

- Introduction
 - [Overview](#)
 - [Dataset](#)
 - [Contact](#)
- M0. Checking Databases
 - [Databases](#)
- M1. Data Preprocessing
 - [Download GEO data](#)
 - [Quality assessment](#)
 - [Reads trimming](#)
 - [Reads alignment](#)
- M2. Differential Expression
 - [Transcript assembly & quantification](#)
 - [Differential expression](#)
- M3. Site Detection - Host
 - [m6A-seq data analysis](#)
 - [Motif finding](#)
 - [Distribution of m6A sites](#)
 - [Visualization of reads](#)
 - [Annotation Web Server](#)
- M4. Site Detection - Virus
 - [m6A-seq data analysis](#)
 - [Visualization of reads](#)
- M5. Differential Methylation
 - [m6A-seq data analysis](#)
 - [Distribution of m6A sites](#)
 - [Visualization of reads](#)
 - [GO enrichment analysis](#)
 - [Annotation Web Server](#)
- M6. Reference based analysis
 - [m6A-seq data analysis](#)
- Appendix
- **Project Documentation**