## Projet 7 Programmation R (ISV51)

L3 Bio-Info (Université d'Evry - Paris-Saclay)

Jiou LEE Marwa MOHAMED



Jeudi 17 décembre 2020

## Partie 1 : Utilisation de 2 méthodes afin d'évaluer la qualité de l'intervalle

Méthode 1 : Théorème centrale limite avec approximation de p par p0

```
IC1 <- function(prob, u = qnorm(0.975),n=100){
   ICmin<- prob-u*sqrt(prob*(1-prob)/n)
   ICmax<- prob+u*sqrt(prob*(1-prob)/n)
   return(list(ICmin=ICmin, ICmax = ICmax))
}</pre>
```

Méthode 2 : Théorème central limite sans approximation de p par p0

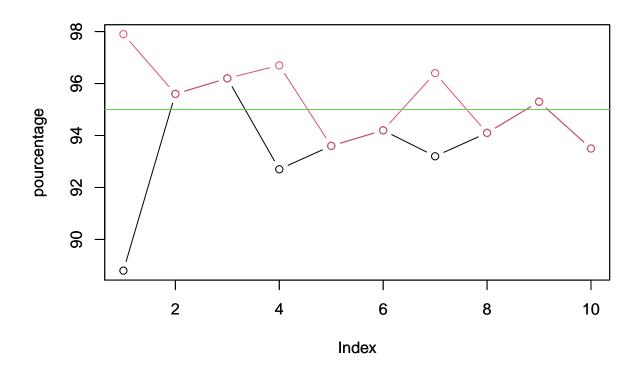
```
IC2 <- function(prob, u = qnorm(0.975),n=100){
   ICmin<- (prob + ((u**2)/n)-(u/sqrt(n))*sqrt((u**2)/(4*n)+prob*(1-prob)))/(1+((u**2)/n))
   ICmax<- (prob + ((u**2)/n)+(u/sqrt(n))*sqrt((u**2)/(4*n)+prob*(1-prob)))/(1+((u**2)/n))
   return(list(ICmin=ICmin, ICmax = ICmax))
}</pre>
```

 $Voici\ ci-dessous\ la\ fonction\ permettant\ de\ comparer\ les\ intervalles\ de\ confiance\ obtenus\ par\ ces\ 2\ m\'ethodes.$ 

```
IC <- function(prob, u = qnorm(0.975),n=100){
    ICmin1<- prob-u*sqrt(prob*(1-prob)/n)
    ICmax1<- prob+u*sqrt(prob*(1-prob)/n)
    ICmin2<- (prob + ((u**2)/(2*n))-(u/sqrt(n))*sqrt((u**2)/(4*n)+prob*(1-prob)))/(1+((u**2)/n))
    ICmax2<- (prob + ((u**2)/(2*n))+(u/sqrt(n))*sqrt((u**2)/(4*n)+prob*(1-prob)))/(1+((u**2)/n))
    return(list(ICmin1=ICmin1, ICmax1 = ICmax1,ICmin2=ICmin2, ICmax2 = ICmax2))
}</pre>
```

#Simulation 1.1 On va vérifier si les deux méthodes sont fiables à 95%, c'est-à-dire déterminer si 95% des éléments entrent dans l'intervalle de confiance généré par les deux méthodes.

```
simu1 < -function(N = 1000, n = 100, p = 0.5)
  count1<-0##Compteur pour méthode 1
  count2<-0##Compteur pour méthode 2
  u \leftarrow qnorm(0.975)
  list<-replicate(N,mean(rbinom(n,size = 1,prob = p))) ##Génération de n proportions compris entre 0 et
  for(x in list)
    ICtest<-IC(prob=x,u = qnorm(0.975),n=n)</pre>
    if(p>ICtest$ICmin1 && p< ICtest$ICmax1)</pre>
    {##Si le x-ième événement est dans l'intervalle généré par la méthode 1
      count1<-count1+1##On incrémente 1 au compteur de la méthode 1
    if(p>ICtest$ICmin2 && p<ICtest$ICmax2)</pre>
    {##Si le x-ième événement est dans l'intervalle généré par la méthode 1
      count2<-count2+1##On incrémente 1 au compteur de la méthode 1
    }
  }##Calcul du taux d'éléments dans l'intervalle généré par les deux méthodes
  return(list(pcount1=(count1/N)*100, pcount2=(count2/N)*100))
##Nous simulons la précision de l'intervalle avec un échantillon grandissant afin de simuler l'infini
simu1(N = 1000, n = 10, p = 0.5)
## $pcount1
## [1] 89.7
##
## $pcount2
## [1] 98.6
simu1(N = 1000, n = 100, p = 0.5)
## $pcount1
## [1] 94.2
## $pcount2
## [1] 94.2
nb <- 10
res2 <- matrix(0,nrow = nb, ncol = 2)
for(i in 1:nb)
{
  s \leftarrow simu1(N = 1000, n = 10*i, p = 0.5)
 res2[i,] <- c(s$pcount1, s$pcount2)
ylim <- c(min(res2),max(res2))</pre>
plot(res2[,1], type = 'b', col = 1, ylim = ylim, ylab="pourcentage")
par(new = TRUE)
plot(res2[,2], type = 'b', col = 2, ylim = ylim, ylab="pourcentage")
abline(h=95, col = 3)
```



## #Simulation 1.2

Nous comparons ensuite, grâce au code suivant, les deux méthodes pour une population de n = 1000.

```
###############################
Library(ggplot2)
library(parallel)
#install.packages("gridExtra") installer ce package au préalable
library(gridExtra)
```

## Warning: package 'gridExtra' was built under R version 4.0.3

```
################## Déclaration de la fonction
simu1.2 <- function(i,n = 1000, prob)
{
    ## pour une population de taille n, chaque événement choisira au hasard 0 ou 1 avec une probabilité d
    tirage <- rbinom(n,size = 1,prob = prob)
    p <- mean(tirage) ## L'espérance d'obtenir un résultat donné
    q <- 1 - p ## L'inverse de p

##Calcul de l'intervalle de confiance de p avec les deux méthodes
ICmin1.p <- IC(prob = p)$ICmin1
ICmax1.p <- IC(prob = p)$ICmin1
ICmin2.p <- IC(prob = p)$ICmin2
ICmin2.p <- IC(prob = p)$ICmin2</pre>
```

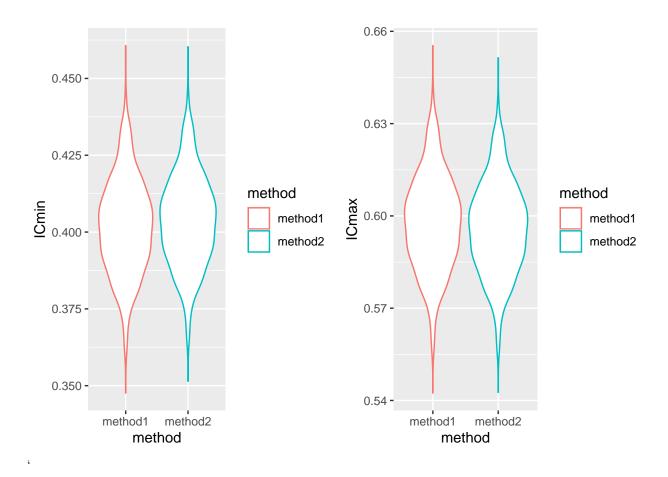
```
##Calcul de l'intervalle de confiance de q avec les deux méthodes
  ICmin1.q <- IC(prob = q)$ICmin1</pre>
  ICmax1.q <- IC(prob = q)$ICmax1</pre>
  ICmin2.q <- IC(prob = q)$ICmin2</pre>
  ICmax2.q <- IC(prob = q)$ICmax2</pre>
  ##Création d'un data frame
  df <- data.frame(</pre>
    Donnees = rep(c("evenement1", "evenement2"),2),
    Proba = rep(c(p,q),2),
    method = rep(c("method1", "method2"), each=2),
    ICmin = c(ICmin1.p,ICmin1.q,ICmin2.p,ICmin2.q),
    ICmax = c(ICmax1.p,ICmax1.q,ICmax2.p,ICmax2.q),
    stringsAsFactors = TRUE
 )
 return(df)
############## Application de la fonction
list <- mclapply(1:N, FUN = simu1.2,</pre>
                 n = 1000,
                 prob = 0.5,
                 mc.cores = 1) #si pas sous windows, remplacer 1 par nb_cores
df <- do.call(rbind, list)</pre>
head(df)
        Donnees Proba method
                                   ICmin
## 1 evenement1 0.493 method1 0.3950114 0.5909886
## 2 evenement2 0.507 method1 0.4090114 0.6049886
## 3 evenement1 0.493 method2 0.3970996 0.5894183
## 4 evenement2 0.507 method2 0.4105817 0.6029004
## 5 evenement1 0.504 method1 0.4060049 0.6019951
```

Nous visualisons en bas, les intervalles de confiance obtenus par les deux méthodes pour un événement p.

## 6 evenement2 0.496 method1 0.3980049 0.5939951

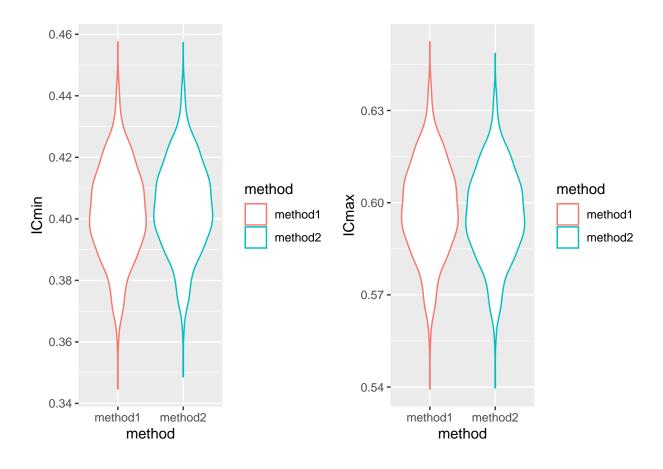
```
ev1 <- df[df[,1] == "evenement1",1:5]

pICmin.1 <- ggplot(ev1, aes(x = method, y = ICmin, color=method)) + geom_violin()
pICmax.1 <- ggplot(ev1, aes(x = method, y = ICmax, color=method)) + geom_violin()
grid.arrange(pICmin.1, pICmax.1, ncol=2)</pre>
```



Nous visualisons en bas, les intervalles de confiance obtenus par les deux méthodes pour un événement q, l'inverse de p.

```
ev2 <- df[df[,1] == "evenement2",1:5]
pICmin.2 <- ggplot(ev2, aes(x = method, y = ICmin, color=method)) + geom_violin()
pICmax.2 <- ggplot(ev2, aes(x = method, y = ICmax, color=method)) + geom_violin()
grid.arrange(pICmin.2, pICmax.2, ncol=2)</pre>
```



Partie 2 : Reproduire le tableau dans le cadre d'un sondage d'une population finie

Nous avons décidé d'appliquer les deux méthodes à un exemple concret, les élections américaines entre Trump et Biden.

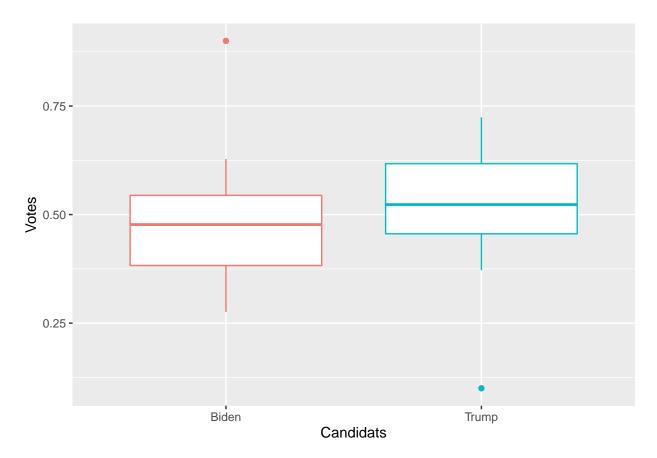
```
simu2 <- function(i, n = 100, etat, prob)
{
    B <- prob[i]
    Tr <- 1 - B

    ICmin1.B<- IC(prob = B)$ICmin1
    ICmax1.B<- IC(prob = B)$ICmax1
    ICmin2.B <- IC(prob = B)$ICmin2
    ICmax2.B <- IC(prob = B)$ICmin2
    ICmin1.Tr<- IC(prob = Tr)$ICmin1
    ICmax1.Tr<- IC(prob = Tr)$ICmin1
    ICmax2.Tr <- IC(prob = Tr)$ICmin2
    ICmin2.Tr <- IC(prob = Tr)$ICmin2
    ICmax2.Tr <- IC(prob = Tr)$ICmax2

df <- data.frame(
    Etat = etat[i],
    Candidats = rep(c("Biden", "Trump"), 2),
    Votes = rep(c(B,Tr), 2),</pre>
```

```
method = rep(c("method1", "method2"), each=2),
    ICmin = c(ICmin1.B,ICmin1.Tr,ICmin2.B,ICmin2.Tr),
    ICmax = c(ICmax1.B,ICmax1.Tr,ICmax2.B,ICmax2.Tr),
    stringsAsFactors = TRUE
  )
  return(df)
}
nEtats <- 51
table <- read.table ("prBiden.txt", col.names = c("Etat", "pr.Biden", "tendance"))
head(table)
##
     Etat pr.Biden tendance
## 1
       CA
             0.635
                      0.590
## 2
      NV
             0.501
                      0.499
## 3
            0.569 0.530
      OR
## 4
      WA
            0.584
                      0.549
## 5
       ID
             0.331
                      0.312
## 6
      MT
             0.406
                      0.396
list_results <- mclapply(1:nEtats, FUN = simu2,</pre>
                         n = 1000,
                         etat = table$Etat,
                         prob = table$tendance,
                         mc.cores = 1) #si pas sous windows, remplacer 1 par nb_cores
df.BvsT <- do.call(rbind, list results)</pre>
head(df.BvsT)
##
     Etat Candidats Votes method
                                       ICmin
## 1
              Biden 0.590 method1 0.4936024 0.6863976
## 2
              Trump 0.410 method1 0.3136024 0.5063976
              Biden 0.590 method2 0.4920143 0.6813269
## 3
       CA
## 4
              Trump 0.410 method2 0.3186731 0.5079857
       CA
## 5
      NV
              Biden 0.499 method1 0.4010020 0.5969980
## 6
      NV
              Trump 0.501 method1 0.4030020 0.5989980
real_list_results <- mclapply(1:nEtats, FUN = simu2,</pre>
                         n = 1000,
                         etat = table$Etat,
                         prob = table$pr.Biden,
                         mc.cores = 1) #si pas sous windows, remplacer 1 par nb_cores
df.BvsT.real <- do.call(rbind, real_list_results)</pre>
head(df.BvsT.real)
     Etat Candidats Votes method
##
                                       ICmin
                                                 ICmax
## 1
       CA
              Biden 0.635 method1 0.5406414 0.7293586
## 2
              Trump 0.365 method1 0.2706414 0.4593586
       CA
## 3
       CA
              Biden 0.635 method2 0.5372745 0.7227373
## 4
              Trump 0.365 method2 0.2772627 0.4627255
       CA
## 5
      NV
              Biden 0.501 method1 0.4030020 0.5989980
              Trump 0.499 method1 0.4010020 0.5969980
## 6
      NV
```

```
bp <- ggplot(df.BvsT, aes(x=Candidats, y=Votes, color=Candidats)) +
  geom_boxplot() +
  theme(legend.position = "none")
bp</pre>
```



##Sourcesvotes rééls : https://www.huffpost.com/elections tendance vote : https://www.270towin.com/states/ TD5 2019-2020 L2SDV-MSV31 TD5-Estimation par intervalle et théorème central limite https://fr.wikipedia.org/wiki/Intervalle\_de\_confiance