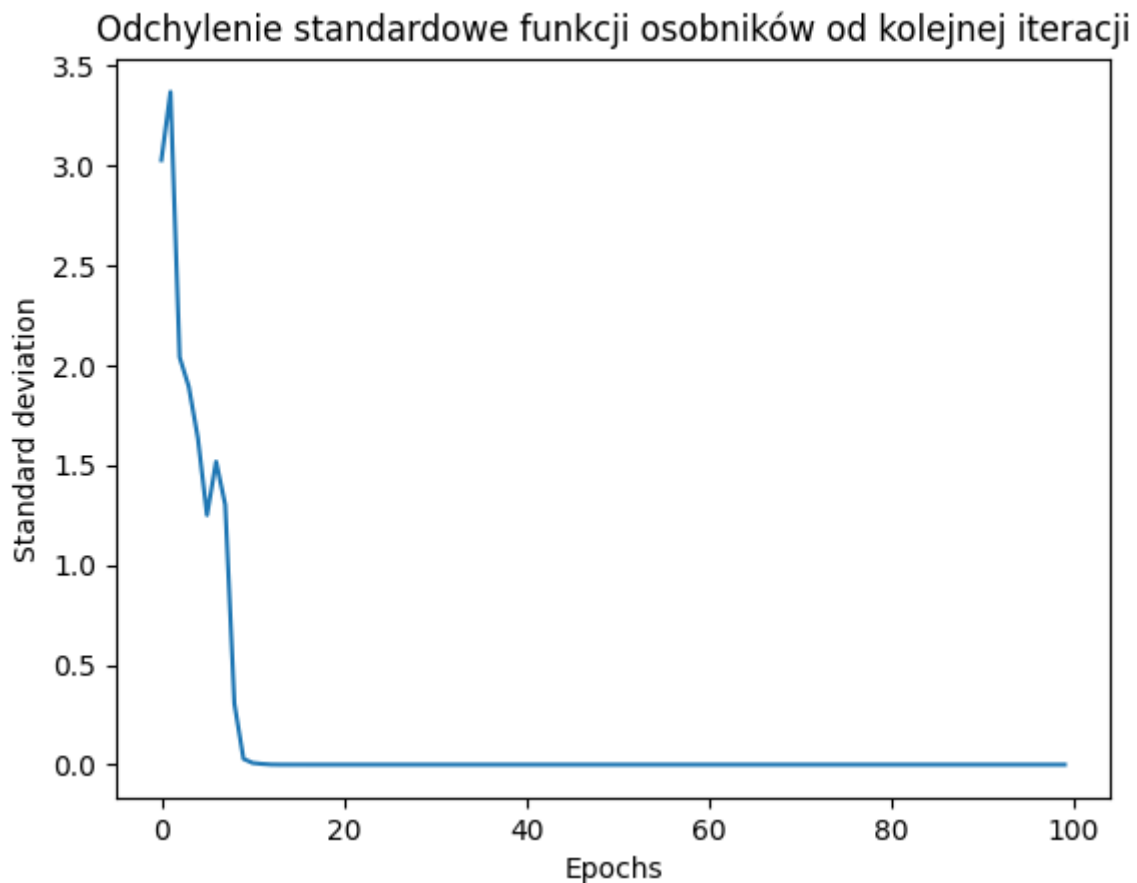
Number of population	Elitist Strategy Percent
100	0.1
Epochs	Size of Tournament
100	4
Cross probability	Selection Name
1	Tournament ▼
Mutation probability	Crossover Name
0	Blend alpha-beta ▼
Selection percent	Mutation Name
0.6	Gauss ▼

Wartości funkcji najlepszego osobnika od kolejnej iteracji



Średnia wartość funkcji osobników od kolejnej iteracji





Status: OK

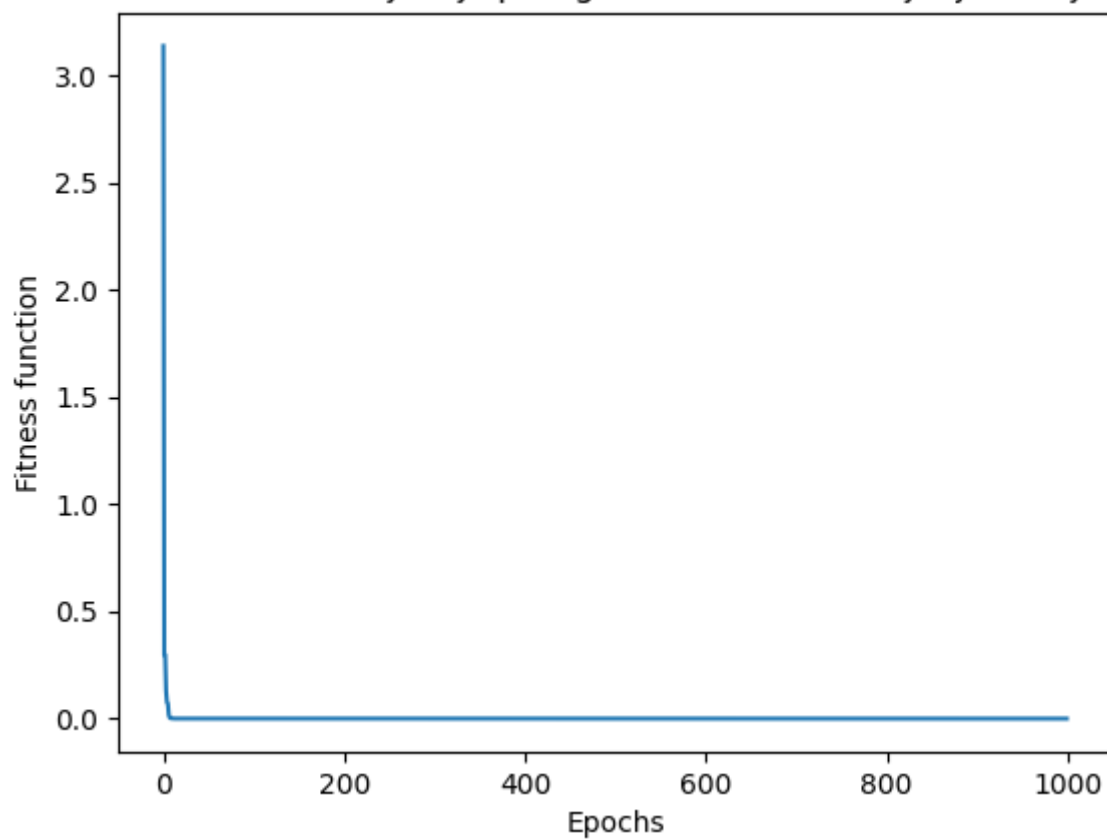
Execution time: 0.5559976100921631 s

W algorytmie tym zostało użyte krzyżowanie mieszane alfa-beta (100%). Prawdopodobieństwo mutacji wynosi 0%. Wyniki wyszły zaskakująco dobrze, w kolejnych pięciu epokach wykres wartości funkcji najlepszego osobnika od kolejnej iteracji znacząco zbliżył się do zera. Osobniki krzyżowały się z samymi sobą, przez co w następnych epokach nie było żadnego progresu. W pierwszej epoce wartość funkcji celu dla najlepszego osobnika wynosiła 10, gdy w ostatniej epoce była to wartość bliska 0. W ostatnim teście spróbujemy uzyskać najlepszy wynik.

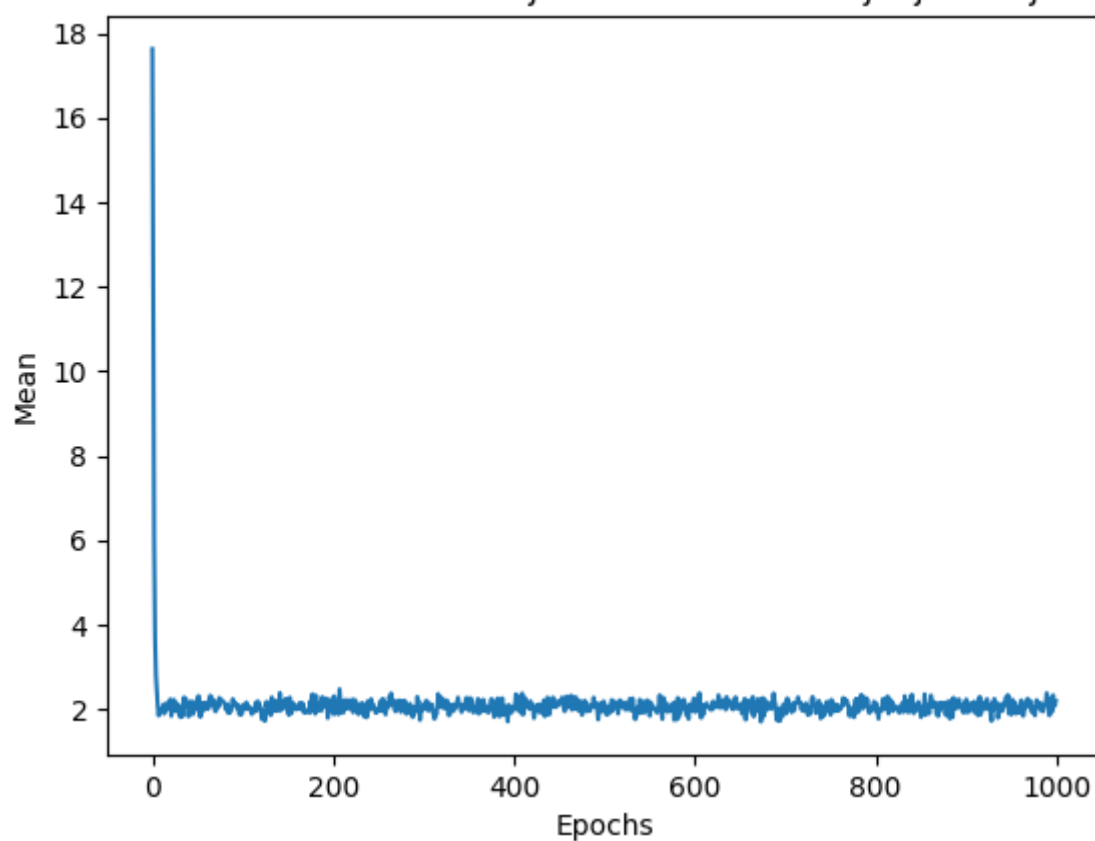
e) Test nr 5

Number of population	Elitist Strategy Percent
200	0.2
Epochs	Size of Tournament
1000	4
Cross probability	Selection Name
0.6	Tournament
Mutation probability	Crossover Name
0.6	Average
Selection percent	Mutation Name
0.6	Gauss

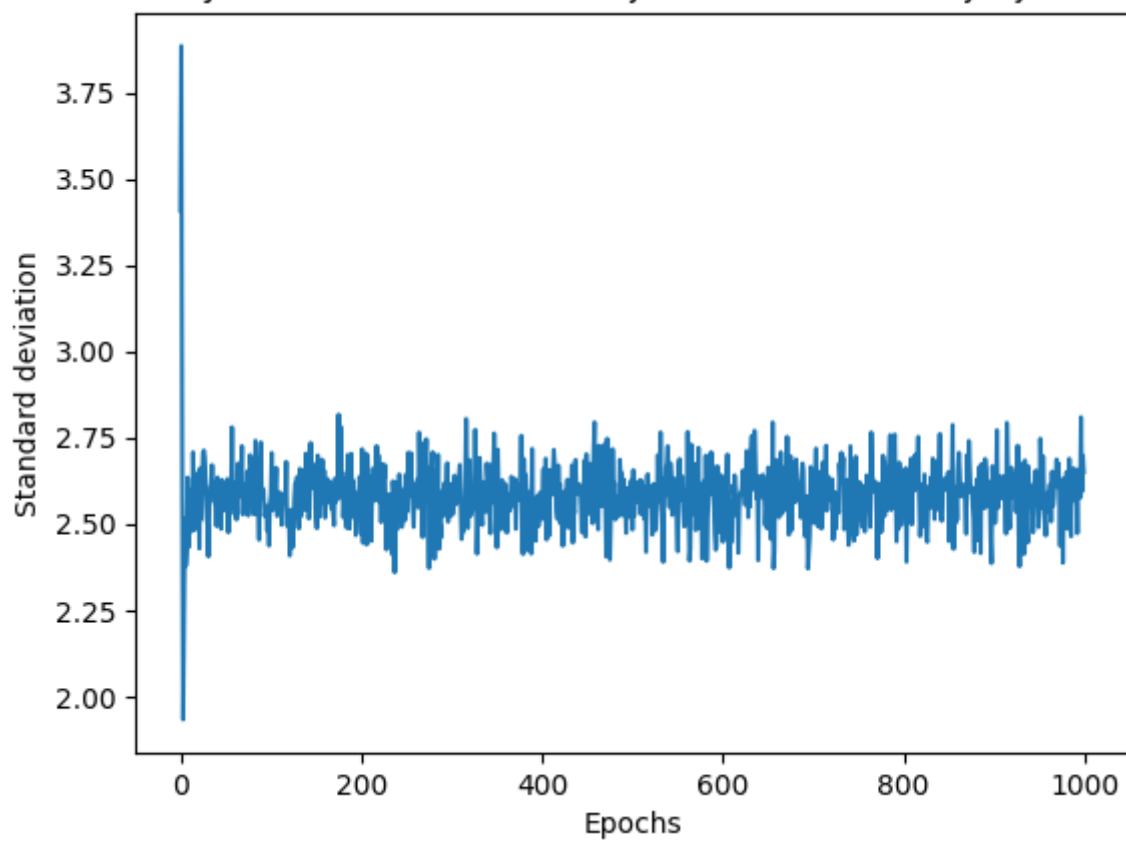
Wartości funkcji najlepszego osobnika od kolejnej iteracji



Średnia wartość funkcji osobników od kolejnej iteracji



Odchylenie standardowe funkcji osobników od kolejnej iteracji



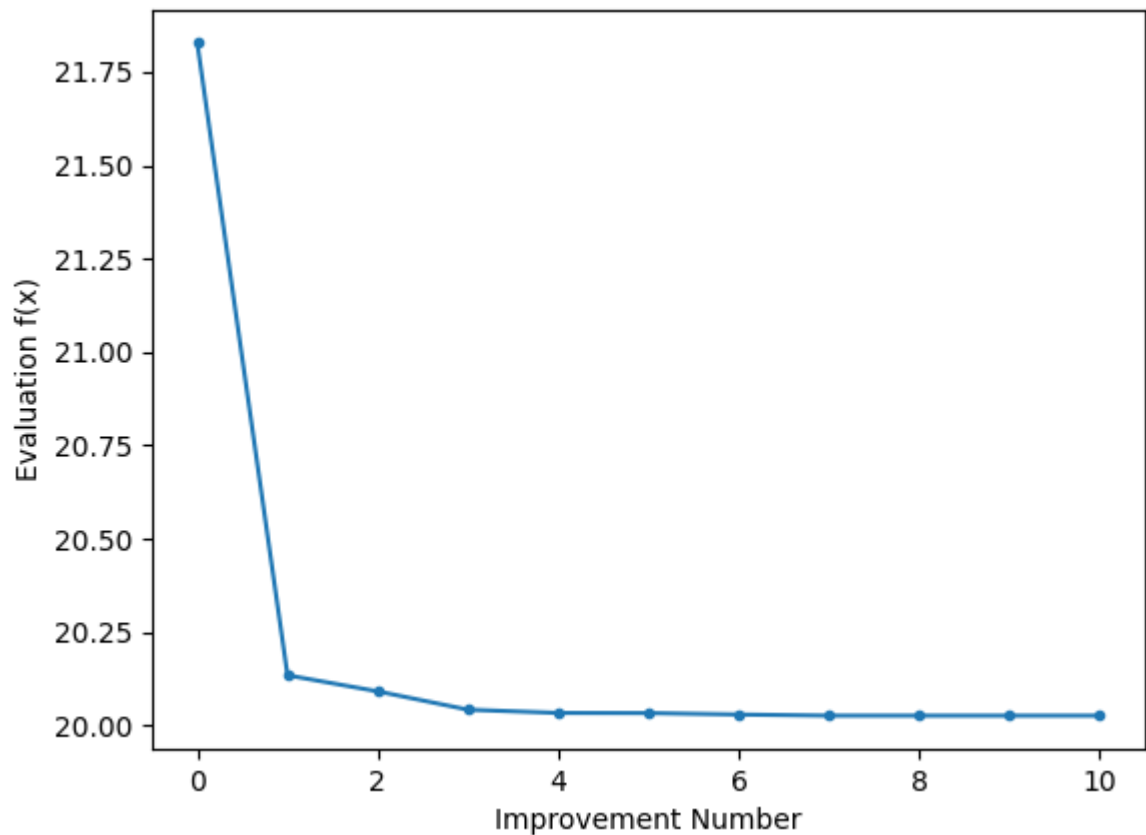
```
Status: OK
Execution time: 9.138001680374146 s
```

Ostatni test został przeprowadzony dla populacji liczącej 200 osobników. Algorytm składał się elitarnej strategii (20%), selekcji turniejowej (60% + rozmiar turnieju 4), krzyżowania uśredniającego (60%), mutacji Gaussa (60%). Algorytm trwał 1000 epok. Przez długi czas wydawało się, że wartość funkcji celu najlepszego osobnika nie zejdzie poniżej 0.5, ale około 820 epoki granica ta została przekroczona. Algorytm trwał około 9 sekund. Algorytm bardzo szybko zszedł do wartości bliskiej 0. Gdy zobaczymy na szczegółowe wyniki, możemy zobaczyć, że wartość funkcji celu najlepszego osobnika wynosi $6,66 \cdot 10^{-7}$. Jest to bardzo dobry wynik.

```
-----
|Fitness Function|
-----
5.659435662330736e-07
```


4. Proste metaheurystyki

a) Algorytm wspinaczki:



Po uruchomieniu algorytmu wspinaczki dla funkcji Ackleya utknęliśmy w minimum lokalnym. Niestety wynik 20 nie jest zadowalający.

b) Algorytm Losowego Próbkowania

```
Result:  
x: [0.10885984 0.47711506]  
Fitness: 3.1573884100030374
```

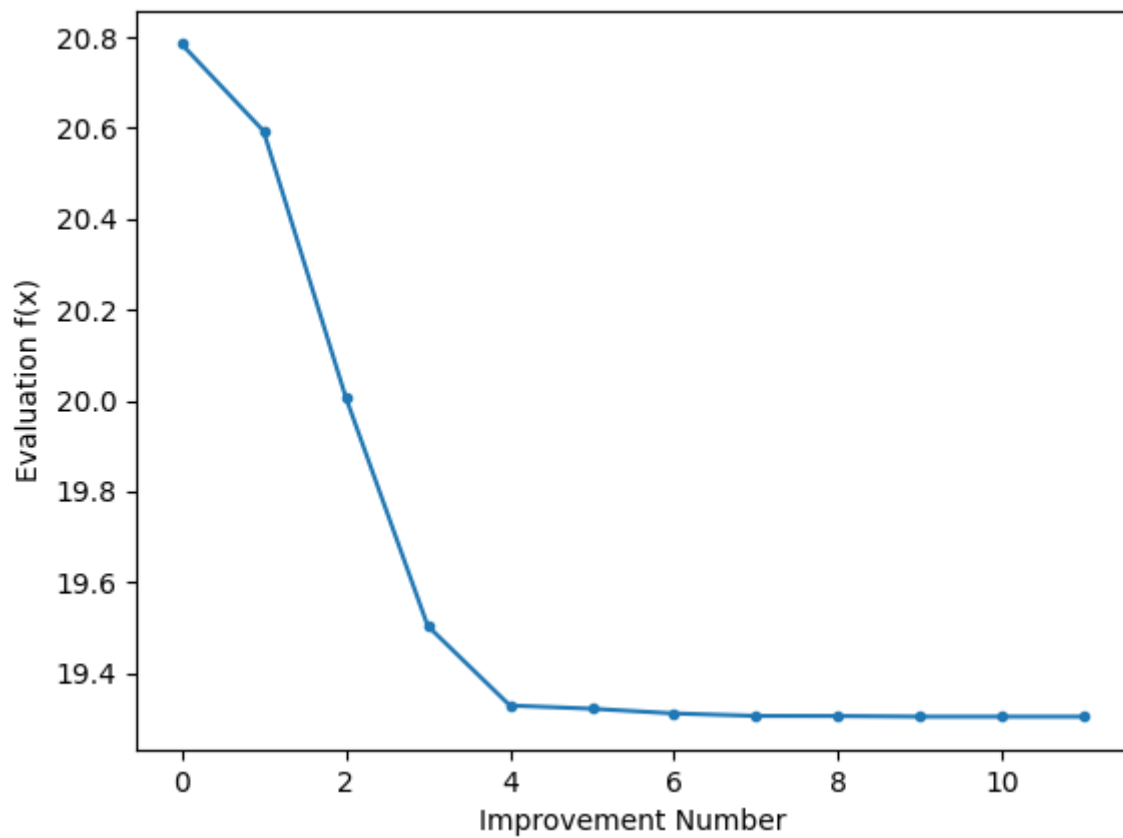
Algorytm mało praktyczny, ale w naszym wypadku, gdy funkcja posiada dużą liczbę minimum lokalnych, spełnia on swoją rolę. Po kilkukrotnym uruchomieniu algorytm podaje funkcję celu poniżej 1.

c) Algorytm Błądzenia Przypadkowego:

```
Result:  
x: [ 289.40281702 -148.87924491]  
Fitness: 21.763994406526525
```

Algorytm ten dał dotąd najgorsze wyniki. Bez sprawdzenia granic zmiennych algorytm wychodzi poza zakres $(-40;40)$ dla funkcji celu.

d) Algorytm Symulowanego Wyżarzania:



Choć z początku algorytm szybko przybliża się do zera, to w pewnym momencie zdecydowanie zwalnia zatrzymując się na wartości 19,3 funkcji celu. Zwiększenie temperatury początkowej niestety nie pomaga w znalezieniu lepszego minimum.

5. Porównanie wyników

Porównując wyniki osiągnięte poprzez klasyczną reprezentację chromosomu, rzeczywistą reprezentację chromosomu oraz z użyciem prostych metaheurystyk możemy stwierdzić, że dla funkcji Ackleya najlepiej sprawuje się rzeczywista reprezentacja chromosomu. Korzystając z tej reprezentacji zeszliśmy do funkcji celu rzędu 10^{-7} , gdy w przypadku klasycznej reprezentacji było to 10^{-1} . Najgorzej wypadły proste metaheurystyki. Jeżeli chodzi o szybkość działania algorytmów, to reprezentacja rzeczywista lepiej wypada na tle reprezentacji klasycznej.