

Jiashun(家顺) Xiao(肖)

DATA SCIENTIST(数据科学) · STATISTICAL GENETICIST(统计遗传)

☎ (+86) 18503019080 | ✉ xiaojiashun@sribd.cn | 🏠 jiashun-xiao.github.io | 出生年月: December 7, 1995

个人介绍

我于 2017 年在南方科技大学获得生物信息学学士学位，随后于 2022 年在香港科技大学获得数学博士学位。2022 年应聘加入深圳市大数据研究院担任研究科学家。目前研究方向包括统计遗传学、生物信息学、基于空间转录组及多组学大数据的统计与人工智能方法开发等，致力于推动整合数据分析方法的发展，以深化对复杂生物系统的理解。

教育背景

香港科技大学 (HKUST)

数学博士，累计 CGA: 3.94/4.3

中国，香港

2018.09 - 2022.08

南方科技大学 (SUSTech)

生物信息学学士，累计 GPA: 3.68/4.0, 排名: 1/12

中国，深圳

2013.09 - 2017.07

工作经历

深圳市大数据研究院 (SRIBD)

研究科学家

中国，深圳

2022.09 - 至今

深圳市早知道科技有限公司 (WeGene)

生物信息工程师

中国，深圳

2017.01 - 2018.08

项目资助

国家自然科学基金青年项目, 30 万

基于多层面数据整合的细胞类型特异 eQTLs 定位统计与计算方法研究，主持

中国，深圳

2025-2027

广东省自然科学基金面上项目, 10 万

基于多人群基因组大数据的精细定位统计与计算方法研究，主持

中国，深圳

2025-2027

深圳市科技创新局博士基础研究启动项目, 30 万

基于多平台空间转录组数据的细胞壁龛识别模型与算法研究，主持

中国，深圳

2024-2026

深圳市大数据研究院内部项目, 10 万

基于多模态数据的空间转录组细胞类型注释模型与算法研究，主持

中国，深圳

2023-2024

代表论文

- Xinyi Yu, Xianghong Hu, Xiaomeng Wan, Zhiyong Zhang, Xiang Wan, Mingxuan Cai, Tianwei Yu*, **Jiashun Xiao*** (2024)
A unified framework for cell-type-specific eQTLs prioritization by integrating bulk and scRNA-seq data.
The American Journal of Human Genetics (AJHG), 五年影响因子 9.7, 中科院一区 Top 期刊
- Leqi Tian, **Jiashun Xiao***, Tianwei Yu* (2024)
A Robust Statistical Approach for Finding Informative Spatially Associated Pathways.
Briefings in Bioinformatics, 五年影响因子 7.9, 中科院二区 Top 期刊
- Xiaomeng Wan#, **Jiashun Xiao#**, Sindy Sing Ting Tam, Mingxuan Cai, Ryohichi Sugimura, Yang Wang, Xiang Wan, Zhixiang Lin, Angela Ruohao Wu, Can Yang* (2023)

Integrating spatial and single-cell transcriptomics data using deep generative models with SpatialScope.
Nature Communications, 五年影响因子 16.1, 中科院一区 Top 期刊

- Mingxuan Cai, Zhiwei Wang, **Jiashun Xiao**, Xianghong Hu, Gang Chen, Can Yang* (2023)
 XMAP: Cross-population fine-mapping by leveraging genetic diversity and accounting for confounding bias.
Nature Communications, 五年影响因子 16.1, 中科院一区 Top 期刊
- Yiming Chao, Yang Xiang, **Jiashun Xiao**, Weizhong Zheng, Mo R Ebrahimkhani, Can Yang, Angela Ruohao Wu, Pentao Liu, Yuanhua Huang, Ryohichi Sugimura* (2023)
 Organoid-based single-cell spatiotemporal gene expression landscape of human embryonic development and hematopoiesis.
Signal transduction and targeted therapy, 五年影响因子 40.5, 中科院一区 Top 期刊
- Jiashun Xiao**[#], Mingxuan Cai[#], Xinyi Yu, Xianghong Hu, Gang Chen, Xiang Wan, Can Yang* (2022)
 Leveraging the local genetic structure for trans-ancestry association mapping.
The American Journal of Human Genetics (AJHG), 五年影响因子 9.7, 中科院一区 Top 期刊
- Jiashun Xiao**[#], Mingxuan Cai[#], Xianghong Hu, Xiang Wan, Gang Chen, Can Yang* (2022)
 XPXP: Improving polygenic prediction by cross-population and cross-phenotype analysis.
Bioinformatics, 五年影响因子 7.6, 中科院三区期刊
- Mingxuan Cai[#], **Jiashun Xiao**[#], Shunkang Zhang[#], Xiang Wan, Hongyu Zhao, Gang Chen, Can Yang*
 A unified framework for cross-population trait prediction by leveraging the genetic correlation of polygenic traits. (2021)
The American Journal of Human Genetics (AJHG), 五年影响因子 9.7, 中科院一区 Top 期刊, 单篇引用量 91 次

[#] 共一, * 通讯

获奖经历

2022	Final list , 香港科技大学红鸟学术卓越奖	中国，香港
2020	Special prize , 香港科技大学 Info Challenge	中国，香港
2017	Final list , 南方科技大学年度优秀毕业生	中国，深圳
2017	Final list , 南方科技大学年度优秀毕业论文	中国，深圳
2016	Silver prize , 国际基因工程机器大赛全球总决赛	美国，波士顿
2016	First place , 年度最佳学术海报	中国，深圳

教学经历

- 高等数学 (Calculus), 助教, 香港科技大学, 2019 年秋季学期.
- 高等数学 II (Calculus II), 助教, 香港科技大学, 2019、2020、2021 年春季学期.
- 线性代数 (Matrix Algebra and Applications), 助教, 香港科技大学, 2020、2021 年秋季学期.