# 实验四 Python字典和while循环

班级: 21计科1

学号: B20210302101

姓名: 金库

Github地址: https://gitee.com/jinku111/jinku111.git

CodeWars地址: https://www.codewars.com/users/Jinku123

## 实验目的

- 1. 学习Python字典
- 2. 学习Python用户输入和while循环

## 实验环境

- 1. Git
- 2. Python 3.10
- 3. VSCode
- 4. VSCode插件

## 实验内容和步骤

第一部分

Python列表操作

完成教材《Python编程从入门到实践》下列章节的练习:

- 第6章 字典
- 第7章 用户输入和while循环

### 第二部分

在Codewars网站注册账号,完成下列Kata挑战:

第一题:淘气还是乖孩子(Naughty or Nice)

难度: 7kyu

圣诞老人要来镇上了,他需要你帮助找出谁是淘气的或善良的。你将会得到一整年的JSON数据,按照这个格式:

```
{
    January: {
        '1': 'Naughty','2': 'Naughty', ..., '31': 'Nice'
},
February: {
        '1': 'Nice','2': 'Naughty', ..., '28': 'Nice'
},
...
December: {
        '1': 'Nice','2': 'Nice', ..., '31': 'Naughty'
}
}
```

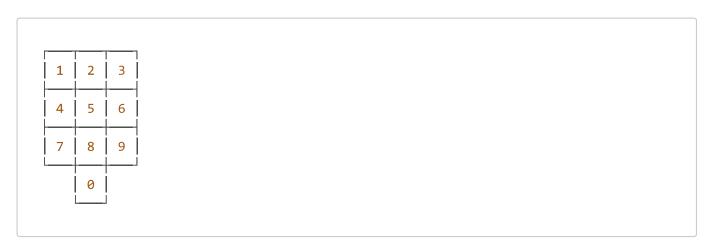
你的函数应该返回 "Naughty!"或 "Nice!",这取决于在某一年发生的总次数(以较大者为准)。如果两者相等,则返回 "Nice!"。代码提交地址: https://www.codewars.com/kata/5662b14e0a1fb8320a00005c

### 第二题:观察到的PIN (The observed PIN)

难度: 4kyu

好了,侦探,我们的一个同事成功地观察到了我们的目标人物,抢劫犯罗比。我们跟踪他到了一个秘密仓库,我们认为在那里可以找到所有被盗的东西。这个仓库的门被一个电子密码锁所保护。不幸的是,我们的间谍不确定他看到的密码,当罗比进入它时。

#### 键盘的布局如下:



他注意到密码1357,但他也说,他看到的每个数字都有可能是另一个相邻的数字(水平或垂直,但不是对角线)。例如,代替1的也可能是2或4。而不是5,也可能是2、4、6或8。

他还提到,他知道这种锁。你可以无限制地输入错误的密码,但它们最终不会锁定系统或发出警报。这就是为什么我们可以尝试所有可能的(\*)变化。

\*可能的意义是:观察到的PIN码本身和考虑到相邻数字的所有变化。

你能帮助我们找到所有这些变化吗?如果有一个函数,能够返回一个列表,其中包含一个长度为1到8位的观察到的PIN的所有变化,那就更好了。我们可以把这个函数命名为getPINs(在python中为get\_pins,在C#中为GetPINs)。

但请注意,所有的PINs,包括观察到的PINs和结果,都必须是字符串,因为有可能会有领先的 "0"。我们已经为你准备了一些测试案例。 侦探,我们就靠你了! 代码提交地址:

https://www.codewars.com/kata/5263c6999e0f40dee200059d

### 第三题: RNA到蛋白质序列的翻译 (RNA to Protein Sequence Translation)

难度: 6kyu

蛋白质是由DNA转录成RNA,然后转译成蛋白质的中心法则。RNA和DNA一样,是由糖骨架(在这种情况下是核糖)连接在一起的长链核酸。每个由三个碱基组成的片段被称为密码子。称为核糖体的分子机器将RNA密码子转译成氨基酸链,称为多肽链,然后将其折叠成蛋白质。

蛋白质序列可以像DNA和RNA一样很容易地可视化,作为大字符串。重要的是要注意,"停止"密码子不编码特定的氨基酸。它们的唯一功能是停止蛋白质的转译,因此它们不会被纳入多肽链中。"停止"密码子不应出现在最终的蛋白质序列中。为了节省您许多不必要(和乏味)的键入,已为您的氨基酸字典提供了键和值。

给定一个RNA字符串,创建一个将RNA转译为蛋白质序列的函数。注意:测试用例将始终生成有效的字符串。 ///////

```
protein ('CGCUCC')
```

#### 将返回RS

作为测试用例的一部分是一个真实世界的例子!最后一个示例测试用例对应着一种叫做绿色荧光蛋白的蛋白质,一旦被剪切到另一个生物体的基因组中,像GFP这样的蛋白质可以让生物学家可视化细胞过程!

### Amino Acid Dictionary

```
# Your dictionary is provided as PROTEIN DICT
PROTEIN DICT = {
 # Phenylalanine
 'UUC': 'F', 'UUU': 'F',
 # Leucine
 'UUA': 'L', 'UUG': 'L', 'CUU': 'L', 'CUC': 'L', 'CUA': 'L', 'CUG': 'L',
 # Isoleucine
 'AUU': 'I', 'AUC': 'I', 'AUA': 'I',
 # Methionine
 'AUG': 'M',
 # Valine
 'GUU': 'V', 'GUC': 'V', 'GUA': 'V', 'GUG': 'V',
 # Serine
 'UCU': 'S', 'UCC': 'S', 'UCA': 'S', 'UCG': 'S', 'AGU': 'S', 'AGC': 'S',
 # Proline
 'CCU': 'P', 'CCC': 'P', 'CCA': 'P', 'CCG': 'P',
 # Threonine
 'ACU': 'T', 'ACC': 'T', 'ACA': 'T', 'ACG': 'T',
 'GCU': 'A', 'GCC': 'A', 'GCA': 'A', 'GCG': 'A',
 # Tyrosine
```

```
'UAU': 'Y', 'UAC': 'Y',
    # Histidine
    'CAU': 'H', 'CAC': 'H',
    # Glutamine
    'CAA': 'Q', 'CAG': 'Q',
    # Asparagine
    'AAU': 'N', 'AAC': 'N',
    # Lysine
    'AAA': 'K', 'AAG': 'K',
    # Aspartic Acid
    'GAU': 'D', 'GAC': 'D',
    # Glutamic Acid
    'GAA': 'E', 'GAG': 'E',
    # Cystine
    'UGU': 'C', 'UGC': 'C',
    # Tryptophan
    'UGG': 'W',
    # Arginine
    'CGU': 'R', 'CGC': 'R', 'CGA': 'R', 'CGG': 'R', 'AGA': 'R', 'AGG': 'R',
    'GGU': 'G', 'GGC': 'G', 'GGA': 'G', 'GGG': 'G',
    # Stop codon
    'UAA': 'Stop', 'UGA': 'Stop', 'UAG': 'Stop'
}
```

代码提交地址: https://www.codewars.com/kata/555a03f259e2d1788c000077

第四题: 填写订单 (Thinkful - Dictionary drills: Order filler)

难度: 8kyu

您正在经营一家在线业务,您的一天中很大一部分时间都在处理订单。随着您的销量增加,这项工作占用了更多的时间,不幸的是最近您遇到了一个情况,您接受了一个订单,但无法履行。

您决定写一个名为fillable()的函数,它接受三个参数:一个表示您库存的字典stock,一个表示客户想要购买的商品的字符串merch,以及一个表示他们想购买的商品数量的整数n。如果您有足够的商品库存来完成销售,则函数应返回True,否则应返回False。

有效的数据将始终被传入,并且n将始终大于等于1。

代码提交地址: https://www.codewars.com/kata/586ee462d0982081bf001f07/python

### 第五题: 莫尔斯码解码器 (Decode the Morse code, advanced)

难度: 4kyu

在这个作业中,你需要为有线电报编写一个莫尔斯码解码器。 有线电报通过一个有按键的双线路运行,当按下按键时,会连接线路,可以在远程站点上检测到。莫尔斯码将每个字符的传输编码为"点"(按下按键的短按)和"划"(按下按键的长按)的序列。

在传输莫尔斯码时, 国际标准规定:

- "点" 1个时间单位长。
- "划" 3个时间单位长。
- 字符内点和划之间的暂停 1个时间单位长。
- 单词内字符之间的暂停 3个时间单位长。
- 单词间的暂停 7个时间单位长。

但是,该标准没有规定"时间单位"有多长。实际上,不同的操作员会以不同的速度进行传输。一个业余人士可能需要几秒钟才能传输一个字符,一位熟练的专业人士可以每分钟传输60个单词,而机器人发射器可能会快得多。

在这个作业中,我们假设消息的接收是由硬件自动执行的,硬件会定期检查线路,如果线路连接(远程站点的按键按下),则记录为1,如果线路未连接(远程按键弹起),则记录为0。消息完全接收后,它会以一个只包含0和1的字符串的形式传递给你进行解码。

例如,消息HEYJUDE,即························可以如下接收:

如您所见,根据标准,这个传输完全准确,硬件每个"点"采样了两次。

因此, 你的任务是实现两个函数:

函数decodeBits(bits),应该找出消息的传输速率,正确解码消息为点(.)、划(-)和空格(字符之间有一个空格,单词之间有三个空格),并将它们作为一个字符串返回。请注意,在消息的开头和结尾可能会出现一些额外的0,确保忽略它们。另外,如果你无法分辨特定的1序列是点还是划,请假设它是一个点。

函数decodeMorse(morseCode),它将接收上一个函数的输出,并返回一个可读的字符串。

注意:出于编码目的,你必须使用ASCII字符.和-,而不是Unicode字符。

莫尔斯码表已经预加载给你了(请查看解决方案设置,以获取在你的语言中使用它的标识符)。

```
morseCodes(".--") #to access the morse translation of ".--"
```

### 下面是Morse码支持的完整字符列表:

```
A ·-
B -···
C -·-·
D -··
E ·
F ··-·
G --·
H ····
I ··
J ·---
```

```
Κ
L
       . - . .
Μ
Ν
0
Ρ
Q
R
S
Τ
U
٧
W
Χ
Υ
Ζ
       -- • •
0
1
2
3
4
       . . . . –
5
6
       - · · · ·
7
8
9
(
)
&
       . - . . - .
$
       . . . – . . –
@
```

代码提交地址: https://www.codewars.com/kata/decode-the-morse-code-advanced

## 第三部分

使用Mermaid绘制程序流程图

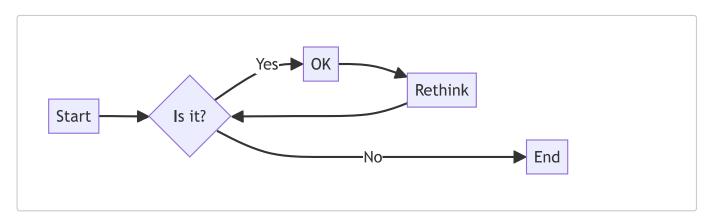
安装VSCode插件:

- Markdown Preview Mermaid Support
- Mermaid Markdown Syntax Highlighting

使用Markdown语法绘制你的程序绘制程序流程图(至少一个),Markdown代码如下:

### 程序流程图

### 显示效果如下:



查看Mermaid流程图语法-->点击这里

使用Markdown编辑器(例如VScode)编写本次实验的实验报告,包括实验过程与结果、实验考查和实验总结,并将其导出为 **PDF格式** 来提交。

## 实验过程与结果

请将实验过程与结果放在这里,包括:

• 第一部分 Python列表操作和if语句

```
message={ #练习6.1
    'first_name':'库',
    'last_name':'金',
    'age':19,
    'city':'长沙',
}
for k,v in message.items():
    print(f"{k}:{v}")
    print()
# last_name:金
# age:19
# city:长沙
```

```
people={
    'message1':{
        'first_name':'库',
        'last_name':'金',
        'age':19,
        'city':'徐州',
        },
```

```
'message2':{
        'first_name':'志峰',
       'last_name':'谭',
       'age':20,
       'city':'衡阳',
    'message3':{
       'first_name':'逸哲',
       'last_name':'蒋',
       'age':20,
       'city':'长沙',
       },
}
for x1,x2 in people.items():
   name=f"{x2['last_name']}{x2['first_name']}"
   print(name,x2['age'],x2['city'])
#输出
# 金库 19 徐州
# 谭志峰 20 衡阳
# 蒋逸哲 20 长沙
```

### • 第二部分 Codewars Kata挑战

```
def get_pins(observed): #第二题

# 创建一个字典,用于存储每个数字可能的替代数字
adjacent_digits = {
    '0': ['0', '8'],
    '1': ['1', '2', '4'],
    '2': ['1', '2', '3', '5'],
    '3': ['2', '3', '6'],
    '4': ['1', '4', '5', '7'],
    '5': ['2', '4', '5', '6', '8'],
    '6': ['3', '5', '6', '9'],
    '7': ['4', '7', '8'],
    '8': ['5', '7', '8', '9', '0'],
    '9': ['6', '8', '9']
}
```

```
# 递归函数,生成所有可能的PIN码
def generate pins(pin, remaining digits):
   # 如果没有剩余的数字,则将当前PIN码添加到结果列表中
   if len(remaining_digits) == 0:
       result.append(pin)
      return
   # 获取下一个要处理的数字
   digit = remaining_digits[0]
   # 递归生成所有可能的PIN码
   for adjacent_digit in adjacent_digits[digit]:
       generate_pins(pin + adjacent_digit, remaining_digits[1:])
# 初始化结果列表
result = []
# 调用递归函数生成所有可能的PIN码
generate_pins('', observed)
return result
```

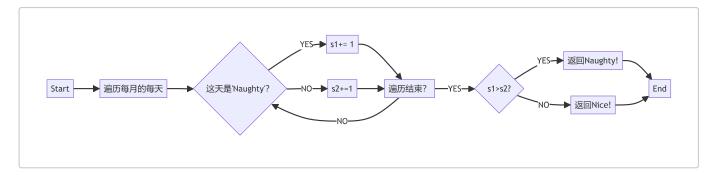
```
def protein(rna): # 第三题
   PROTEIN_DICT = {
   # Phenylalanine
    'UUC': 'F', 'UUU': 'F',
   # Leucine
    'UUA': 'L', 'UUG': 'L', 'CUU': 'L', 'CUC': 'L', 'CUA': 'L', 'CUG': 'L',
   # Isoleucine
    'AUU': 'I', 'AUC': 'I', 'AUA': 'I',
   # Methionine
    'AUG': 'M',
   # Valine
    'GUU': 'V', 'GUC': 'V', 'GUA': 'V', 'GUG': 'V',
   # Serine
   'UCU': 'S', 'UCC': 'S', 'UCA': 'S', 'UCG': 'S', 'AGU': 'S', 'AGC': 'S',
   # Proline
    'CCU': 'P', 'CCC': 'P', 'CCA': 'P', 'CCG': 'P',
   # Threonine
   'ACU': 'T', 'ACC': 'T', 'ACA': 'T', 'ACG': 'T',
   # Alanine
    'GCU': 'A', 'GCC': 'A', 'GCA': 'A', 'GCG': 'A',
   # Tyrosine
    'UAU': 'Y', 'UAC': 'Y',
   # Histidine
    'CAU': 'H', 'CAC': 'H',
   # Glutamine
    'CAA': 'Q', 'CAG': 'Q',
   # Asparagine
    'AAU': 'N', 'AAC': 'N',
   # Lysine
```

```
'AAA': 'K', 'AAG': 'K',
    # Aspartic Acid
    'GAU': 'D', 'GAC': 'D',
    # Glutamic Acid
    'GAA': 'E', 'GAG': 'E',
    # Cystine
    'UGU': 'C', 'UGC': 'C',
    # Tryptophan
    'UGG': 'W',
    # Arginine
    'CGU': 'R', 'CGC': 'R', 'CGA': 'R', 'CGG': 'R', 'AGA': 'R', 'AGG': 'R',
    # Glycine
    'GGU': 'G', 'GGC': 'G', 'GGA': 'G', 'GGG': 'G',
    # Stop codon
    'UAA': 'Stop', 'UGA': 'Stop', 'UAG': 'Stop'
}
   protein = ""
    \#codon\_length = 3
    for i in range(0, len(rna), 3):
        codon = rna[i:i+3]
        if codon in PROTEIN DICT:
            s = PROTEIN DICT[codon]
            if s!='Stop':
                protein += s
            else:
                break
    return protein
```

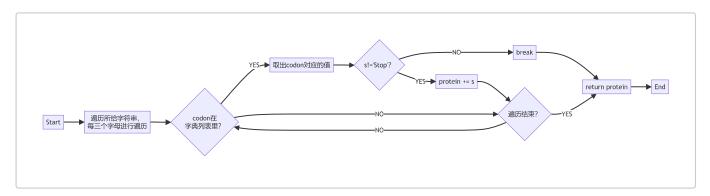
```
def fillable(stock, merch, n): #第四题
  if merch in stock and stock[merch] >= n:
    return True
  else:
    return False
```

```
MORSE_CODE[''] = ' '
arr = [MORSE_CODE[x] for x in morseCode.strip().split(' ')]
return "".join(arr).replace(' ', ' ')
```

- 第三部分 使用Mermaid绘制程序流程图
- 第─题



第三题



## 实验考查

请使用自己的语言并使用尽量简短代码示例回答下面的问题,这些问题将在实验检查时用于提问和答辩以及实际的操作。

1. 字典的键和值有什么区别?

字典的键和值是一对一对的数据,键是唯一的,而值可以重复

- 2. 在读取和写入字典时,需要使用默认值可以使用什么方法? setdefault() 方法
- 3. Python中的while循环和for循环有什么区别?

while循环: while循环会在满足指定条件的情况下重复执行一段代码,直到条件不再满足为止。

for循环: for循环用于遍历一个可迭代对象(如列表、元组、字符串等)中的元素,并执行相应的代码块。

4. 阅读PEP 636 – Structural Pattern Matching: Tutorial, 总结Python 3.10中新出现的match语句的使用方法。

## 实验总结

总结一下这次实验你学习和使用到的知识,例如:编程工具的使用、数据结构、程序语言的语法、算法、编程技巧、编程思想。 认识了什么是字典,以及如何访问字典,添加键值对,修改字典中的值,del 删除键值对; 学会了对字典值,键的遍历。学会了字典列表的使用和打印。理解input(),int()的输入方法,while循环中break,continue的使用。