# La bioinformática como herramienta en el diagnóstico oncológico.

López Pérez Frida Fernanda Sánchez Rangel Joanna Lizeth

### INTRODUCCIÓN

La lucha contra el cáncer ha avanzado mucho en los últimos 30 años, al igual que ha mejorado la tasa de supervivencia, sin embargo aún es difícil alcanzar una cura generalizada.

### **OBJETIVO**

Nuestro objetivo es mostrar que la bioinformática es un excelente aliado en la medicina para entender, desarrollar tratamientos y diagnosticar el cáncer. Centrándonos en México como el contexto de desarrollo del presente trabajo, debido a que es uno de los países subdesarrollados con mayor índice de cáncer y mortalidad en el mismo.

# ¿Cómo se identifican los cambios genéticos en el tumor?

las actuales plataformas de secuenciación, inicialmente descritas como "secuenciadores de nueva generación" (NGS por sus siglas en inglés) permiten caracterizar de manera holística el epigenoma, el genoma y el transcriptoma de un tumor primario en particular. Inicialmente, se obtiene ADN y ARN de biopsias tisulares del tumor, o de biopsias liquidas: ADN y ARN circulantes o derivados de exosomas, provenientes del tumor.

### DESIGUALDAD SOCIAL

01

Acceso a trabajos estables y seguros 02

Servicios educativos y de salud de calidad 03

Discriminación por etnia, género o nivel de ingresos 04

Condición migratoria

# SITUACIÓN EN MÉXICO

En México, ante la ausencia de un sistema universal de salud, es crucial desarrollar un programa nacional de control del cáncer para coordinar las acciones de los subsistemas que operan de manera fragmentada

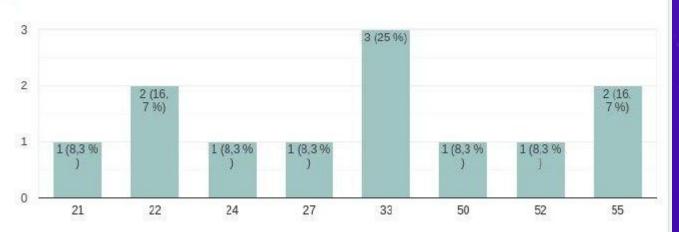
## MÉTODO

Se realizó una encuesta a 12 participantes, donde todos ellos son estudiantes de medicina y médicos. Las preguntas que se realizaron fueron las siguientes:

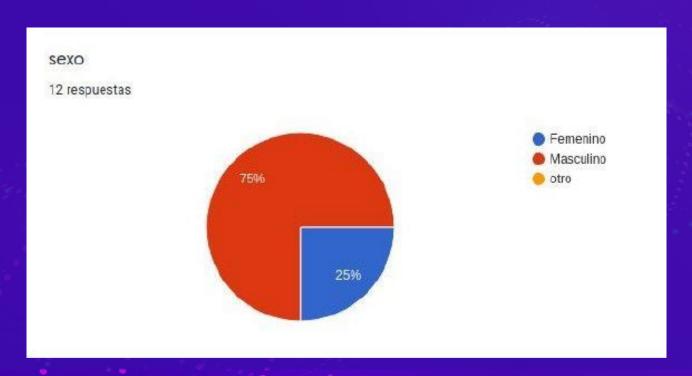
#### > Edad:

#### Edad

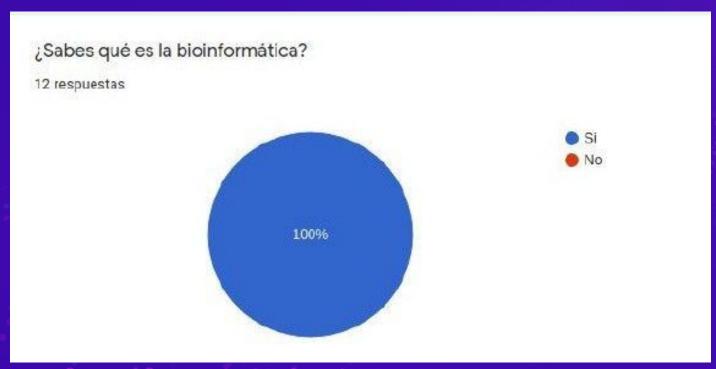
12 respuestas



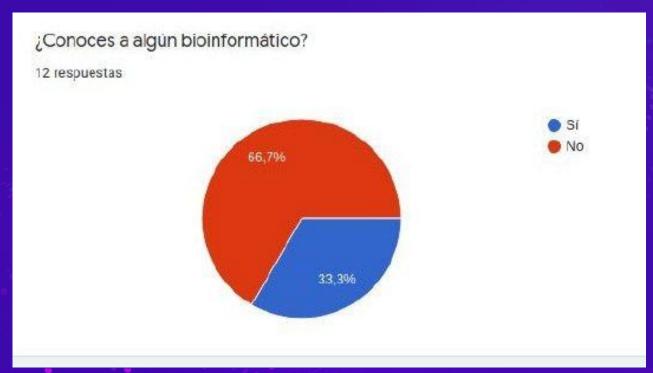
#### > Sexo:



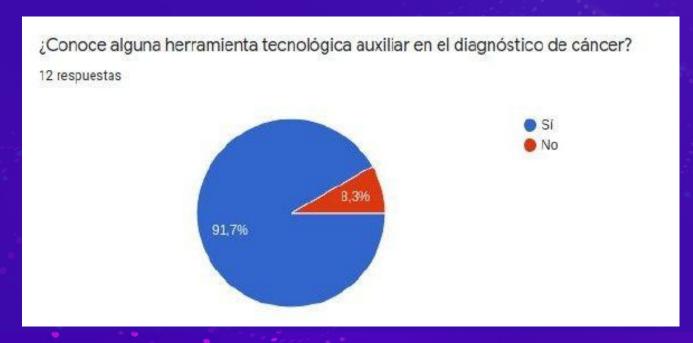
#### 



#### **D** ¿Conoces a algún bioinformático?



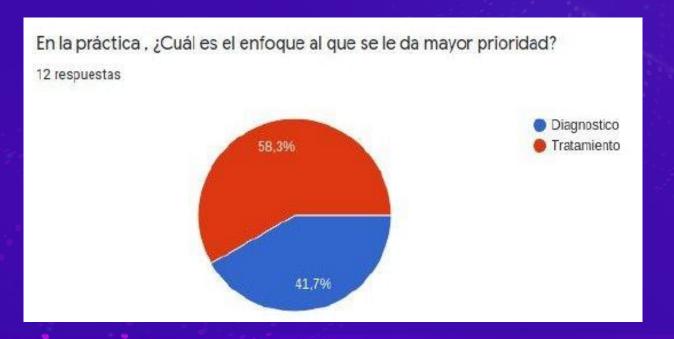
### ¿Conoce alguna herramienta tecnológica auxiliar en el diagnóstico de cáncer?



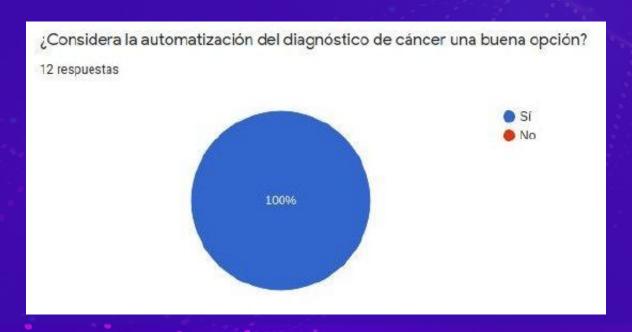
Durante sus prácticas médicas, ¿Alguna vez mencionaron la secuenciación y análisis de genes como un factible camino de diagnóstico en algún paciente?



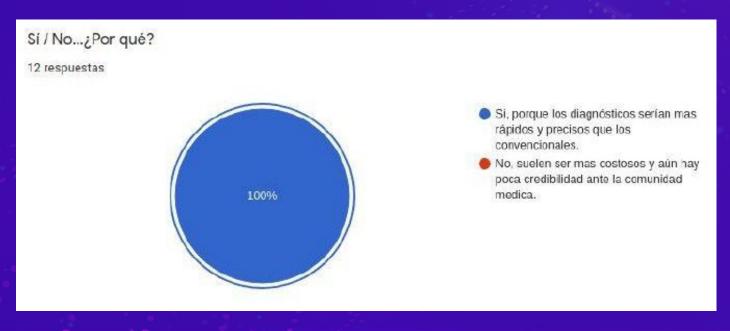
# En la práctica, ¿Cuál es el enfoque al que se le da mayor prioridad? - Diagnóstico - Tratamiento



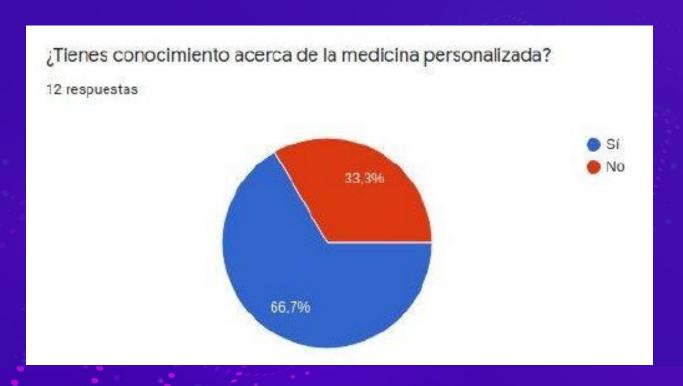
#### 



#### 



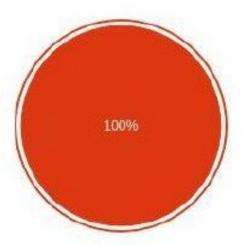
#### **Tienes conocimiento acerca de la medicina personalizada?**



#### **D** La medicina personalizada se basa en....

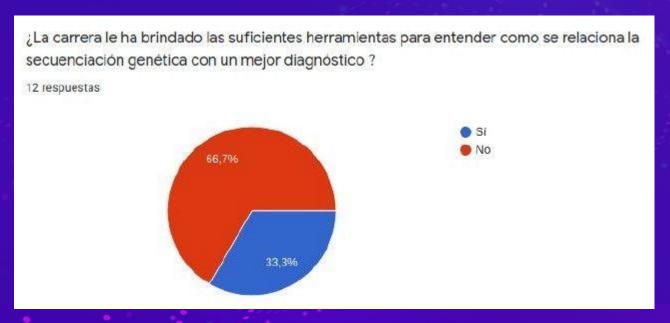
La medicina personalizada se basa en....

12 respuestas



- llevar acabo el mismo tratamiento para las personas con un mismo tipo de cáncer.
- la atención medica de acuerdo a sus genes y enfermedad especifica.
- las dos opciones mencionadas anteriormente

¿La carrera le ha brindado las suficientes herramientas para entender como se relaciona la secuenciación genética con un mejor diagnóstico?



Description de diferentes disciplinas en el área médica ? (ciencias de la computación, biología y matemáticas)

¿Usted cree que es importante la unión de diferentes disciplinas en el área médica ? (ciencias de la computación, biología y matemáticas)

100%

12 respuestas

### CONCLUSIONES

- A pesar de que los estudiantes de medicina y médicos tengan conocimientos de las nuevas herramientas desarrolladas basadas en el estudios de la bioinformática, esto no es suficiente.
- Existen distintos factores para que estas herramientas no se usen.