

Projeto A: Sistema de Partículas

João Victor Dell Agli Floriano

08/10/2024

1 Resumo

Apesar de o formalismo de Fourier ter representado uma importante revolução na área de processamento de sinais, sendo uma das bases fundamentais de Ressonância Magnética Nuclear, ele apresenta limitações de identificação de sinais específicos em espectros com alto grau de superposição de picos. Nesse contexto, o Matrix Pencil Method (MPM) foi apresentado como uma alternativa de pós-processamento, visto que sua aplicação permite uma melhor separação das componentes de interesse do sinal.(1) Entretanto, o método ainda carece de limites bem definidos, particularmente no que se refere à aplicabilidade específica aos dados de Espectroscopia por Ressonância Magnética (MRS), nos quais o nível de ruído pode ser um desafio extra. Assim, o presente trabalho tem como objetivo central a implementação e utilização do MPM para processamento dos dados de MRS, bem como a avaliação de sua acurácia e eficiência. Para isso, foram implementadas rotinas para simulação de sinais sintéticos de MRS cerebral. Essa implementação foi realizada a partir de uma base de dados de metabólitos, compostos químicos encontrados no cérebro humano. (2) Esse sinal temporal complexo foi corrompido por alguns fatores que reconhecidamente influenciam na legibilidade do sinal.(3), sendo elas ruído, aqui gerado artificialmente, alargamento dos picos espectrais, através da alteração dos tempos de relaxação efetivos, e manutenção do sinal residual da água. O ruído foi gerado utilizando valores gerados aleatoriamente a partir de uma distribuição de probabilidade gaussiana. Cada uma das componentes de ruído é adicionada à uma componente do sinal complexo e, então, o sinal de magnitude é calculado. O espectro de MRS é, então, obtido a partir da Transformada de Fourier (FT) do sinal e, pode, então, ser analisado. Um estudo inicial está sendo realizado de maneira a caracterizar a relação entre a relação sinal ruído (SNR) do espectro simulado e o desvio padrão (SD) da distribuição geradora do ruído no sinal temporal. Os primeiros resultados sugerem uma relação aproximadamente linear para valores mais baixos de ruído e uma saturação para valores mais altos. Os limites destes comportamentos, bem como sua caracterização para diferentes condições do sinal simulado, ainda estão sendo completamente caracterizados. A partir de então, pretende-se, com este sinal sintético corrompido, estudar como se comporta o MPM sob diferentes níveis de corrupção, com o objetivo

de delimitar melhor a eficiência deste algoritmo na obtenção dos espectros de interesse. Em seguida, pretende-se enfim testar o algoritmo em sinais in vivo de espectroscopia, usando os resultados obtidos na etapa anterior como base para uma discussão mais qualificada dos resultados.

2 Introdução

1. Falar sobre a importância de se ter um ambiente controlado para o objetivo final do trabalho.
- 2.

3 Métodos

Para atingir o objetivo final de avaliação do MPM em sinais cerebrais de MRS, algumas etapas foram necessárias para que as condições ideais de testagem fossem estabelecidas. Para que esse algoritmo seja devidamente avaliado, é necessário primeiro garantir um quantidade suficiente de sinais de MRS das mais variadas condições para que uma análise estatística adequada seja feita.

Tendo esse objetivo como base, a primeira etapa do projeto foi a criação de um ambiente de simulação que tivesse a capacidade de lidar com as demandas do projeto. A simulação, escrita em uma biblioteca própria customizada de python, parte da equação básica de modelagem de um sinal de ressonância magnética, descrita em 1.

$$M(t) = M_0 e^{i(\omega t + \phi)} e^{-\frac{t}{T_2}} \quad (1)$$

Essa equação descreve o valor da magnetização da parte da amostra, medida em Tesla (T)

$$SNR = \frac{P}{\sigma} \quad (2)$$

$$f(x) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}} e^{-\frac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}} \quad (3)$$

Usando o Tetrametilsilano (TMS) como referência para os desvios químicos.

Metabolite	δ (ppm)	T_2 (s)	Amplitude (U.A.)
gaba	1.9346	1.9900e-02	0.2917
naa	2.0050	7.3500e-02	0.4289
naag	2.1107	6.6000e-03	0.0290
glx2	2.1157	9.0900e-02	0.0184
gaba2	2.2797	8.3300e-02	0.0451
glu	2.3547	1.1630e-01	0.0427
cr	3.0360	9.2600e-02	0.2026
cho	3.2200	1.1360e-01	0.0776
m-ins3	3.2570	1.0530e-01	0.0202
m-ins	3.5721	1.4710e-01	0.0411
m-ins2	3.6461	2.2220e-01	0.0150
glx	3.7862	4.5700e-02	0.1054
cr2	3.9512	4.0000e-02	0.2991
cho+m-ins	4.1233	8.8000e-03	0.8244

Tabela 1: Informações dos metabólitos

4 Resultados e Discussão

5 Conclusão

A partir do estudo da relação entre desvios padrão e o SNR resultante, foi verificada uma relação linear para valores baixos de sigma, e uma saturação para valores mais altos. Também foram calculados parâmetros de ajuste dos dados, com os quais foi feita a correção dos valores de SNR de entrada, viabilizando a dedução de uma função que relacionasse diretamente sigma e SNR com uma margem de erro relativamente baixa para as intenções do projeto.