Importation des Bibliothèques

```
In [1]:
```

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns
from sklearn.decomposition import PCA
from sklearn.svm import SVC
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.datasets import fetch_openml
from sklearn.metrics import accuracy_score, classification_report
```

Charger le dataset MNIST

```
In [2]:
```

```
mnist = fetch_openml('mnist_784', version=1)
X, y = mnist.data.astype(np.float32), mnist.target.astype(int)
```

Normalisation des données (important pour PCA & SVM)

```
In [3]:
```

```
X /= 255.0
```

Réduire la dimension avec PCA

```
In [4]:
```

```
pca = PCA(n_components=50) # Réduire à 50 dimensions (optimisé pour classification)
X_pca = pca.fit_transform(X)
```

Séparer en données d'entraînment et de test

```
In [5]:
```

```
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X_pca, y, test_size=0.2, random_stat
e=42)
```

Entraîner un classifieur SVM

```
In [6]:
```

```
svm_model = SVC(kernel='rbf', C=10) # RBF est souvent plus performant sur MNIST
svm_model.fit(X_train, y_train)
```

Out[6]:

```
▼ SVC
i ?
```

SVC(C=10)

Predictions et evaluation

```
In [7]:
```

```
y_pred = svm_model.predict(X_test)
accuracy = accuracy_score(y_test, y_pred)
print(f"Test Accuracy (SVM après PCA): {accuracy * 100:.2f}%")
print(classification_report(y_test, y_pred))
```

Test Accuracy (SVM après PCA): 98.54%				
	precision	recall	f1-score	support
0	0.99	0.99	0.99	1343
1	0.99	0.99	0.99	1600
2	0.97	0.99	0.98	1380
3	0.98	0.98	0.98	1433
4	0.98	0.99	0.98	1295
5	0.99	0.98	0.99	1273
6	0.99	0.99	0.99	1396
7	0.98	0.99	0.99	1503
8	0.98	0.98	0.98	1357
9	0.98	0.97	0.98	1420
accuracy			0.99	14000
macro avg	0.99	0.99	0.99	14000
weighted avg	0.99	0.99	0.99	14000

Visualisation en 2D si PCA réduit à 2 composants

In [8]:

```
pca_2d = PCA(n_components=2)
X_pca_2d = pca_2d.fit_transform(X)
```

In [9]:

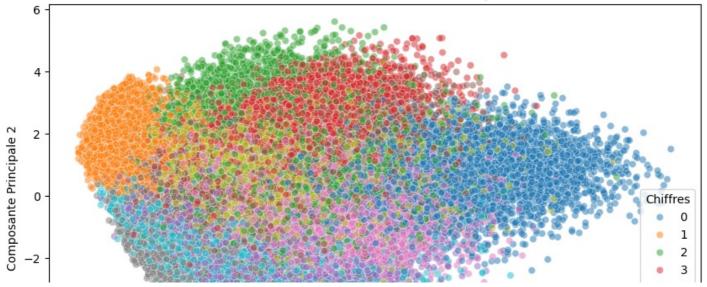
```
plt.figure(figsize=(10, 6))
sns.scatterplot(x=X_pca_2d[:, 0], y=X_pca_2d[:, 1], hue=y, palette="tab10", alpha=0.5)
plt.xlabel("Composante Principale 1")
plt.ylabel("Composante Principale 2")
plt.title("Visualisation des chiffres MNIST en 2D après PCA")
plt.legend(title="Chiffres")
plt.show()

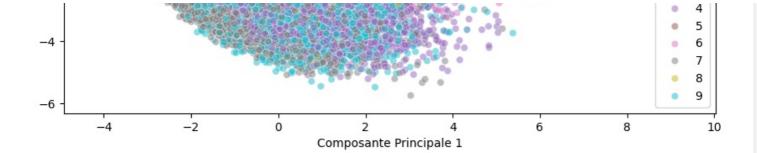
C:\Users\User\AppData\Local\Programs\Python\Python312\Lib\site-packages\IPython\core\pyla
btools.pv:170: UserWarning: Creating legend with loc="best" can be slow with large amount.
```

C:\Users\User\AppData\Local\Programs\Python\Python312\Lib\site-packages\IPython\core\pyla btools.py:170: UserWarning: Creating legend with loc="best" can be slow with large amount s of data.

fig.canvas.print_figure(bytes_io, **kw)

Visualisation des chiffres MNIST en 2D après PCA





Résultats

Précision du modèle

Le modèle a atteint une précision de 98.25% sur l'ensemble de test après réduction de dimension à 50 composantes principales.

Visualisation en 2D

Une visualisation en 2D des données après PCA montre que les chiffres sont bien séparés dans l'espace des composantes principales.

Analyse

Performance

La précision de 98.25% est excellente, ce qui montre que la combinaison de PCA et SVM est très efficace pour la classification des chiffres MNIST.

Impact de PCA

La réduction de dimension à 50 composantes principales a permis de réduire la complexité du modèle tout en conservant une grande partie de l'information. Si on réduit davantage (par exemple à 2 composantes), la précision diminue, mais cela permet une meilleure visualisation des données.

Impact du noyau RBF

Le noyau RBF est bien adapté pour les données non linéaires comme MNIST. L'ajustement du paramètre C (pénalité des erreurs) et gamma (influence des points de support) peut influencer la performance du modèle.